# Score: 2387.0

# Align Len: 442

# Identity: 442/442 (100.00%)

# Similarity: 442/442 (100.00%)

# Gap Count: 0/442 (0.00%)

Ref 1 QVQLQQSGPELVKPGASVRISCKASGYTFTSYYIHWVKQRPGQGLEWIGW 50

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 1 QVQLQQSGPELVKPGASVRISCKASGYTFTSYYIHWVKQRPGQGLEWIGW 50

Ref 51 IYPGNVKSIYNEKFKGKATLTADKSSNTAYMQLSSLTSEDSAVYFCAGEE 100

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 51 IYPGNVKSIYNEKFKGKATLTADKSSNTAYMQLSSLTSEDSAVYFCAGEE 100

Ref 101 HGNYFDFWGQGTTLTVSSAKTTPPSVYPLAPGSAAQTNSMVTLGCLVKGY 150

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 101 HGNYFDFWGQGTTLTVSSAKTTPPSVYPLAPGSAAQTNSMVTLGCLVKGY 150

Ref 151 FPEPVTVTWNSGSLSSGVHTFPAVLQSDLYTLSSSVTVPSSTWPSETVTC 200

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 151 FPEPVTVTWNSGSLSSGVHTFPAVLQSDLYTLSSSVTVPSSTWPSETVTC 200

Ref 201 NVAHPASSTKVDKKIVPRDCGCKPCICTVPEVSSVFIFPPKPKDVLTITL 250

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 201 NVAHPASSTKVDKKIVPRDCGCKPCICTVPEVSSVFIFPPKPKDVLTITL 250

Ref 251 TPKVTCVVVDISKDDPEVQFSWFVDDVEVHTAQTQPREEQFDSTFRSVSE 300

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 251 TPKVTCVVVDISKDDPEVQFSWFVDDVEVHTAQTQPREEQFDSTFRSVSE 300

Ref 301 LPIMHQDWLNGKEFKCRVNSAAFPAPIEKTISKTKGRPKAPQVYTIPPPK 350

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 301 LPIMHQDWLNGKEFKCRVNSAAFPAPIEKTISKTKGRPKAPQVYTIPPPK 350

Ref 351 EQMAKDKVSLTCMITDFFPEDITVEWQWNGQPAENYKNTQPIMDTDGSYF 400

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 351 EQMAKDKVSLTCMITDFFPEDITVEWQWNGQPAENYKNTQPIMDTDGSYF 400

Ref 401 VYSKLNVQKSNWEAGNTFTCSVLHEGLHNHHTEKSLSHSPGK 442

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 401 VYSKLNVQKSNWEAGNTFTCSVLHEGLHNHHTEKSLSHSPGK 442

# Score: 1133.0

# Align Len: 213

# Identity: 213/213 (100.00%)

# Similarity: 213/213 (100.00%)

# Gap Count: 0/213 (0.00%)

Ref 1 QIVLSQSPTILSASPGEKVTMTCRADSSVGFMHWCQQKPGSSPKPWIYAT 50

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 1 QIVLSQSPTILSASPGEKVTMTCRADSSVGFMHWCQQKPGSSPKPWIYAT 50

Ref 51 SNLASGVPGRFSGSGSGTSYSLTISRVEAEDAATYYCQQWSSDPPTFGSG 100

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 51 SNLASGVPGRFSGSGSGTSYSLTISRVEAEDAATYYCQQWSSDPPTFGSG 100

Ref 101 TKLEIKRADAAPTVSIFPPSSEQLTSGGASVVCFLNNFYPKDINVKWKID 150

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 101 TKLEIKRADAAPTVSIFPPSSEQLTSGGASVVCFLNNFYPKDINVKWKID 150

Ref 151 GSERQNGVLNSWTDQDSKDSTYSMSSTLTLTKDEYERHNSYTCEATHKTS 200

||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||

Fusion 151 GSERQNGVLNSWTDQDSKDSTYSMSSTLTLTKDEYERHNSYTCEATHKTS 200

Ref 201 TSPIVKSFNRNEC 213

|||||||||||||

Fusion 201 TSPIVKSFNRNEC 213