

La familia Arecaceae en la parcela permanente de 50ha, Barro Colorado Island.

Ecología de comunidades, biodiversidad, agrupamiento y asociación, en un bosque tropical lluvioso.

Marcos Antonio González Reyes Estudiante, Universidad Autónoma de Santo Domingo (UASD)

Sobre la familia Arecaceae en la parcela de 50ha se conoce muy poco de su ecología, diversidad, asociación (entre especies y variables ambientales y de suelo, especie/especie, y sitios/especies), y como se agrupan los sitios en base a sus características. Con este trabajo se trata de resolver la problemática planteada anteriormente. En base a los datos obtenidos se concluye que *Chamaedorea tepejilote* y *Bactris barronis* son las dos especies que no se asocian con otras especies, se presentan asociaciones entre variables geomorfológicas y entre variables de riqueza-abundancia. La abundancia de la familia Arecaceae se encuentra asociada con la riqueza de especies de la familia, la orientación media y la riqueza global de especies de la parcela permanente. La riqueza de la familia se asocia a su vez con la variable geomorfológica de pico. Mediante técnicas de agrupamiento se lograron alcanzar 5 grupos de sitios mediante la técnica Ward. Utilizando el Coeficiente de correlación biserial puntual se observa que el grupo dos de la técnica de agrupamiento Complete mantiene a *Socratea exorrhiza* como especie indicadora. El I de Moran con la transformada de Hellinger con y sin tendencia, muestra que *Bactris major* tiene una dependencia espacial con ciertas variables, como Ca, B y Mg, donde bajos valores de estas variables llevan a que haya abundancia significativa de esta especie en sus sitios de muestreo. Observar como el material estudiado se estructura dentro del área muestreada nos ayudaría a tener una idea de como estarían conformadas las comunidades de esta familia dentro de otras áreas de estudio que queramos analizar en el futuro. Los estudios y análisis empleados en este trabajo son extrapolables a cualquier sitio, y probablemente el presente trabajo establezca un precedente para investigadores que deseen realizar este tipo de investigación.

Keywords: Arecaceae, BCI, Lago Gatún, Panamá

1 Introducción

Barro Colorado es una isla localizada en el lago Gatún del Canal de Panamá. Es un área protegida, en la cual se estudian los bosques tropicales y que junto con otras cinco penínsulas cercanas, forma el Monumento Natural Barro Colorado. Estructurado en 1923 y está administrado por el Instituto Smithsonian desde 1946.

En este estudio se estará trabajando con la familia de plantas Arecaceae, comúnmente conocidas como palmeras. Las palmas o palmeras son plantas monocotiledóneas y presentan un crecimiento apical, que al perder esta parte, detienen su crecimiento, secan y mueren. Las palmas cuentan con aproximadamente 3,500 especies, cuya mayoría se ve representada por árboles, también se encuentran arbustos y enredaderas. Las formas arbóreas no presentan ramificación en el tronco y tienen una corona terminal en hojas, generalmente llamadas frondas, que emergen de una en una de la yema apical. La lignina de sus paredes celulares le confiere al tallo gran rigidez, y como monocotiledóneas no poseen crecimiento secundario. Algunas de ellas tienen

valor económico y pueden ser fuente de alimento, refugio, ropa y combustible (Glimn-Lacy & Kaufman, 2006).

2 Metodología

2.1 Área de estudio

El área de estudio es la parcela de 50ha en Isla Barro Colorado, localizada en el Lago Gatún en Panamá (Hubbell, Condit, & Foster, 2005) (ver figura 1). Cuenta con una extensión de terreno de 54km², cada hectarea tiene 1km². Forma parte de The Center for Tropical Science, una red compuesta por alrededor de 15 países, que estudian los bosques tropicales y la metodología estandarizada en grandes parcelas permanentes, siendo Barro Colorado la primer gran parcela en ser establecida, censada por primera vez en los años 1981-1983 (Condit, 1998). Esto con el fin de recolectar y analizar datos ecológicos para monitorear la dinámica de poblaciones y la diversidad en localidades permanentes a largo plazo.

Esto se conoce como Long-Term Monitoring, puede ser definido como el levantamiento de datos durante determinado período de tiempo en áreas contaminadas o con un alto índice de pérdida de especies. En palabras de Lindenmayer & Likens (2010), son las mediciones empíricas repetidas basadas en el campo, se recopilan continuamente y luego se analizan durante al menos 10 años. Es un estudio a largo plazo cuando documenta los procesos importantes que componen el ecosistema o el tiempo de generación del organismo dominante, así, su duración se mide con la velocidad dinámica del sistema que se está estudiando (Franklin, 1989).

La familia de plantas a examinar es Arecaceae Schultz Sch. El estudio se fundamentó en el uso del censo de BCI, tomando en cuenta una matriz de comunidad que representa las especies censadas. Cuenta con al menos 315 especies identificadas (Condit, 1998). Los datos levantados para calificar un individuo como apto para el censo se basaron en el diámetro a la altura del pecho (DAP) de 1cm, los censos por lo general se toman un período de 5 años para ser actualizados, en cada censo se colectan datos para ver que tanto han crecido los individuos, evaluar si hay nuevas especies y actualizar el número de individuos que cumplen con los requerimientos para ser anotados y enlistados en dicho censo.

