PROJET 3 SOUTENANCE

PREPAREZ DES DONNEES POUR UN ORGANISME DE SANTE PUBLIQUE:

EXPLORATION ET VISUALISATION DE DONNEES

#CLEANING

#ANALYSE DESCRIPTIVE UNIVARIEE, BIVARIEE, MULTIVARIEE
#ANOVA #ACP

#VOILA (dashboarding interactif)

#ANALYSE EXPLICATIVE MULTIVARIEE

#REGRESSION LINEAIRE

#PANDAS #MATPLOTLIB

#STATISTICS #SCIPY.STATS #STATSMODELS #SKLEARN

Ingénieur IA

Développez et intégrez des algorithmes de Deep Learning au sein d'un produit IA





SOMMAIRE

Projet 3

Préparez des données pour un organisme de santé publique

A. INTRODUCTION

- Contexte
- 2. Objectifs

B. PREREQUIS AU PROJET

- Voila
- 2. Données: openfood facts

C. Projet: Nettoyage de données

D. Projet: Analyse statistique

- 1-A: DESCRIPTIVE Quantitative Univariée
- 1-B: DESCRIPTIVE Catégories Univariée
- 1-C: DESCRIPTIVE Bivariée
- 1-D: DESCRIPTIVE / EXPLICATIVE Multivariée
- 1-E: Analyse explicative multivariée: Régression multiple



1. Contexte

- ENJEU global: rendre les données de santé publique plus accessibles, pour qu'elles soient utilisables par les agents de santé publique France
- ENJEU DU P3: exploration et visualisation des données
- DONNEES SOURCES
 - le jeu de données : openfood
 - https://world.openfoodfacts.org/
 - https://s3-eu-west-1.amazonaws.com/static.ocstatic.com/prod/courses/files/parcours-datascientist/P2/fr.openfoodfacts.org.products.csv.zip
 - Descriptif: https://s3-eu-west-
 l.amazonaws.com/static.oc static.com/prod/courses/files/AI+Engineer/Project+3
 +-

+Pr%C3%A9parez+des+donn%C3%A9es+pour+un+or ganisme+de+sant%C3%A9+publique/Open_Food_Fa cts_data-fields.txt



2. Objectifs

SCRIPT:

- repérer des variables pertinentes
- Automatiser les traitements en les rendant flexibles
- produire des visualisations et des analyses
 univariées pour chaque variable jugée pertinente
- Confirmer ou infirmer des hypothèses à l'aide
 d'une analyse multivariée descriptive et
 explicative
 - avec tests statistiques appropriés









PREREQUIS AU PROJET

1. Voila

- INSTALLATION du package VOILA
 - Jupyter est un outils exceptionnel pour fluidifier les workflows allant de l'analyse exploratoire à la communication des résultats
 - Il n'est cependant pas adapté à toutes les audiences et en particulier au personnes non techniques
 - **Voila** vient pallier ce problème en rendant les notebooks interactifs dans une application web sécurisée interactive dont le code n'est pas accessible

Dashboarding et applications web:

2 mondes

• Dev sur mesure en javascript
• Beau mais couteux car nécessite un développeur web

• Coutils automatique avec peu de développement web

• Dokeh

• Shiny

• Shiny

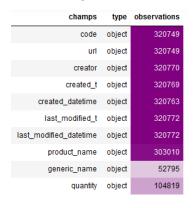
2. Données: openfood

- Descriptif pas complètement à jour: https://s3-eu-west-1.amazonaws.com/static.oc-static.com/prod/courses/files/AI+Engineer/Project+3+-
 https://s3-eu-west-1.amazonaws.com/static.oc-static.com/prod/courses/files/AI+Engineer/Project+3+-
 https://s3-eu-west-1.amazonaws.com/static.oc-static.com/prod/courses/files/AI+Engineer/Project+3+-
 https://s3-eu-west-1.amazonaws.com/static.oc-static.com/prod/courses/files/AI+Engineer/Project+3+-
 https://sa.eu-west-1.amazonaws.com/static.oc-static.com/stat
- 162 champs: 4 types de champs:
 - Les informations générales sur la fiche du produit : nom, date de modification, etc.
 - 10 champs
 - Un ensemble de tags : catégorie du produit, localisation, origine, etc.
 - 24 champs
 - Les ingrédients composant les produits et leurs additifs éventuels.
 - 29 champs
 - Des informations nutritionnelles : quantité en grammes d'un nutriment pour 100 grammes du produit.
 - 99 champs
- Generalités sur les champs

suffixe du champs	
_t	date unix depuis 01/01/1970
_datetime	date format yyyy-mm-ddThh:mn:ssZ
_tags	liste de tags separés par une virgule
_(2letter language code)	liste de tags dans le language
_100g	montant de nutriment en g ou kj pour 100g ou 100ml
_serving	montant de nutriment en g ou kj pour 1 dose

2. Données: openfood 320772 lignes – Presque 1Go de données

Information générales 10 champs



Tags 24 champs

packaging	object	78960
packaging_tags	object	78961
brands	object	292360
brands_tags	object	292352
categories	object	84410
categories_tags	object	84389
categories_fr	object	84411
origins	object	22190
origins_tags	object	22153
manufacturing_places	object	36501
manufacturing_places_tags	object	36495
labels	object	46559
labels_tags	object	46644
labels_fr	object	46666
emb_codes	object	29306
emb_codes_tags	object	29303
first_packaging_code_geo	object	18803
cities	object	23
cities_tags	object	20320
purchase_places	object	58193
stores	object	51722
countries	object	320492
countries_tags	object	320492
countries_fr	object	320492

Ingrédients 29 champs

•		
ingredients_text	object	248962
allergens	object	28344
allergens_fr	object	19
traces	object	24353
traces_tags	object	24329
traces_fr	object	24352
serving_size	object	211331
no_nutriments	float64	0
additives_n	float64	248939
additives	object	248905
additives_tags	object	154680
additives_fr	object	154680
ingredients_from_palm_oil_n	float64	248939
ingredients_from_palm_oil	float64	0
ingredients_from_palm_oil_tags	object	4835
gredients_that_may_be_from_palm_oil_n	float64	248939
ingredients_that_may_be_from_palm_oil	float64	0
dients_that_may_be_from_palm_oil_tags	object	11696
nutrition_grade_uk	float64	0
nutrition_grade_fr	object	221210
pnns_groups_1	object	91513
pnns_groups_2	object	94491
states	object	320726
states_tags	object	320726
states_fr	object	320726
main_category	object	84366
main_category_fr	object	84366
image_url	object	75836
image_small_url	object	75836

