**血缘分析使用方法:**

1. py脚本命名最好与脚本中的最终目标表一致. 如脚本中有多个insert, 最后一个目标表名为app\_vdp\_123, 那脚本名就叫app\_vdp\_123.py.
2. 将要分析的py脚本放入同一路径下(如:home/app/test).
3. 确认路径下有common文件夹. 空文件夹即可.
4. Linux命令行: lineage + 路径(home/app/test).
5. 看到任务完成的提示. 在home/app/test下生成index.html.
6. 下载index.html, 拖到浏览器中显示. 最好Firefox或者Chrome.