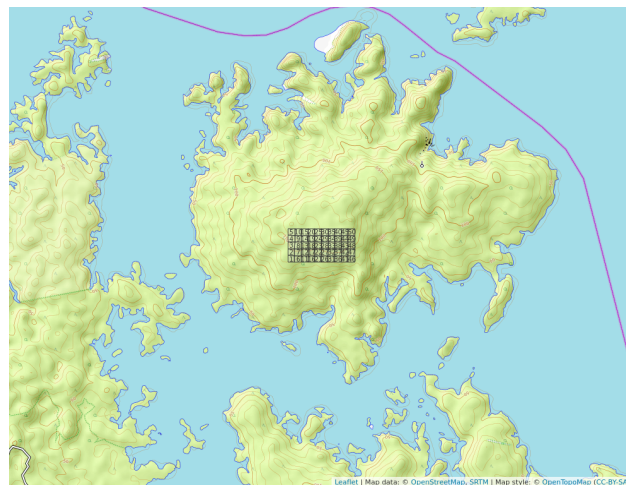


Figure 1: Área de estudio, parcela de 50ha, Isla Barro Colorado.

2.2 Materiales y métodos

Se utiliza un análisis de medición de asociación buscando calcular el grado de asociación entre especies, sitios y variables, para ello se utilizan índices de similaridad, disimilaridad y distancia, usando los de Jaccard, Sorensen, índice rho de Pearson, y Spearman, también la transformada de Chi para comparar correlación entre especies. Se usan los modos Q y R, Q para la disimilaridad entre objetos (sitios) usando la abundancia de individuos en una matriz de distancia Euclídea y la transformada de Hellinger, que divide los valores de una fila por la suma de la fila y toma como resultado la raíz cuadrada de los valores obtenidos, la función 'coldiss' para generar mapas de calor con los sitios que forman grupos cercanos o lejanos.

También se usaron modelos con enfoques asintóticos: Modelo homogéneo (estándar y MLE), Chao1 y Chao1-bc, iChao1, Basados en "cobertura" o "completitud de muestra". ACE para datos de abundancia, Estimadores Jackknife (de primer y segundo órdenes), que estiman la riqueza de especies; y modelos no asintóticos para rarefacción y extrapolación de datos.

En modo R se calculó la correlación entre especies, usando datos cuantitativos de especies (riqueza), y entre variables para obtener el grado de asociación aplicando la transformación de Chi para comparar especies e índice rho de Spearman y método de Pearson para las variables ambientales.

Se realizaron análisis de agrupamiento utilizando técnicas de agrupamiento jerárquico, para agrupar según características o preferencias comunes entre sitios, aquí se utilizan criterios de enlace y sus resultados se visualizan en dendrograma, para cuya elaboración se usó distancia Euclídea, que es la distancia entre un punto y otro según variables descriptivas y se usa la distancia mínima. Los criterios de enlace utilizados aquí fueron de enlace completo y ward de varianza mínima. Para la generación de dendrogramas se utilizó la función 'hclust' del paquete 'stats', presente por defecto en R. A su vez se utilizó 'anchura de silueta' para determinar cuantos grupos serian necesarios o mas representativos, pruebas multivariadas de Bootstrap en búsqueda de los sitios que presentaran altas probabilidades de formar grupos, y la función 'heatmap' en la obtención de mapas de calor para representar grupos de sitio y la distancia entre especies.

Para calcular el grado de diversidad alpha usamos los grupos generados mediante el análisis de agrupamiento, los 'grupos_complete_k2' y 'grupos_ward_k5'. A fin de calcular esto se utilizan métodos como la Entropía de Shannon H_1 , que calcula el grado de desorden en la muestra, índice de concentración de Simpson, que calcula la probabilidad de que dos individuos seleccionados aleatoriamente puedan ser de la misma especie, Equidad de Pielou $J=H_1/H_0$. Números de Hill, riqueza de especies $N_0=q$, número de especies abundantes $N_1 = e^H$, y el inverso de Simpson $N1=1/\lambda$; esto para calcular diversidad alpha. Para diversidad beta calculamos la contribución de las especies y los sitios a la diversidad beta, usando la transformación de Hellinger.

En ecología espacial usamos la transformada de hellinger y la matriz ambiental para crear un cuadro de vecindad y ver como se autocorrelacionan los sitios, se genera un correlograma para la variable que queremos estudiar mediante la función 'sp.correlogram' y para varias variables como la abundancia de especies y variables ambientales, también usando otros métodos como la prueba Mantel con matrices de distancia para autocorrelación espacial con y sin tendencia, y el I de Moran con una matriz de abundancia de especies transformada sin tendencia y se aplica a variables ambientales para obtener los datos de autocorrelación y distribución de especies y variables en los sitios de muestreo.

Para este estudio se utilizó el software estadístico R (R Core Team, 2020), los paquetes vegan (Oksanen et al., 2019), tidyverse (Wickham, 2017), sf (Pebesma, 2018), mapview (Appelhans, Detsch, Reudenbach, & Woellauer, 2019), leaflet (Cheng, Karambelkar, & Xie, 2018), ez (Lawrence, 2016), psych (Revelle, 2019), adespatial (Dray et al., 2020), stats (R Core Team, 2020) y scripts del repositorio "Scripts de análisis de BCI" (Batlle, 2020).

3 Resultados

Se muestran los resultados del estudio realizado a la familia Arecaceae en la parcela de 50ha de Barro Colorado.

3.1 Riqueza-abundancia y preseca-ausencia

En la Tabla 1 se muestran las especies presentes en la parcela permanente y la abundancia de individuos de cada especie, siendo "*Oenocarpus mapora*" la especie con el mayor número de individuos y "*Chamaedorea tepejilote*" la especie con el menor número de individuos; en la figura 2 vemos la distribución de las especies en la parcela, la cantidad de individuos de las especies presentes en cada sitio y cuales especies tienen mayor o menor presencia en el área de estudio, donde "*Oenocarpus mapora*" es la especie que mayor presencia presenta, se encuentra en todos los sitios muestreados, y "*Elaeis oleifera*" la especie con menor presencia, solo encontrada en tres sitios de muestreo.