2. Données: openfood 320772 lignes – Presque 1Go de données

Information nutritionnelles- 99 champs

energy_100g	float64	261113	mead-acid_100g	float64	0	vitamin-b9_100g	float64	5240
energy-from-fat_100g	float64	857	erucic-acid_100g	float64	0	folates_100g	float64	3042
fat_100g	float64	243891	nervonic-acid_100g	float64	0	vitamin-b12_100g	float64	5300
saturated-fat_100g	float64	229554	trans-fat_100g	float64	143298	biotin_100g	float64	330
butyric-acid_100g	float64	0	cholesterol_100g	float64	144090	pantothenic-acid_100g	float64	2483
caproic-acid_100g	float64	0	carbohydrates_100g	float64	243588	silica_100g	float64	38
caprylic-acid_100g	float64	1	sugars_100g	float64	244971	bicarbonate_100g	float64	81
capric-acid_100g	float64	2	sucrose_100g	float64	72	potassium_100g	float64	24748
lauric-acid_100g	float64	4	glucose_100g	float64	26	chloride_100g	float64	158
myristic-acid_100g	float64	1	fructose_100g	float64	38	calcium_100g	float64	141050
palmitic-acid_100g	float64	1	lactose_100g	float64	262	phosphorus_100g	float64	5845
stearic-acid_100g	float64	1	maltose_100g	float64	4	iron_100g	float64	140462
arachidic-acid_100g	float64	24	maltodextrins_100g	float64	11	magnesium_100g	float64	6253
behenic-acid_100g	float64	23	starch_100g	float64	266	zinc_100g	float64	3929
lignoceric-acid_100g	float64	0	polyols_100g	float64	414	copper_100g	float64	2106
cerotic-acid_100g	float64	0	fiber_100g	float64	200886	manganese_100g	float64	1620
montanic-acid_100g	float64	1	proteins_100g	float64	259922	fluoride_100g	float64	79
melissic-acid_100g	float64	0	casein_100g	float64	27	selenium_100g	float64	1168
monounsaturated-fat_100g	float64	22823	serum-proteins_100g	float64	16	chromium_100g	float64	20
polyunsaturated-fat_100g	float64	22859	nucleotides_100g	float64	9	molybdenum_100g	float64	11
omega-3-fat_100g	float64	841	salt_100g	float64	255510	iodine_100g	float64	259
alpha-linolenic-acid_100g	float64	186	sodium_100g	float64	255463	caffeine_100g	float64	78
eicosapentaenoic-acid_100g	float64	38	alcohol_100g	float64	4133	taurine_100g	float64	29
docosahexaenoic-acid_100g	float64	78	vitamin-a_100g	float64	137554	ph_100g	float64	49
omega-6-fat_100g	float64	188	beta-carotene_100g	float64	34	fruits-vegetables-nuts_100g	float64	3036
linoleic-acid_100g	float64	149	vitamin-d_100g	float64	7057	collagen-meat-protein-ratio_100g	float64	165
arachidonic-acid_100g	float64	8	vitamin-e_100g	float64	1340	cocoa_100g	float64	948
gamma-linolenic-acid_100g	float64	24	vitamin-k_100g	float64	918	chlorophyl_100g	float64	0
dihomo-gamma-linolenic-acid_100g	float64	23	vitamin-c_100g	float64	140867	carbon-footprint_100g	float64	268
omega-9-fat_100g	float64	21	vitamin-b1_100g	float64	11154	nutrition-score-fr_100g	float64	221210
oleic-acid_100g	float64	13	vitamin-b2_100g	float64	10815	nutrition-score-uk_100g	float64	221210
elaidic-acid_100g	float64	0	vitamin-pp_100g	float64	11729	glycemic-index_100g	float64	0
gondoic-acid_100g		14	vitamin-b6_100g	float64	6784	water-hardness_100g	float64	0



PROJET: NETTOYAGE DE DONNEES

C: Nettoyage de données

- 1-A: jeu volumineux de 320000 lignes/observations et 162 colonnes/variables
 - 10 champs d'informations générales : nom du produit, date de modification etc ...
 - 24 champs de tags : categorie de produit, localisation, origine
 - 29 champs d'ingrédients et d'additifs
 - 99 champs quantitatifs d'informations nutritionnelles pour 100gr de produit
- 1-B: filtrage des colonnes / variables par seuil de population
 - De nombreuses variables sont peu renseignées.
 - nous décidons d'oublier les colonnes dont le seuil de remplissage est inférieur à un certain seuil autour de 20%.
 - nous passons de 162 variables à 54
- 1-C: suppression des doublons de lignes en filtrant sur la variable "CODE"
 - filtre sur la variable "code" avec la fonction drop_duplicates correctement paramétré
 - suppression de 22 doublons
- 1-D: suppression des colonnes/variables redondantes
 - 3 variables de temps : c'est 2 de trop
 - suppression de colonnes en doublons ou inutiles:
 - 'packaging', 'brands', 'categories', 'categories_fr', 'countries',
 - 'countries_tags','additives','additives_fr','states','states_fr',
 - 'main_category','nutrition-score-uk_100g
 - On uniformise les syntaxes.
 - tiret remplacé par un espace
 - mise en minuscule
 - n-a, na, unknown passés en np.nan
 - extraction des prefix de langues dans les colonnes de groupe
- 1-E: Réduction du nombre de lignes
 - · Vision sous l'angle d'un seul pays suffisamment représenté: La France
 - Suppression de la colonne pays et des variables peu représentées dans l'univers France
 - · Suppression des lignes:
 - · sans données numériques de nutriment
 - · sans caracteristique de nom de produit, ni de marque

C: Nettoyage de données

• 1-E: Réduction du nombre de lignes

- Vision sous l'angle d'un seul pays suffisamment représenté: La France
- · Suppression de la colonne pays et des variables peu représentées dans l'univers France
- · Suppression des lignes:
 - · sans données numériques de nutriment
 - sans caracteristique de nom de produit, ni de marque

1-F: Nettoyage des catégories

- 3 variables de catégories différentes sont disponibles:
 - main_category / pnns1 / pnns2
- · Création d'un algorithme permettant de remplir les pnns manquants.
 - 600/700 observations vont être regagnées

• 1-G: Nettoyage de bon sens des données numériques

- Suppression de lignes aux données aberrantes:
 - L'energie pour 100g ne peut etre superieur à 3700kj
 - Les valeurs nutritionnelles ne peuvent être négatives (sauf pour le nutriscore qui peut aller à -15)
 - Les valeurs nutritionnelles ne peuvent depasser les 100g
 - 100gr de sel doit représenter 38.8g de sodium
 - · les graisses saturées doivent etre inferieures en quantité aux graisses
 - le nutriscore doit etre compris entre -15 et +40

1-H: Nettoyage des outliers des données numériques

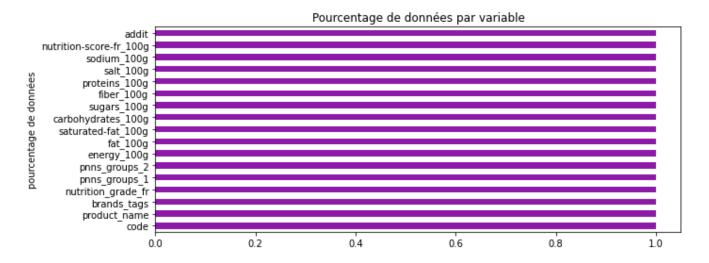
- Filtre IQR
 - filtre appliqué par catégorie pnns 2 afin d'etre plus fin
 - 1/3 des lignes sont retirées

