

Asociación y composición florística de la familia Sapotaceae en la parcela permanente de 50h, Isla Barro Colorado

Merali Rosario Afiliación, normalmente algo tal que “Estudiante, Universidad Autónoma de Santo Domingo (UASD)”

La diversidad y estructura de los bosques miden los recursos y la abundancia en un área geográfica, por ejemplo, los bosques de la familia Sapotaceae son importantes para proporcionar alimentos a las especies de vida silvestre (Martínez-Sovero et al., 2021). La Isla Barro Colorado es una reserva natural ubicada en el lago Gatún del Canal de Panamá. Debido a su capacidad de investigación, es una de las regiones tropicales más conocidas en materia de biología y ecología tropical (“Isla barro colorado y biología tropical,” 1990). El objetivo de este trabajo es determinar la asociación, composición florística y distribución de la familia Sapotaceae en la parcela permanente de 50h de la isla Barro Colorado. Los datos de cada uno de los cuadrantes de una hectárea que componen BCI, fueron procesados en R (R Core Team, 2020), teniendo en cuenta la matriz ambiental y la matriz de comunidad, los cuales contienen datos de las variables ambientales, tales como condiciones edáficas, tipo de hábitat, topografía del lugar, clasificación etaria del bosque, y datos demográficos y geofrenciación espacial de todos los individuos censados. Se adaptaron scripts reproducibles recuperados de Batlle (2020), utilizando colecciones de paquetes multifuncionales. Todos los datos fueron examinados utilizando análisis de ecología numérica. Se registraron un total de 5 especies y 2 géneros distribuidos en 2029 individuos en toda la parcela. La riqueza por cuadro fue de 4 especies y la mediana de la abundancia por cuadro fue de 39 individuos. La especie más abundante fue *Pouteria reticulata*, con 1084 individuos, y la menos abundante fue *Pouteria fossicola* con 3 individuos. La riqueza de la familia Sapotaceae presenta correlación con la presencia de cobre y nitrógeno en el suelo. Las variables geomorfológicas presentan asociación con la abundancia y riqueza. La riqueza de la familia Sapotaceae aumenta en función del contenido de hidrógeno, nitrógeno y cobre. Además, aumenta con la equidad. Los índices de diversidad alfa arrojaron valores muy bajos. Las especies que contribuyen de manera significativa a la diversidad beta fueron: *Chrysophyllum argenteum*, *Chrysophyllum cainito* y *Pouteria stipitata*, de las cuales la que más contribuyó a la diversidad beta fue *Chrysophyllum cainito*. De acuerdo con estos resultados, se concluye que la riqueza de la familia Sapotaceae no presenta mucha diversidad en BCI, lo cual se estima que la riqueza seguiría constante o no aumentaría significativamente aunque se hiciera un mayor esfuerzo de muestreo.

Keywords: Diversidad, Sapotaceae, Riqueza, Abundancia, Asociación

1 Introducción

La diversidad y estructura de los bosques miden los recursos y la abundancia en un área geográfica, por ejemplo, los bosques de la familia Sapotaceae son importantes para proporcionar alimentos a las especies de vida silvestre (Martínez-Sovero et al., 2021). La familia Sapotaceae está ampliamente distribuida en las zonas tropicales (Smedmark, 2007). Produce madera de alta calidad, frutas tropicales y algunas especies producen látex, siendo una familia de plantas de im-

portancia ecológica y económica (Martínez-Sovero, Iglesias-Osores, & Villena-Velásquez, 2020).

La Isla Barro Colorado es una reserva natural ubicada en el lago Gatún del Canal de Panamá. Debido a su capacidad de investigación, es una de las regiones tropicales más conocidas en materia de biología y ecología tropical (“Isla barro colorado y biología tropical,” 1990). La isla exhibe características importantes, tres de las cuales son la estabilidad ambiental, su ubicación geográfica (en un área de importancia internacional) y la capacidad para investigar grupos específicos de organismos (Rodríguez-Flores & Barrios, 2020). Sin embargo, no se han hecho estudios completos de la familia Sapotaceae, donde se estudie los diferentes análisis de ecología numérica.

El objetivo de este trabajo es determinar la asociación, composición florística y distribución de la familia Sapotaceae en la parcela permanente de 50h de la isla Barro Colorado. Además, analizar la organización de las especies en los cuadros de 1 hectárea e identificar si existe algún patrón con alguna variable ambiental, así como también, explicar si hay especies indicadoras o con preferencia por determinadas condiciones ambientales. Por otra parte, evaluar si la familia Sapotaceae está suficientemente representada según los análisis de estimación de riqueza, determinar cuáles son las variables ambientales que presentan asociación con la diversidad alpha y mostrar cuáles son las especies que contribuyen a la diversidad beta. Por último, pero no menos importante, examinar la autocorrelación espacial de las especies.