Se obtuvieron datos de abundancia global por cuadrante de las especies de las familias presentes en BCI, con los cuadrantes 3, 5, 20, 43 y 48 mostrando la mayor abundancia de individuos; y los cuadrantes 22, 23, 31, 34 y 45 siendo los de menor abundancia, figura 3. Los cuadrantes que mostraron una mayor riqueza de especies a nivel global fueron los cuadrantes 1, 27 y 50 con 181, 195 y 193 especies respectivamente; los de menor riqueza fueron los cuadrantes 34, 35 y 41 con 138, 147 y 146 especies respectivamente, figura 4.

La abundancia de individuos para la familia Arecaceae se presenta en la figura 5, donde observamos que los sitios/cuadrantes que mayor abundancia presentaron fueron los sitios 5, 6 y 27, con 113, 171 y 136 individuos respectivamente; y los sitios 35, 40 y 41 los de menor abundancia, presentando 9, 15 y 10 individuos respectivamente. Los cuadrantes que mayor riqueza mostraron tuvieron un número de cinco y seis especies, los que menos mostraron tuvieron dos y tres especies, ningún cuadrante mostró una sola especie, así mismo ninguno presentó la totalidad de especies presentes en la parcela, cuyo valor es de nueve especies (ver figura 6).

La distribución de pH en la parcela se presenta de izquierda a derecha, hacia la izquierda se encuentran los valores de pH más bajos y hacia la derecha los más altos (ver figura 7).

Table 1: Abundancia de individuos por especie de la familia Arecaceae.

Latin	n
<i>Oenocarpus mapora</i>	1802
<i>Socratea exorrhiza</i>	500
<i>Astrocaryum standleyanum</i>	152
<i>Bactris major</i>	112
<i>Attalea butyracea</i>	32
<i>Elaeis oleifera</i>	20
<i>Bactris coloniata</i>	10
<i>Bactris barronis</i>	5
<i>Chamaedorea tepejilote</i>	4

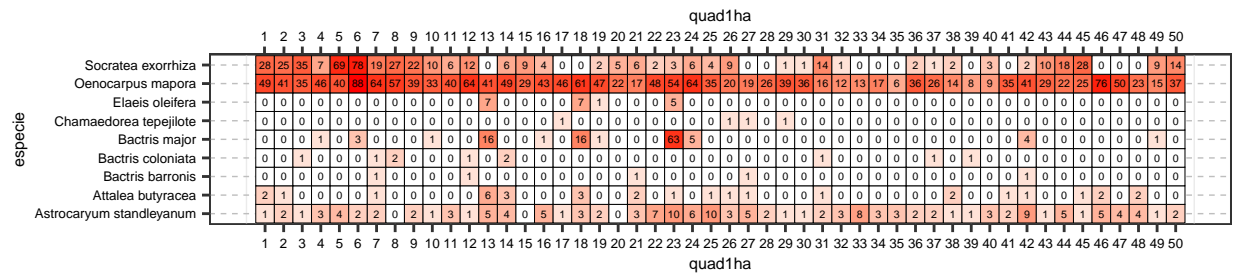


Figure 2: Abundancia de individuos por especie en cada cuadrante.

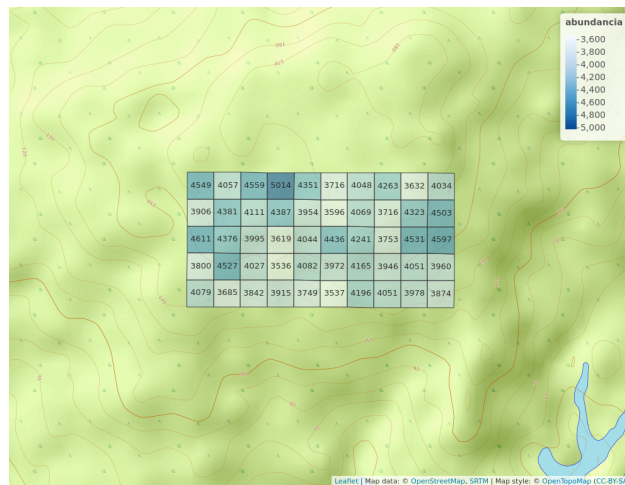


Figure 3: Mapa de abundancia global.

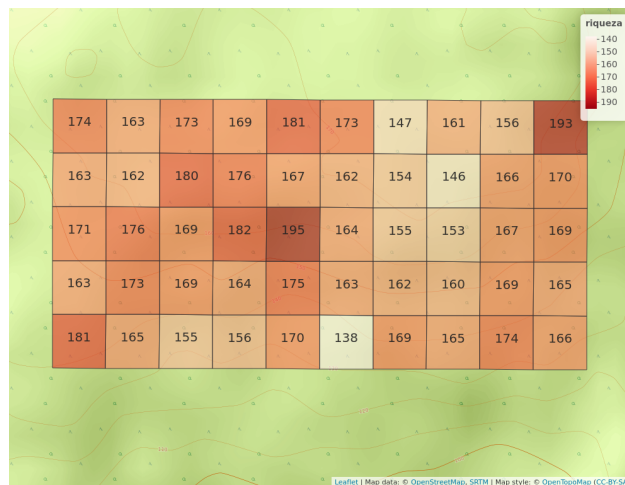


Figure 4: Mapa de riqueza global.