1-I: Passage du nombre d'additif en booléen (avec/sans)

- On simplifie la variable nombre d'additifs
- 1-J: Suppression des variables sans interet pour notre analyse
- 1-K: Imputation des données quantitatives manquantes
 - un bon tiers de la variable fibre , élément semblant important, n'est pas renseigné.
 - Pour les analyses suivantes, de nombreuses techniques ne peuvent fonctionner avec des données manquantes comme l'ACP
 - Nous allons faire appel a un simple imputer / median qui est plus rapide que le KNN imputer
 - ce dernier imputera par groupe pnns2 afin d'etre relativement fin

C: Nettoyage de données

```
Résumé sur la table néttoyée:
20613 lignes / observations
17 colonnes / variables
3 variables descriptives: code - nom de produit - nom de marque
2 variables de catégories: pnns1 et pnns2
9 variables quantitatives de nutriments
1 variable booléenne: presence ou non d'additif
1 variable quantitative de nutriscore
1 variable catégéorie de nutrigrade
```



D

ANALYSE STATISTIQUE

1-A: DESCRIPTIVE - Quantitative - Univariée

statistiques descriptives des données quantitatives

	energy_100g	fat_100g	saturated- fat_100g	carbohydrates_100g	sugars_100g	fiber_100g	proteins_100g	salt_100g	sodium_100g	nutrition- score- fr_100g	addit
count	20,613.00	20,613.00	20,613.00	20,613.00	20,613.00	20,613.00	20,613.00	20,613.00	20,613.00	20,613.00	20,613.00
mean	1,131.77	13.66	5.93	27.30	12.02	1.91	8.53	0.80	0.31	8.37	0.63
std	752.07	14.90	8.42	27.11	16.55	2.01	7.12	0.73	0.29	9.26	0.48
min	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	-12.00	0.00
25%	448.00	2.00	0.50	3.00	0.80	0.20	3.30	0.13	0.05	1.00	0.00
50%	1,055.00	7.40	2.30	13.70	3.50	1.50	6.60	0.70	0.28	7.00	1.00
75%	1,730.00	23.50	9.00	54.00	18.00	2.90	11.80	1.20	0.47	16.00	1.00
max	3,700.00	100.00	70.00	93.00	77.40	15.20	33.00	4.61	1.81	29.00	1.00

BoxPlot:VARIABLES o energy_100g
O fat 100g

saturated-fat_100g

O carbohydrates_100g

sugars_100g

O fiber_100g

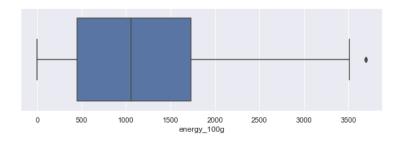
O proteins_100g

o salt_100g

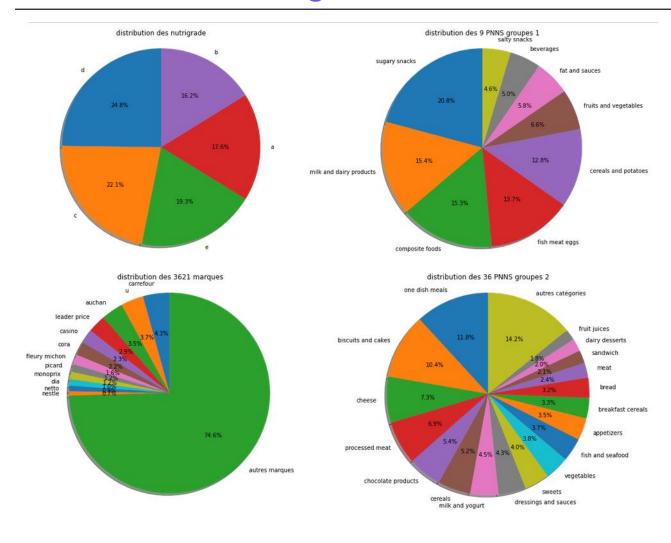
osodium_100g

onutrition-score-fr_100g

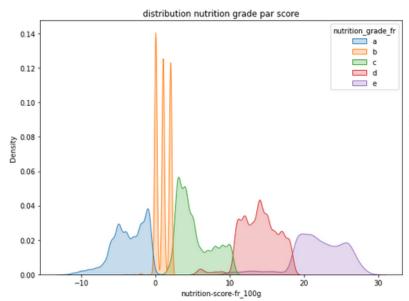
O addit

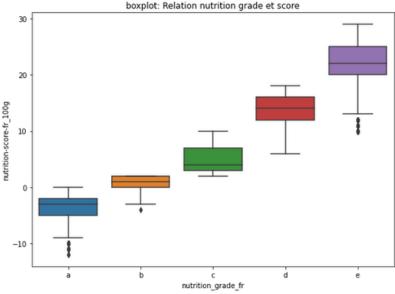


D: Analyse statistique 1-B:DESCRIPTIVE - Catégories - Univariée



- •Toutes les 5 catégories du nutrigrade sont bien représentées:
 - les meilleurs grades
 a et b sont
 legerement moins
 bien représentés que
 les mauvais grades
 d,c,e
- •Toutes les 9 catégories du PNNS groupe 1 sont également bien représentés:
 - les sucreries
 représentent 20%
 des données alors
 que les snacks salés,
 les boissons, le gras
 et sauces ainsi que
 les fruits et legumes
 ne représentent
 chacun que 5% des
 données
- •Concernant les 36 catégories du PNNS groupe 2:
 - les gateaux/biscuits ainsi que les plats cuisinés représentent à eux 2 20% des données.
- •Concernant les 3600 marques, les marques des hypermarchés sont le mieux représentées. Mais c'est une variable avec trop de modalité qui ne nous apportera pas d'information utile





statistique descriptive des grades/scores

	nutrition-score-fr_100g								
	count mean std min 25% 50% 75% ma								
nutrition_grade_fr									
a	3,632.00	-3.65	2.25	-12.00	-5.00	-3.00	-2.00	0.00	
b	3,334.00	0.95	0.84	-4.00	0.00	1.00	2.00	2.00	
С	4,552.00	5.29	2.36	2.00	3.00	4.00	7.00	10.00	
d	5,111.00	13.96	2.48	6.00	12.00	14.00	16.00	18.00	
e	3,984.00	21.89	3.53	10.00	20.00	22.00	25.00	29.00	