2 Metodología

2.1 Área de Estudio

La isla de Barro Colorado es una colina de 1,500 hectáreas ubicada a 137 msnm en el lago Gatún. La parte superior de la isla es ancha y plana, y se asienta sobre un lecho de roca de basalto, de la cual irradian colinas empinadas y valles tallados en rocas sedimentarias que contienen gran cantidad de restos volcánicos. El suelo es arcilloso y la profundidad varía de 50 cm a un metro. El clima es típico de las áreas tropicales (Pérez et al., 2005; Windsor et al., n.d.). Su vegetación está formada por bosques semidecíduos de tierras bajas, y se han registrado más de 1,300 especies de plantas vasculares (Croata, 1978).

La parcela permanente de árboles de 50 hectáreas se estableció en 1980 en el bosque húmedo tropical. El sitio es un rectángulo de 1,000 m de largo por 500 m de ancho, ubicado en la meseta central de la isla. Está dividido en 1,250 cuadrantes de 20x20 m, en el cual se han contabilizado todos los árboles con más de 10 mm de diámetro a la altura del pecho cada cinco años desde 1985 (R. A. y H. Condit Richard y Chisholm, 2012; R. y L. Condit Richard y Pérez, 2017; Pérez et al., 2005) (ver mapa 1).

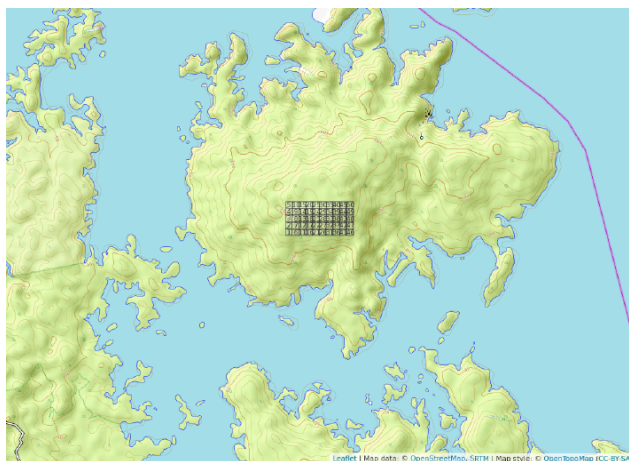


Figure 1: Área de estudio, parcela de 50ha, Isla Barro Colorado

2.2 *Maeriales y Metodos*

Los datos de cada uno de los cuadrantes de una hectárea que componen BCI, fueron procesados en R (R Core Team, 2020), teniendo en cuenta la matriz ambiental y la matriz de comunidad, los cuales contienen datos de las variables ambientales, tales como condiciones edáficas, tipo de hábitat, topografía del lugar, clasificación etaria del bosque, y datos demográficos y geofrenciación espacial de todos los individuos censados. Se adaptaron scripts reproducibles recuperados de Batlle (2020), utilizando la colección de paquetes multifuncionales: *vegan* (Oksanen et al., 2019), *Tidyverse* (Wickham, 2017), *BiodiversityR* (R. Kindt & Coe, 2005) y *indicspecies* (De Caceres & Legendre, 2009).

Para conocer las características de los datos almacenados de la matriz de comunidad y ambiental, se realizó un análisis exploratorio que incluyó visualización de gráficos, tablas, mapas de los cuadrantes de una hectárea y tablas de correlación lineal entre las dos variables de la matriz, lo que permitió una vista común y ayudó a determinar procedimientos más detallados a continuación.

2.3 *Medición de asociación (ma)*

Para realizar las pruebas de medición de asociación, se calculó la distancia euclidiana entre los cuadrados considerados objetos. Para ello, se requirió una transformación de la matriz de comunidad mediante el método Hellinger, que incluye elevar al cuadrado la abundancia relativa y_{ij} (cociente resultante de cada valor de abundancia entre la suma de los sitios), como muestra la formula 2. Donde j denota cada tipo o columna de la matriz, i es la fila o cuadrante e $i+$ representa la suma de filas de la matriz de la i -ésima fila (Legendre & Gallagher, 2001). Además, se evaluó la distancia euclidiana entre los cuadrantes en términos de ocurrencia de especies. Se utilizó el índice de disimilitud de Jaccard de la matriz normalizada para convertir el valor de abundancia en un valor binario (Brocard, Gillet, & Legendre, 2018). del mismo modo, se empleó la métrica de Jaccard para aplicar la transposición de la matriz de la comunidad y convertir a datos Presencia / ausencia para medir el grado de asociación entre especies.

$$y' = \sqrt{\frac{y_{ij}}{y_{i+}}}$$

Figure 2: Formula. Transformación de la matriz de comunidad mediante el método Hellinger

Para poder comparar la relación entre especies en función de su abundancia, se utilizó estandarización ji-cuadrado de la matriz de comunidad transpuesta (Legendre & Gallagher, 2001). Se examinó la ocurrencia entre especies y su distribución en BCI por el coeficiente de correlación entre rangos de Spearman, para medir el grado de correlación entre las variables riqueza numérica de especies y la abundancia con las variables ambientales geomorfológicas, y la composición química del suelo (Brocard et al., 2018).