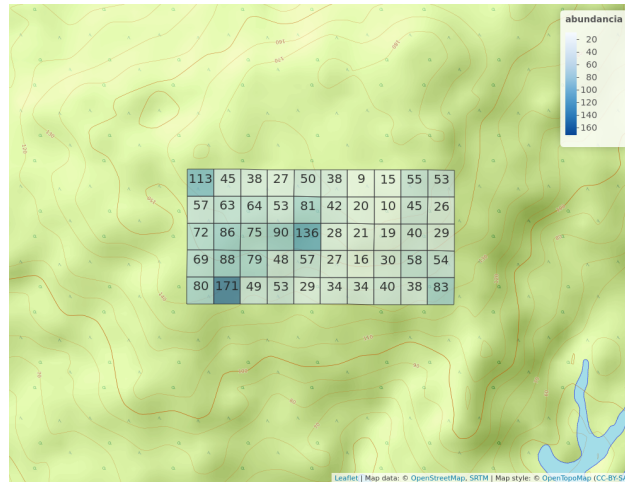


Figure 5: Mapa de abundancia de individuos por cuadrante de la familia Arecaceae.

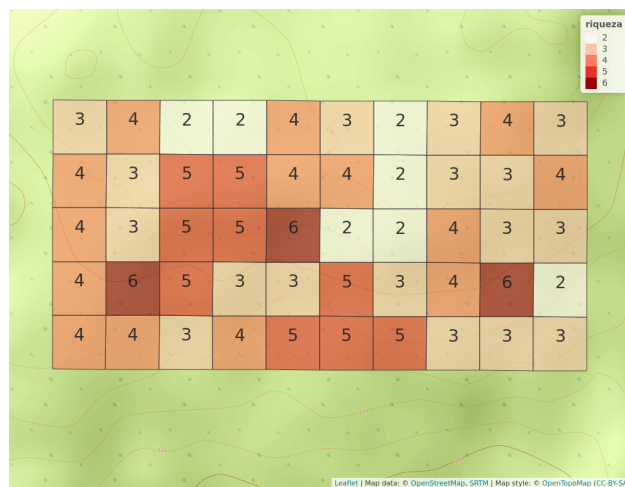


Figure 6: Mapa de riqueza de especies de la familia Arecaceae.

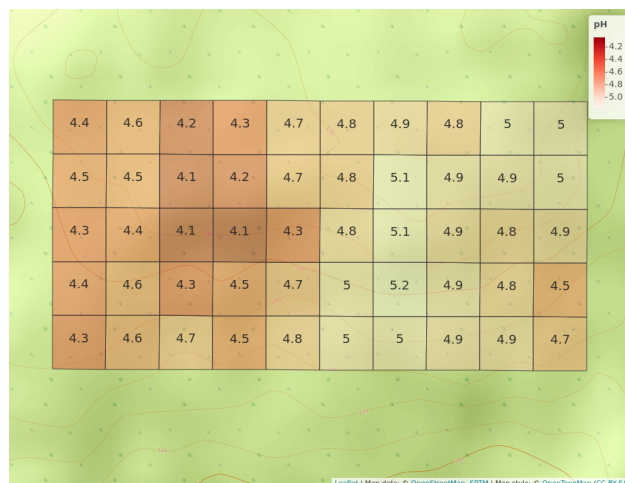


Figure 7: Mapa de pH, parcela de 50ha.

3.2 Medición de asociación

3.2.1 Asociación de sitios

Se utilizó la matriz de comunidad de la familia para generar una matriz de distancia Euclídea mediante la transformación de Hellinger, para obtener los datos de asociación entre los sitios muestreados. Estos datos en la matriz de disimilaridad ordenada, a la derecha, reflejan que existen al menos tres grandes grupos altamente asociados, mostrados en color fucsia, y en color cian los de baja asociación (ver figura 8).

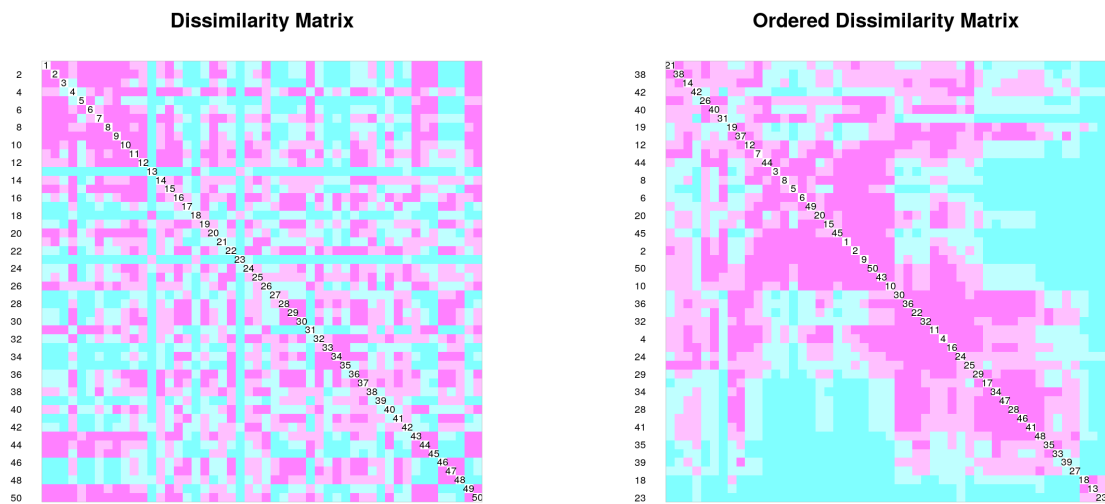


Figure 8: Matriz de correlacion entre sitios.