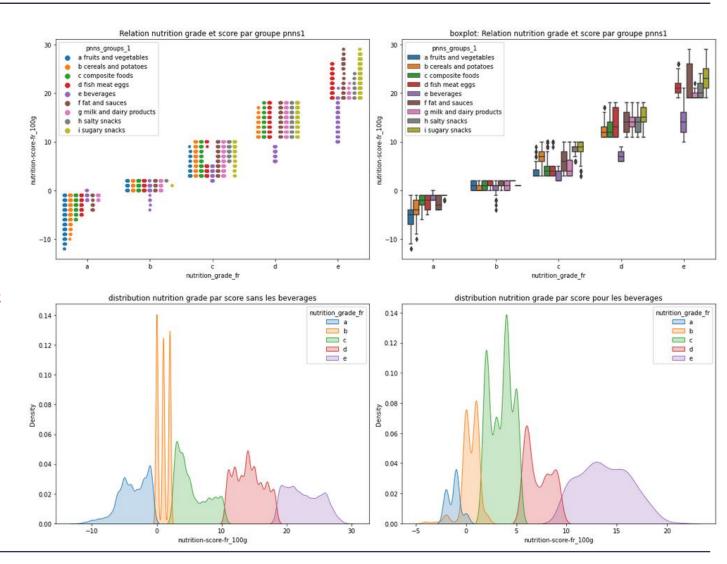
2-C-1: Relation visuelle claire entre nutrigrade et nutriscore

•chaque grade correspond à un intervalle de nutriscore

 les scores les moins élevés correspondent aux meilleurs grades alors que les scores les plus élevées correspondent aux moins bons grade

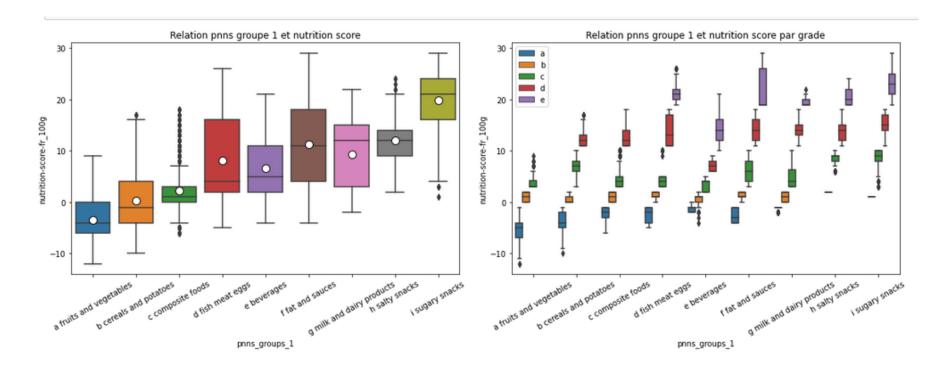
2-C-2: Relation entre nutrigrade et nutriscore : ventilation par PNNS groupe 1

- on s'aperçoit d'une relation grade/score légèrement différente par catégories
 - la relation
 ne semble
 pas avoir
 exactement
 les mêmes
 intervalles
 de score
 pour les
 boissons
- •Les fruits et légumes n'ont pas de mauvais grades d et e comme on peut s'en douter
- •Les sucreries et snacks salés n'ont pas de bons grades a et b



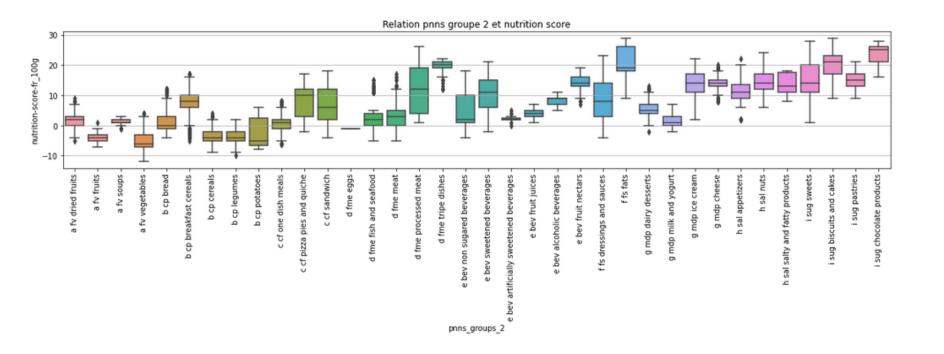
2-C-3: Relation entre pnns groupe 1 et nutrigrade/nutriscore

- •Une relation existe entre nutri score et catégorie de produit
 - · les fruits et légumes , les céréales ont les nutriscores les plus faibles donc les meilleurs grades
 - les fruits et légumes ne sont pas représentés dans les moins bons grades
 - à l'opposé les sucreries sont très mal placées
 - les sucreries et les snacks salés ne sont pas représentés dans les meilleures nutrigrades a/b



2-C-4: Relation entre pnns groupe 2 et nutriscore

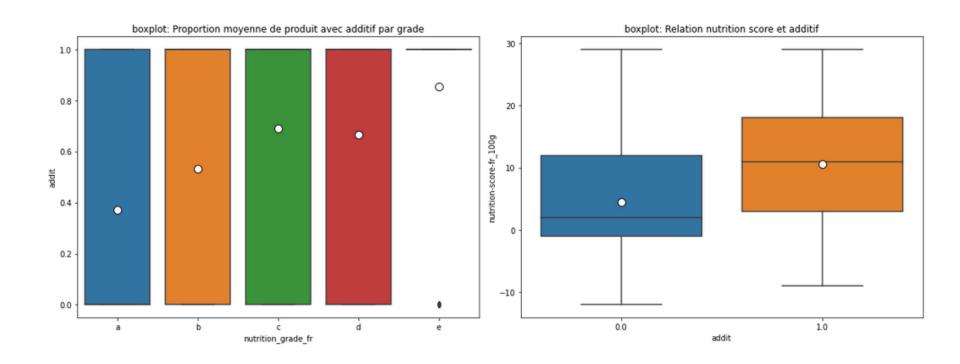
•Ce qui est vrai pour le Pnns groupe 1 l'est également pour le Pnns groupe 2 qui constitue un découpage plus fin



2-C-5: Relation entre additifs et nutrigrade

on observe une relation entre la présence ou non d'additif avec le nutri score et le nutri grade.