3.2.2 Asociación de especies

Para la asociación de especies, los datos arrojaron que *Chamaedorea tepejilote* y *Bactris barronis* son las dos especies que no se asocian con otras especies; *Bactris coloniata* no presenta asociación con *Chamaedorea tepejilote*, *Elaeis oleifera* ni *Bactris major*; *Socratea exorrhiza* no se asocia con *Chamaedorea tepejilote*, *Bactris barronis* ni *Elaeis oleifera*, pero sí se asocia con *Bactris coloniata*, *Oenocarpus mapora*, *Astrocaryum standleyanum*, *Attalea butyracea* y *Bactris major*; *Oenocarpus mapora* no tiene asociación con las especies *Chamaedorea tepejilote* ni *Bactris barronis*, mientras que sí presenta asociaciones con las demás especies; el mismo caso anterior se repite con las especies *Astrocaryum standleyanum* y *Attalea butyracea*; *Elaeis oleifera* no presenta asociaciones con *Chamaedorea tepejilote*, *Bactris barronis*, *Bactris coloniata* ni *Socratea exorrhiza*, pero sí con las otras especies; *Bactris major* carece de asociación con las especies *Chamaedorea tepejilote*, *Bactris barronis* y *Bactris coloniata*. Esto se puede visualizar en la figura 9, donde los colores cian significan nula asociación, y los colores fucsia la asociación que presentan las especies.

En la figura 10 se pueden leer los resultados de la distancia entre las especies, donde los colores cian denotan larga distancia Euclídea, y los colores fucsia la corta distancia.

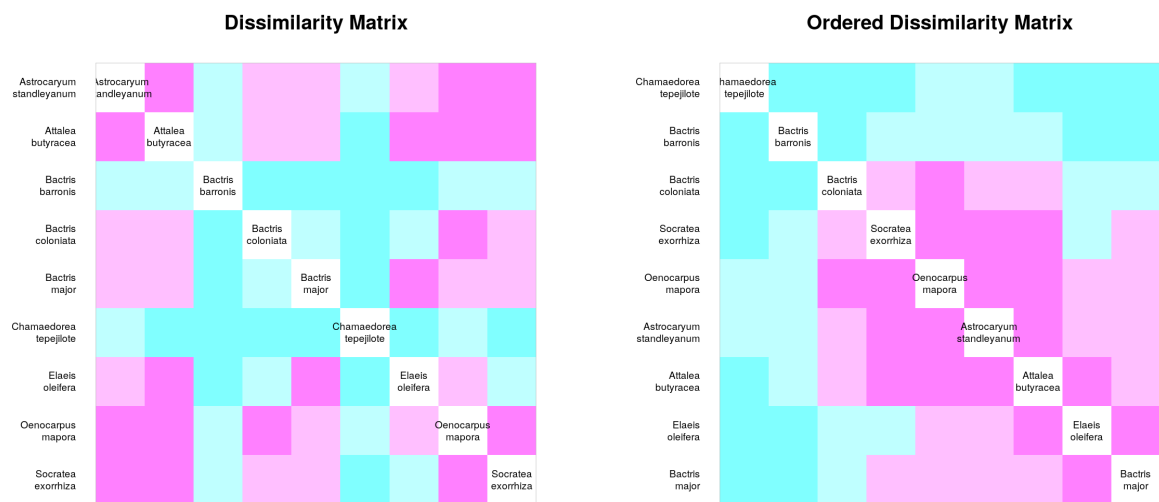


Figure 9: Matriz de asociacion entre especies.

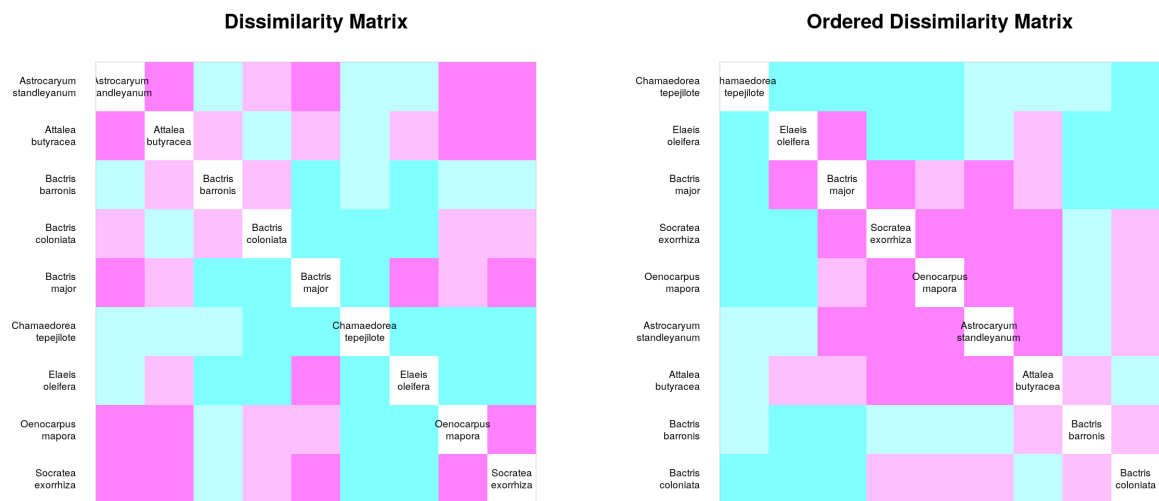


Figure 10: Matriz de distancia entre especies.

3.2.3 Asociación de variables

Existen asociaciones entre variables geomorfológicas y entre variables de riqueza-abundancia. La abundancia de la familia Arecaceae se encuentra asociada con la riqueza de especies de la familia, la orientación media y la riqueza global de especies de la parcela permanente. La riqueza de la familia se asocia a su vez con la variable geomorfológica de pico. Las variables geomorfológicas que mayor grado de asociación presentaron fueron las de pendiente media con llanura, cuando un disminuía la otra aumentaba, creando de esta manera una correlación inversa; elevación media con vaguada, espolón/gajo e interfluvio mantiene una asociación inversa; hay asociación entre valle y vaguada; vaguada se asocia con espolón/gajo de forma positiva, y de manera negativa con llanura; y hombrera se relaciona con llanura, (ver figura 11).

La abundancia de individuos estuvo asociada con nueve variables, de las cuales destacan las variables pH, Nitrogeno, Zinc y Boro, asociadas de forma negativa. La variable pH estuvo asociada destacablemente con Nitrogeno, Zinc, Magnesio, Potasio, y Boro de forma positiva, y de manera negativa con el Aluminio. El grado mas alto de asociación estuvo entre el Calcio y el Magnesio, figura 12.



Figure 11: Matriz de correlación de variables geomorfológicas y abundancia-riqueza.

3.3 Análisis de agrupamiento

En la figura 13 se muestran los sitios que tienen una alta probabilidad de formar grupos, representados en rectángulos de color azul, donde se forma un gran grupo con 27 sitios, tres grupos de tamaño medio con 7, 6 y 5 sitios, y dos grupos pequeños con 2 y 3 sitios cada uno. En la figura 14 se muestra la distribución de estos grupos dentro de la parcela de 50ha de BCI. La distribución de los grupos es aleatoria, los grupos no se presentan de manera continua dentro de la parcela de 50ha de BCI, sino que, se visualizan de manera dispersa, esto puede deberse a distintas variables.



Figure 12: Matriz de correlación de variables suelo y abundancia-riqueza.

En la figura 15 se observa la asociación de variables a la distribución de estos grupos, destacando las asociaciones de las variables pH, Zinc, Magnesio, Manganese, Fósforo, Aluminio, Nitrógeno, Curvatura, Pendiente, UTM y Hombrera. Los sitios pertenecientes al grupo cuatro tienen marcada asociación con variables de suelo como (Potasio, Hierro, Aluminio) mientras que con otras variables de suelo tiene valores de asociación bajos; con variables ambientales/geomorfológicas como (Riqueza global, Vertiente, Heterogeneidad ambiental y Pendiente media) presenta altos grados de dependencia.

Mediante el análisis de especies indicadoras de IndVal, se obtuvo que el método de agrupamiento Complete con dos grupos, presentó una sola especie indicadora, encontrada en el grupo dos, la cual posee una abundancia de 500 individuos. Con el método Ward el grupo cuatro presentó como especies indicadoras a *Elaeis oleifera*, *Bactris major* y *Attalea butyracea*; con la suma de grupos 1+2 se encuentra *Socratea exorrhiza*, y para los grupos 4+5 *Astrocaryum standleyanum*.

Utilizando el Coeficiente de correlación biserial puntual se observa que el grupo dos de la técnica de agrupamiento Complete mantiene a *Socratea exorrhiza* como especie indicadora. Mientras que para la técnica Ward hay una variación, no hay especies que se vean asociadas a dos grupos o más, solo a un grupo, siendo, *Socratea exorrhiza* para el sitio dos; y *Elaeis oleifera*, *Bactris major* y *Attalea butyracea* para el grupo cuatro.

3.4 Análisis de diversidad

Para la matriz combinada de especies de la familia los análisis de diversidad de Chao y Jacknife muestran que la riqueza de especies está completamente representada, ya que, el número de especies de la familia presentes en BCI es de 9, mientras que el número de especies muestreadas fue exactamente de 9 especies.

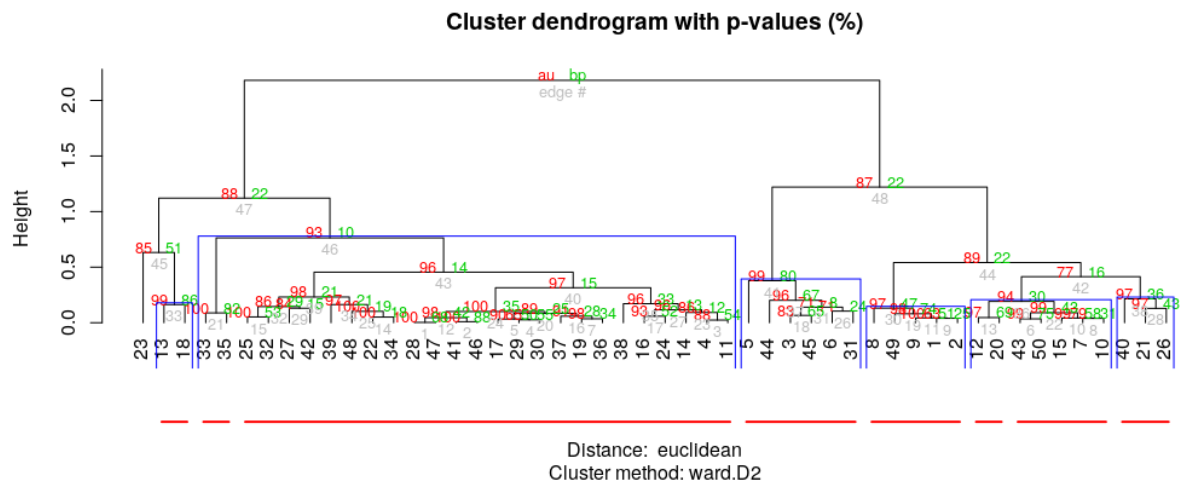


Figure 13: Dendrograma de distancia Euclidea con remuestreo de Bootstrap.

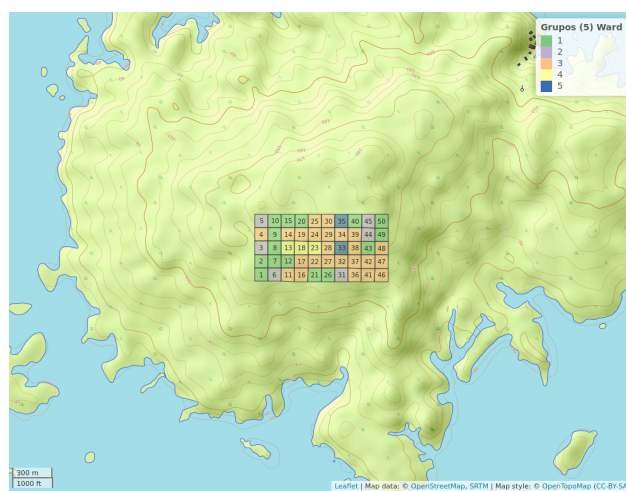


Figure 14: Mapa distribucion de sitios agrupados.