- les produits du grade e ont en très grande majorité des additifs.
- le groupe a possède la plus faible proportion de présence d'additif. Cette proportion moyenne augmente avec les grades



2-C-5: Relation entre données quantitatives nutritionnelles et nutriscore¶

2-C-5-A: Nuages de points bivariés

•Quelques relations qu'on devine visuellement

2-C-5-B: Relation lineaire? - corrélation de Pearson

- •Des corrélations de **pearson** significatives
 - corrélation positive avec le nutriscore :

corrélation négative entre sucre et sel

1.00

- 0.75

- 0.50

- 0.25

-0.00

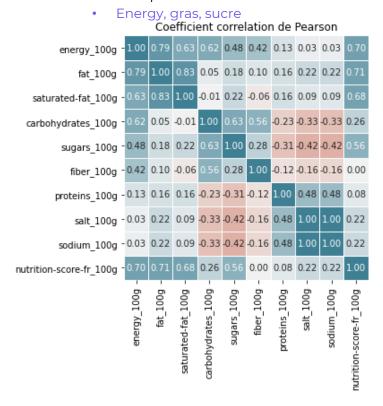
corrélation parfait entre sel et sodium

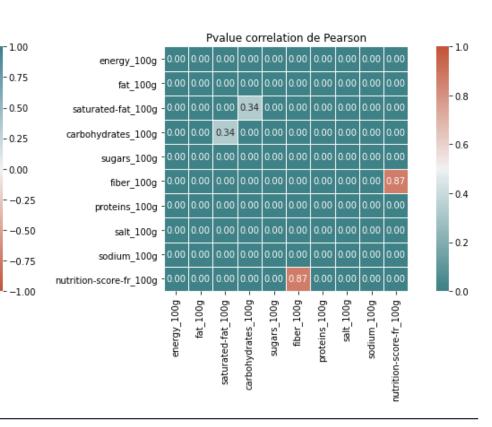
corrélation positive entre gras et Energie

corrélation positive entre protéine et sel

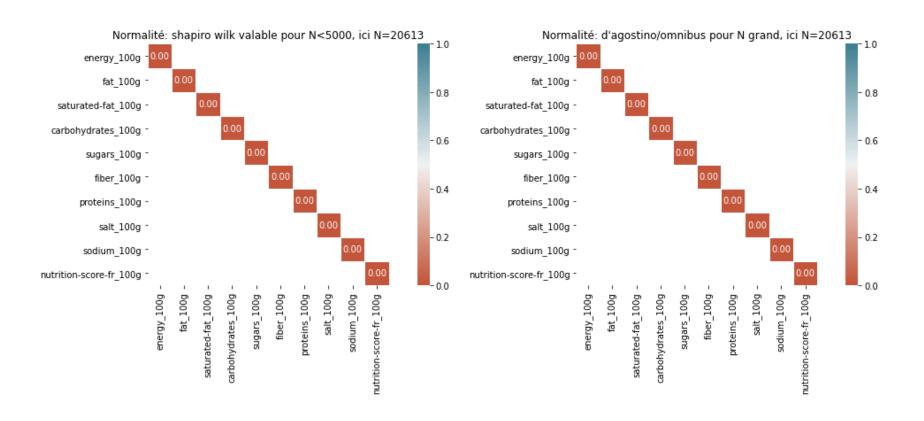
corrélation positive entre sucre et hydrates de carbone

corrélation positive entre fibre et hydrates de carbone





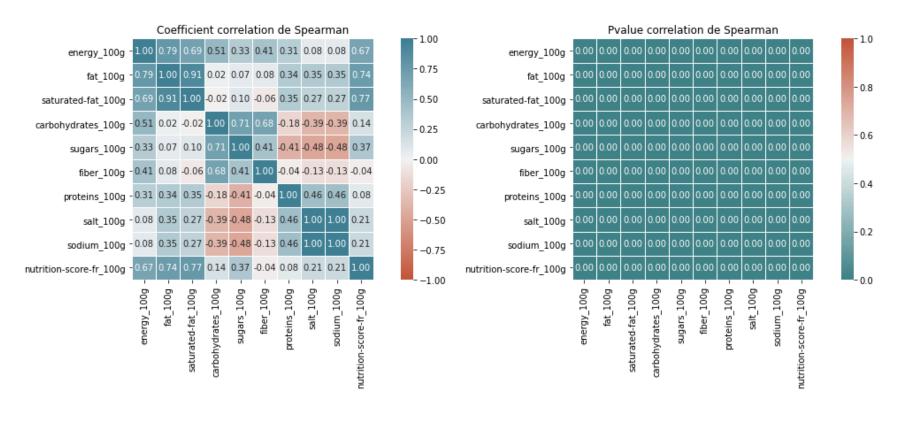
•Mais l'hypothèse de normalité non respectée ne permet pas de valider les résultats de relation de linearité



2-C-5: Relation entre données quantitatives nutritionnelles et nutriscore.

2-C-5-C: Relation monotone non paramétrique? - corrélation de Spearman

- ·Corrélation de rang de spearman
 - les relations précédemment décrites mais monotones, cette fois ci, sont significatives



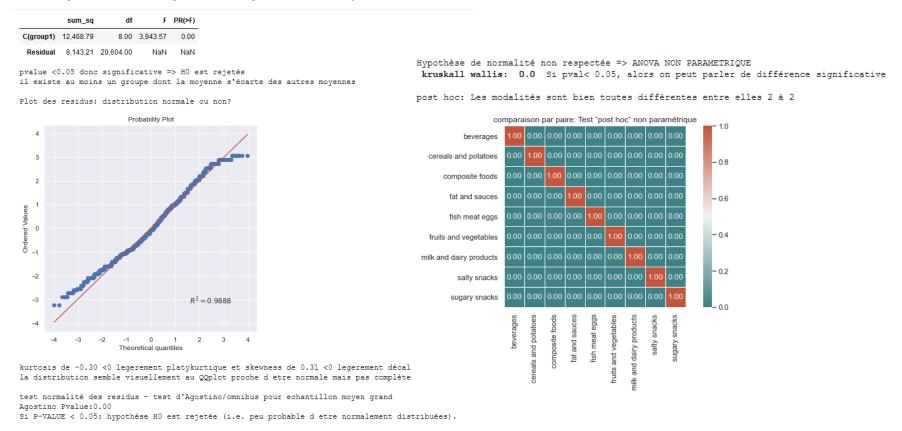
- •On peut identifier deux grandes familles de méthode d'analyse multivariée
 - les méthodes descriptives
 - visant à structurer et résumer l'information:
 - ACP, AFC-ACM, analyse factorielle, clustering, MDS (positionnement multidimensionnel)
 - les méthodes explicatives
 - visant à expliquer une ou des variables dites « dépendantes » (variables à expliquer) par un ensemble de variables dites « indépendantes » (variables explicatives).
 - · analyse de régression multiple
 - analyse de variance multivariée (ANOVA: bivariée)
 - analyse discriminante
 - régression logistique
 - arbre de décision
 - réseau de neurones, etc...

2-D-1: Analyse explicative entre variables catégorielles et score quantitatif : ANOVA

- •l'analyse de la variance [ANOVA : analysis of variance] est un ensemble de modèles statistiques utilisés pour vérifier si les moyennes des groupes [modalités d'une variable explicative] proviennent d'une même population.
 - Ce test s'applique lorsque l'on mesure une ou plusieurs variables explicatives catégorielle (facteurs, leurs différentes modalités étant parfois appelées « niveaux ») qui ont de l'influence sur la loi d'une variable continue à expliquer.
 - On parle d'analyse à un facteur lorsque l'analyse porte sur un modèle décrit par un seul facteur de variabilité, d'analyse à deux facteurs ou d'analyse multifactorielle sinon.
 - L'analyse de la variance permet d'étudier le comportement d'une variable quantitative à expliquer en fonction d'une ou de plusieurs variables qualitatives, aussi appelées nominales catégorielles.

2-D-1-a: Analyse explicative entre la variable catégorielle: GROUPE 1 et score quantitatif: NUTRISCORE : ANOVA

- ·L'anova montre des valeurs significatifs mais l'hypothèse de normalité des résidus n'est pas respectée
- •L'anova non paramétrique Kruskall wallis valide le fait que la variable qualitative pnns groupe 1 possède une valeur explicative sur le nutriscore
- •Le test post hoc non paramétrique montrent que toutes les modalités sont différentes 2 à 2



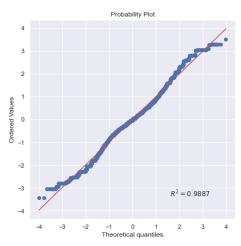
2-D-1-b: Analyse explicative entre la variable catégorielle: GROUPE 2 et score quantitatif: NUTRISCORE : ANOVA¶

- ·L'anova montre des valeurs significatifs mais l'hypothèse de normalité des résidus n'est pas respectée
- •L'anova non paramétrique Kruskall wallis valide le fait que la variable qualitative pnns groupe 2 possède une valeur explicative sur le nutriscore



pvalue <0.05 donc significative => H0 est rejetée il existe au moins un groupe dont la moyenne s'écarte des autres moyennes

Plot des residus: distribution normale ou non?



kurtosis de 0.55 >0 legerement leptokurtique et skewness de 0.06 >0 legerement décalée à gauche la distribution semble visuellement au QQplot proche d etre normale mais pas complètement

test normalité des residus - test d'Agostino/omnibus pour echantillon moyen grand Agostino Pvalue:0.00

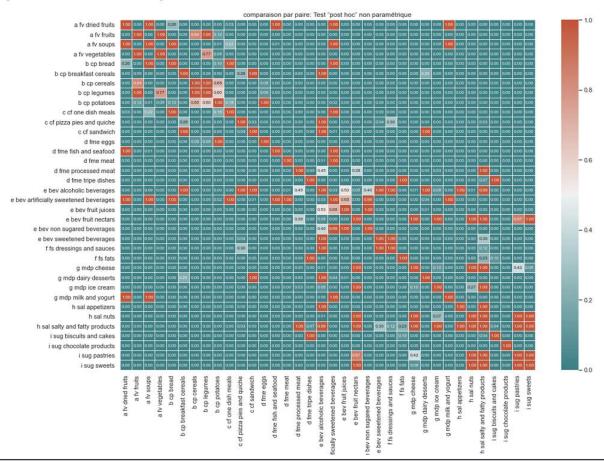
Si P-VALUE < 0.05: hypothèse HO est rejetée (i.e. peu probable d etre normalement distribuées).

Hypothèse de normalité non respectée => ANOVA NON PARAMETRIQUE kruskall wallis: 0.0 Si pval< 0.05, alors on peut parler de différence significative

2-D-1-b: Analyse explicative entre la variable catégorielle: GROUPE 2 et score quantitatif: NUTRISCORE : ANOVA¶

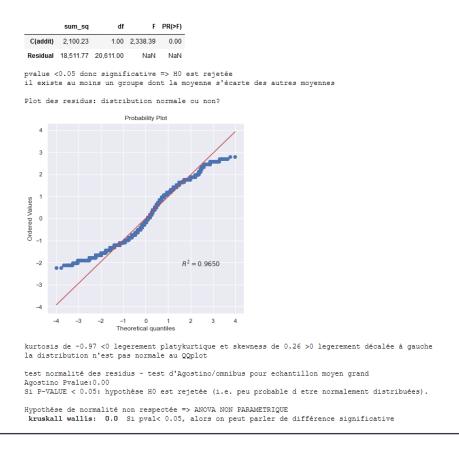
•Le test post hoc non paramétrique montrent que toutes les modalités sont différentes 2 à 2

post hoc: Les modalités ne sont pas toutes différentes entre elles 2 à 2



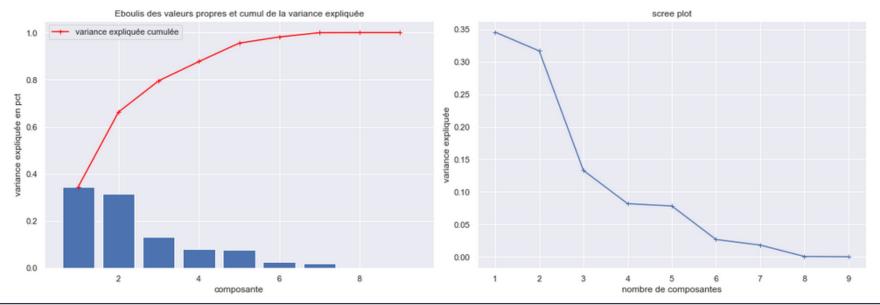
2-D-1-c: Analyse explicative entre la variable catégorielle: additif(présence ou non) et score quantitatif: NUTRISCORE : ANOVA

- ·L'anova montre des valeurs significatifs mais l'hypothèse de normalité des résidus n'est pas respectée
- •L'anova non paramétrique Kruskall wallis valide le fait que la variable qualitative présence d'additif possède une valeur explicative sur le nutriscore



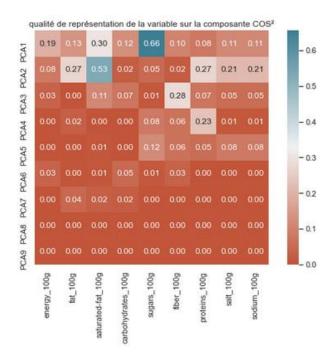
2-D-2: Analyse descriptive multivariée : ACP : réduction de dimension des variables quantitatives

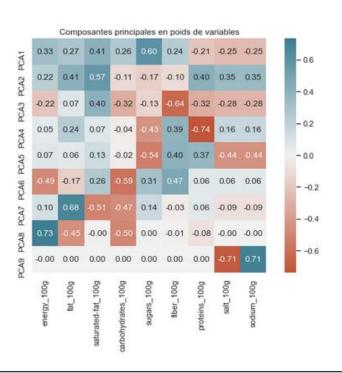
- •entre 85 et 90% de la variance est expliquée par les 4 premiers facteurs
 - Par ailleurs la qualité de représentation des variables sur les composantes , exprimée par le cos2, est quasi nulle à partir de la composante 5
- •les 2 premiers facteurs sont relativement corrélés au nutriscore
 - La première composante est une composante gras/sucrée
 - La 2 -ème composantes est plutôt sel/gras
 - La 3 -ème est plutôt une composante anti fibre
 - et la 4 -ème anti protéine
- •Au final le **premier plan factoriel** représente un angle de vision **"mal-bouffe"**
- •Alors que le **2éme** est plutot **anti "nourriture saine"**