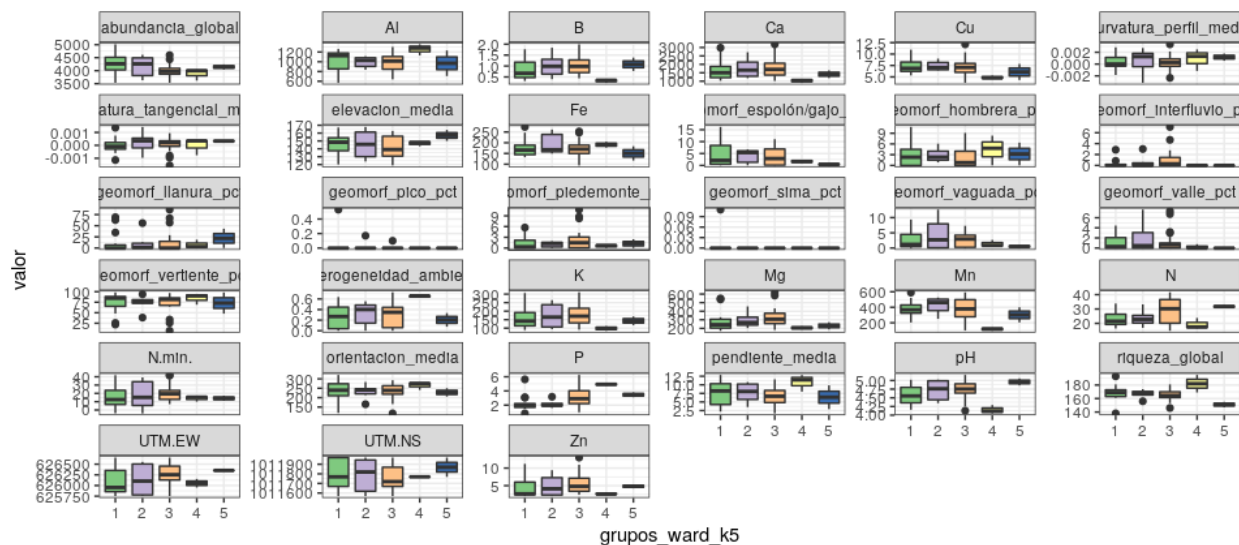


Figure 15: Grafico de correlacion entre variables y grupos de sitios.

Para los grupos Ward estos estimadores, sugieren que en los grupos 1 y 3 es posible encontrar una especie adicional si se aumentara el esfuerzo de muestreo; y los grupos 2, 4 y 5 muestran total representación de especies de la familia en base a lo estimado por los análisis.

En diversidad alpha la Equidad de Pielou y la Ratios de Hill se ven asociadas con la elevación media y abundancia global. Las coordenadas UTM.NS se relacionan con la riqueza de especies (N0) de manera negativa, y de manera positiva con las Ratios de Hill y la Equidad de Pielou. En cuanto a diversidad beta, se encontró que tanto los sitios, como las especies, contribuyen a esta diversidad, siendo los sitios 13 y 23 los contribuyentes, y las especies *Astrocaryum butyracea*, *Socratea exorrhiza* y *Bactris major*.

3.5 Análisis de Ecología espacial

El I de Moran señala que el pH muestra una autocorrelación espacial de los órdenes 1 al 7. En tanto que para las especies, *Astrocaryum standleyanum* la tiene para los órdenes 1 y 2, y para los órdenes 5 y 6, *Elaeis oleifera* para orden 1, *Oenocarpus mapora* de orden 1, *Socratea exorrhiza* para orden 1 y 5. Hay autocorrelación para algunas variables geomorfológicas, pero solo para 1 orden, como es el caso de llanura, espolón/gajo, vertiente y vaguada. Para las variables de suelo las más destacables son B, Ca, Zn y K en los órdenes (1-3 y 5-8); Mg órdenes (1-3 y 6-8); N (1-2 y 4-6); N.min (1-3 y 7-9); y pH órdenes (1-7).

Para la prueba Mantel existe autocorrelación para el orden 3, para un valor de 0.001.

El I de Moran con la transformada de Hellinger con y sin tendencia, muestra que *Bactris major* tiene una dependencia espacial con ciertas variables, como Ca, B y Mg, donde bajos valores de estas variables llevan a que haya abundancia significativa de esta especie en sus sitios de muestreo. *Elaeis oleifera* a su vez parece estar asociada o en dependencia de las variables Ca, B, Mn, y en menor medida con K, Cu, Zn, N, pH, cuando estos valores son bajos; y con Al cuando son altos.

Debido al azar con el que se presentan las especies de la familia en el área de estudio estimo que estos modelos no predicen con gran certeza la distribución u ocurrencia de las mismas.

4 Discusión

Estudios de poblaciones de especies de la familia Arecaceae también reportan que *Socratea exorrhiza* es una especie que parece siempre presentar una abundancia significativa de individuos como reporta (Stevenson & Rodríguez, 2008). *Elaeis oleifera* es una indicadora significativa de la del micro hábitat pantanoso (Legendre & Condit, 2019) y reporta un aumento de abundancia de 1 individuo, actualmente ese número ha incrementado a 20.

Bactris barronis y *Chamaedorea tepejilote* fueron las especies que no se relacionaron con más especies, esto puede estar determinado por baja abundancia de individuos que presentaron, ya que son las 2 especies con la más baja abundancia, también podría estar relacionado con su distribución espacial y algunas variables ambientales como valores bajos de elevación media, y bajos valores de Al, Fe, Mn, y altos valores de pH fomentan la abundancia de *Chamaedorea tepejilote*. La asociación de variables también demostró estar correlacionada con la distribución de las especies dentro de la parcela. Cuatro pares de especies presentan asociación significativa, *Bactris major* y *Elaeis oleifera*, *Attalea butyracea* y *E. oleifera*, *Oenocarpus mapora* y *Socratea exorrhiza*, y *Astrocaryum standleyanum* con *B. major*.

Los sitios pertenecientes al grupo cuatro tienen marcada asociación con variables de suelo como (Potasio, Hierro, Aluminio) mientras que con otras variables de suelo tiene valores de asociación bajos; con variables ambientales/geomorfológicas como (Riqueza global, Vertiente, Heterogeneidad ambiental y Pendiente media) presenta altos grados de dependencia. Esto nos da una mejor perspectiva de por qué este grupo presenta esta distribución y especies muy particulares *Attalea butyracea*, *Bactris major* y *Elaeis oleifera*, especies que no se presentan en sitios tan contiguos como son los sitios 13, 18 y 23.

Para los grupos Ward, sugieren que en los grupos 1 y 3 es posible encontrar una especie adicional si se aumentara el esfuerzo de muestreo; y los grupos 2, 4 y 5 muestran total representación de especies de la familia en base a lo estimado por los análisis. Cabe destacar que los estimadores de Shanon y Simpson tuvieron sus variaciones en muchos casos, pero de todas formas, lo observado y lo estimado estuvo dentro de los parámetros de confianza.

El I de Moran señala que el pH muestra una autocorrelación espacial de los órdenes 1 al 7. En tanto que para las especies, *Astrocaryum standleyanum* la tiene positiva para los órdenes 1 y 2, y negativa para los órdenes 5 y 6, *Elaeis oleifera* positiva para orden 1, *Oenocarpus mapora* de orden 1 negativa, *Socratea exorrhiza* para orden 1 (positiva) y 5 (negativa). Hay autocorrelación para algunas variables geomorfológicas, pero solo para 1 orden, como es el caso de llanura, espolón/gajo, vertiente y vaguada. Para las variables de suelo las más destacables son B, Ca, Zn y K en los órdenes (1-3 y 5-8); Mg órdenes (1-3 y 6-8); N (1-2 y 4-6); N.min (1-3 y 7-9); y pH órdenes (1-7). Estos resultados describirían por qué estas especies son las más abundantes, exceptuando por *E. oleifera* que es una de la de menor abundancia, pero que es una especie indicadora del ambiente pantanoso.

5 Agradecimientos

6 Información de soporte

...

7 Script reproducible

...

Referencias

- Appelhans, T., Detsch, F., Reudenbach, C., & Woellauer, S. (2019). *Mapview: Interactive viewing of spatial data in r*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=mapview>
- Battle, J. R. M. (2020). *biogeografia-master/scripts-de-analisis-BCI: Long coding sessions (Version v0.0.0.9000)*. <https://doi.org/10.5281/zenodo.4402362>
- Cheng, J., Karambelkar, B., & Xie, Y. (2018). *Leaflet: Create interactive web maps with the javascript 'leaflet' library*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=leaflet>
- Condit, R. (1998). *Tropical forest census plots: Methods and results from barro colorado island, panama and a comparison with other plots*. Springer Science & Business Media.
- Dray, S., Bauman, D., Blanchet, G., Borcard, D., Clappe, S., Guenard, G., ... Wagner, H. H. (2020). *Adespatial: Multivariate multiscale spatial analysis*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=adespatial>
- Franklin, J. F. (1989). Importance and justification of long-term studies in ecology. In *Long-term studies in ecology* (pp. 3–19). Springer.
- Glimn-Lacy, J., & Kaufman, P. B. (2006). Palm family (arecaceae). *Botany Illustrated: Introduction to Plants, Major Groups, Flowering Plant Families*, 125–125.
- Hubbell, S., Condit, R., & Foster, R. (2005). *Forest census plot on barro colorado island*. <http://ctfs.si.edu/webatlas/datasets/bci/>.
- Lawrence, M. A. (2016). *Ez: Easy analysis and visualization of factorial experiments*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=ez>
- Legendre, P., & Condit, R. (2019). Spatial and temporal analysis of beta diversity in the barro colorado island forest dynamics plot, panama. *Forest Ecosystems*, 6(1), 1–11.
- Lindenmayer, D. B., & Likens, G. E. (2010). The science and application of ecological monitoring. *Biological Conservation*, 143(6), 1317–1328.
- Oksanen, J., Blanchet, F. G., Friendly, M., Kindt, R., Legendre, P., McGlinn, D., ... Wagner, H. (2019). *Vegan: Community ecology package*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=vegan>
- Pebesma, E. (2018). Simple Features for R: Standardized Support for Spatial Vector Data. *The R Journal*, 10(1), 439–446. <https://doi.org/10.32614/RJ-2018-009>
- R Core Team. (2020). *R: A language and environment for statistical computing*. Retrieved from <https://www.R-project.org/>
- Revelle, W. (2019). *Psych: Procedures for psychological, psychometric, and personality research*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=psych>
- Stevenson, P. R., & Rodríguez, M. E. (2008). Determinantes de la composición florística y efecto de borde en un fragmento de bosque en el guaviare, amazonía colombiana. *Colombia Forestal*, 11, 5–17.
- Wickham, H. (2017). *Tidyverse: Easily install and load the 'tidyverse'*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=tidyverse>