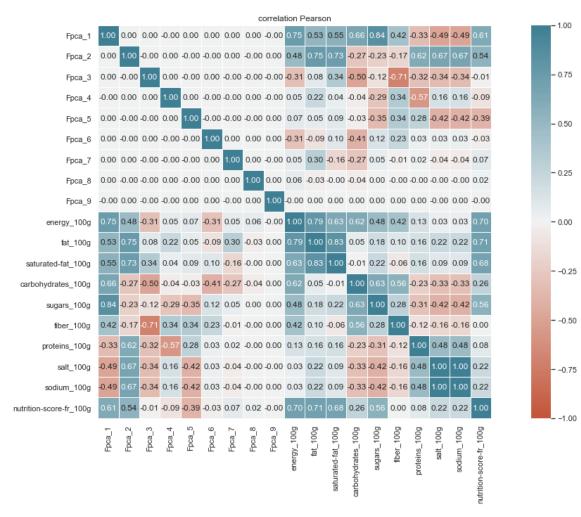
2-D-2: Analyse descriptive multivariée : ACP : réduction de dimension des variables quantitatives

- ·les 2 premiers facteurs sont relativement corrélés au nutriscore
 - La première composante est une composante gras/sucrée
 - La 2 -ème composantes est plutôt sel/gras
 - La 3 -ème est plutôt une composante anti fibre
 - et la 4 -ème anti protéine
- •Au final le premier plan factoriel représente un angle de vision "mal-bouffe"
- •Alors que le **2éme** est plutôt **anti "nourriture saine"**

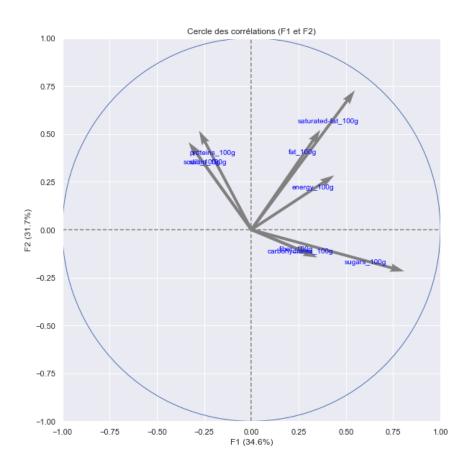


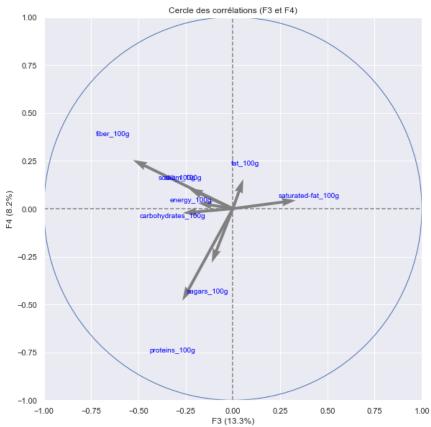


2-D-2: Analyse descriptive multivariée : ACP : réduction de dimension des variables quantitatives

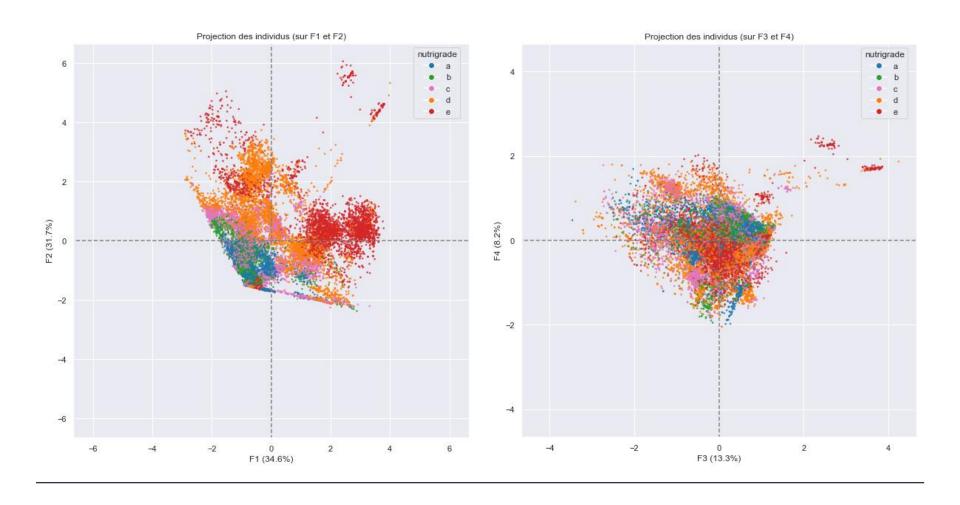


- •Au final le premier plan factoriel représente un angle de vision "mal-bouffe"
- •Alors que le **2éme** est plutôt **anti "nourriture saine"**

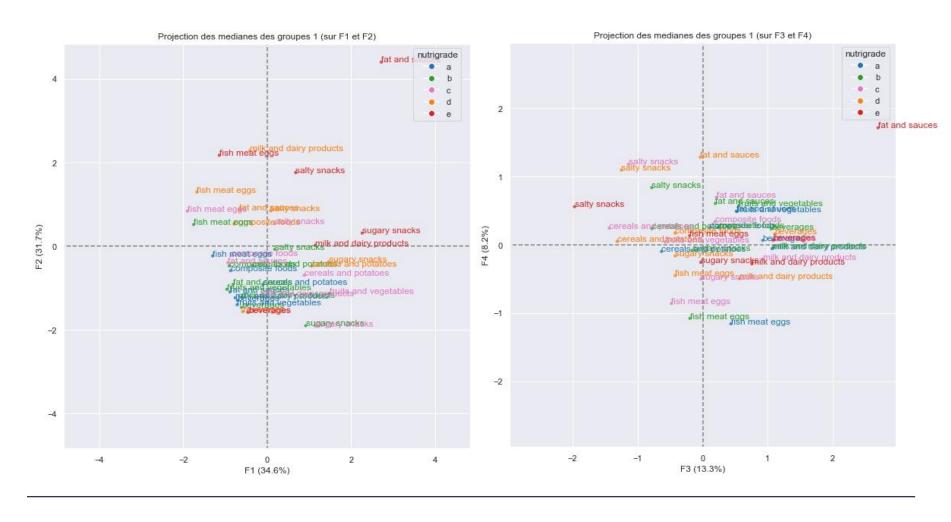




- •Au final le premier plan factoriel représente un angle de vision "mal-bouffe"
- •Alors que le **2éme** est plutôt **anti "nourriture saine"**



- •Au final le premier plan factoriel représente un angle de vision "mal-bouffe"
- •Alors que le **2éme** est plutôt anti "nourriture saine"



1-E: Analyse explicative multivariée: Régression multiple

- •Suite à notre analyse, nous pouvons tenter une explication multivariée du nutriscore sous forme de régression multiple.
 - concernant les données quantitatives nutritionnelles, nous avons le choix d'utiliser:
 - quelques facteurs de l'ACP: les 4 premiers par exemple
 - ou bien les variables elles mêmes en veillant à ne pas garder des variables trop colinéaires (sodium ou sel par exemple mais pas les 2)
 - concernant les données catégorielles, nous pouvons garder la présence d'additif et au choix le groupe 1 ou le groupe 2
 - le groupe 2 possédant certainement un peu trop de catégories quasi redondantes
- •Nous obtenons avec L'ACP, les additifs ainsi que le groupe 1: un **R2 de 0.85** avec tous les **coefficients** significatifs:
 - les facteurs 1 et 2, dits de "malbouffe" et la présence d'additif augmente le score modélisé
 - le facteur 3 dit "nourriture saine" est pris en négatif ce qui fait du sens
 - les résidus sont quasi normaux, homoscédastiques et la linéarité est presque respectée
- •Nous obtenons avec les variables nutritionnelles (sans sodium ni fat), les additifs ainsi que le groupe 1: un R2 de 0.90 avec tous les coefficients significatifs:
 - L'Energie, les acides gras, le sucre, le sel et la présence d'additif augmente le nutriscore et donc le grade
 - Les hydrates de carbone, les fibres et les protéines diminue le nutriscore
 - les résidus sont quasi normaux, homoscédastiques et la linéarité est presque respectée

1-E: Analyse explicative multivariée: Régression multiple

•Régression 1 avec les facteurs ACP, le groupe 1 et l'additif

OLS Regression Results							
Dep. Variable: Model: Mothod: Date: Time: No. Observations: Df Residuals: Df Model: Covariance Type:	Least Squares Thu, 30 Sep 2021 19:08:35	Adj. R- F-stati Prob (F Log-Lik AIC: BIC:		0.852 0.852 9093. 0.00 358.40 -688.8 -577.7			
	coef	std err	t	P> t	[0.025	0.975]	
const Fpca_1 Fpca_2 Fpca_3 Fpca_4 cereals and potatoes composite foods fat and sauces fish meat eggs fruits and vegetables milk and dairy produc salty snacks sugary snacks additif		0.009 0.003 0.002 0.003 0.004 0.011 0.009 0.011 0.010 0.010 0.014 0.012 0.004	18.102 -80.252 -75.364 -47.109 -44.213 -81.047	0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000	-0.930 -0.720 -0.563 -0.513	0.471 0.172 0.243 -0.090 0.079 -0.886 -0.684 -0.518 -0.470 -0.810 -0.344 -0.605 -0.052 0.190	
Omnibus: Prob(Omnibus): Skew: Kurtosis:		Prob(JB	Bera (JB):		1.363 100.853 1.26e-22 22.9		

Notes:

^[1] Standard Errors assume that the covariance matrix of the errors is correctly specified.

HO independance des données, Durbin Watson: 1.36 , pas d'autocor si=2

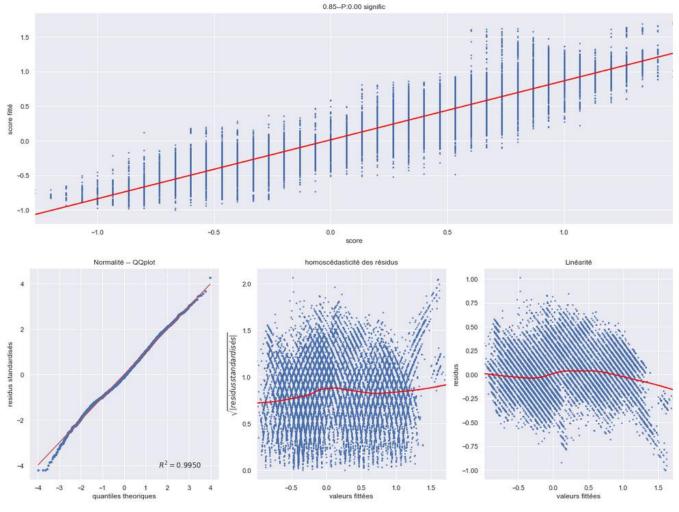
HO homogeneite des résidus, Pvalue Breusch Pagan: 0.00 , HO rejeté si p<0.05

HO homogeneite des résidus, Pvalue Goldfeld-Quandt: 0.00, HO rejeté si p<0.05

 $^{{\}tt H0}$ normalité des résidus, Pvalue Jarque Bera: 0.00 , ${\tt H0}$ rejeté si ${\tt p}{<}0.05$

1-E: Analyse explicative multivariée: Régression multiple

•Régression 1 avec les facteurs ACP, le groupe 1 et l'additif



1-E: Analyse explicative multivariée: Régression multiple

•Régression 2 avec les variables nutritionnelles, le groupe 1 et l'additif

OLS Regression Results							
Time: No. Observations: Df Residuals: Df Model: Covariance Type:	score OLS Least Squares Thu, 30 Sep 2021 19:12:12 20613 20596 16 nonrobust		0.901 0.901 1.174e+04 0.00 4551.7 -9069.				
=======================================	coef	std err	t	P> t	[0.025	0.975]	
const energy_100g saturated-fat_100g carbohydrates_100g sugars_100g fiber_100g proteins_100g salt_100g cereals and potatoes composite foods fat and sauces fish meat eggs fruits and vegetables milk and dairy product salty snacks sugary snacks additif	-0.6270 -0.7015 -0.4866 -0.7654 -0.3730 -0.6155 -0.2989 0.0787	0.008 0.003 0.008 0.003 0.003 0.003 0.003 0.012 0.008 0.010 0.009 0.008 0.008 0.014 0.011	36.888 -18.817 66.977 -19.588 -30.965 119.455 -63.434 -80.875 -72.647 -53.236 -91.103 -47.918	0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000	0.371 0.508 0.113 -0.173 0.214 -0.064 -0.096 0.345 -0.771 -0.642 -0.720 -0.505 -0.782 -0.388 -0.643 -0.320 0.072	0.400 0.540 0.125 -0.140 0.227 -0.052 -0.052 -0.356 -0.725 -0.612 -0.683 -0.469 -0.749 -0.358 -0.588 -0.278 0.085	
Omnibus: Prob(Omnibus): Skew: Kurtosis:	380.526 0.000	Durbin-Watson: Jarque-Bera (JB): Prob(JB): Cond. No.			1.365 404.486 1.47e-88 29.7		

Notes:

^[1] Standard Errors assume that the covariance matrix of the errors is correctly specified.

HO independance des données, Durbin Watson: 1.36 , pas d'autocor si=2

HO homogeneite des résidus, Pvalue Breusch Pagan: 0.00, HO rejeté si p<0.05

HO homogeneite des résidus, Pvalue Goldfeld-Quandt: 0.04 , HO rejeté si p<0.05

HO normalité des résidus, Pvalue Jarque Bera: 0.00 , HO rejeté si p<0.05

1-E: Analyse explicative multivariée: Régression multiple

•Régression 2 avec les variables nutritionnelles, le groupe 1 et l'additif