2.4 *Análisis de agrupamiento*

El método jerárquico aglomerativo de asociación entre pares de cuadrantes (según la composición de especies) bajo el estándar de enlace completo, y el método de Ward basado en la varianza mínima, se utilizó como método preliminar para el análisis de agrupamiento, con el fin de probar su efectividad en lograr un grupo consistente de importancia ecológica (Brocard et al., 2018). Luego, estos generaron dendrogramas que posteriormente son comparados con la matriz de distancia de cuerdas (Legendre & Gallagher, 2001). Usando correlación cofenética entre los dos para determinar el número ideal de grupos. Además, se utilizó remuestreo bootstrap y bootstrap multiescalar para conocer la probabilidad de éxito de la inferencia del número de grupos y la identidad de sus componentes (Brocard et al., 2018). Las distribuciones se basaban en una probabilidad de 91% o más de acierto para el método bootstrap y de un 95% para bootstrap multiescalar.

Para conocer las especies distintas o asociadas a cada grupo, se utilizó el valor del indicador o índice IndVal ("Conjuntos de especies y especies indicadoras," 1997), basado en permutaciones aleatorias de los sitios según la presencia de especies y la abundancia de estos. De manera similar, el grado de asociación de una especie con una preferencia particular por el grupo de cuadrantes considerado grupo en estudio, expresado como el coeficiente de correlación biserial puntual (Brocard et al., 2018). Se adoptó un enfoque similar al anterior a lo largo de las pruebas estadísticas de la hipótesis nula, basada en las especies presentes en los cuadrantes pertenecientes a un determinado grupo realizado al azar. Esta prueba se hizo reordenando aleatoriamente los valores de abundancia y comparando sus distribuciones con las obtenidas previamente (Cáceres & Legendre, 2009).

2.5 *Análisis de diversidad alpha*

La diversidad alpha representa la diversidad de especies a lo largo de todas las subunidades locales relevantes, y por definición abarca dos variables importantes: (1) la riqueza de especies, y (2) la abundancia relativa de especies (Carmona-Galindo & Carmona, 2013). Con el fin de determinar la diversidad alpha se utilizaron métodos como la Entropía de Shannon H1, que calcula el grado de desorden en la muestra, el índice de concentración de Simpson, que calcula la probabilidad de que dos individuos seleccionados aleatoriamente puedan ser de la misma especie. Además, se empleó la serie de números de diversidad de Hill, la fórmula de la entropía de Rengi y el índice de equidad de Pielou.

2.6 Analisis de diversidad beta

La diversidad beta, de acuerdo con (Whittaker, 1960), se define como el diferencial entre la diversidad de un hábitat y la diversidad total de un paisaje de hábitats. Teniendo en cuenta lo anterior, se utilizó el metodo hellinger para determinar cuales son las especies que contribuyen a la diversidad beta, es decir, las especies que no se encuentran compartidas entre los cuadrantes.

2.7 Análisis de ordenación simple (no restringida) y canónica (restringida)

Se aplicaron los análisis de componentes principales o PCA a los datos de las variables ambientales para determinar la ordenación no restringida, donde se tomó en cuenta específicamente las variables del suelo. y para determinar la ordenación restringida se exploró de manera explícita las relaciones entre una matriz de respuesta y una matriz explicativa con los análisis de redundancia o RDA, lo cual combina la regresión y el análisis de componentes principales (PCA), por ejemplo, busca tendencias en la matriz de comunidad restringiéndolas a la matriz ambiental.

2.8 Ecología espacial

En ecología espacial se utilizó la matriz transformada de hellinger y la matriz ambiental para crear un cuadro de vecindad y ver como se autocorrelacionan los sitios. Se genera un correlograma para la variable que queremos estudiar mediante la función 'sp.correlogram' y para varias variables como la abundancia de especies y las variables ambientales. También, se utilizaron otros métodos como la prueba Mantel con matrices de distancia para autocorrelación espacial con y sin tendencia, y el I de Moran con una matriz de abundancia de especies transformada sin tendencia, lo cual se aplica a variables ambientales para obtener los datos de autocorrelación, distribución de especies y variables en los sitios de muestreo.

3 Resultados

Se registraron un total de 5 especies y 2 generos distribuidos en 2029 individuos en toda la parcela. La riqueza por cuadro fue de 4 especies y la mediana de la abundancia por cuadro fue de 39 individuos. La especie más abundante fue *Pouteria reticulata*, con 1084 individuos, y la menos abundante fue *Pouteria fossicola* con 3 individuos. La tabla 1 y la figura 3 resume estos resultados. La distribución de la riqueza numérica de especies de la familia Sapotaceae sigue un patrón homogéneo, lo cual los agregados de riqueza maxima estan distribuidos en casi todo el area (ver Figura 4).

Table 1: Abundancia por especie de la familia Sapotaceae

Latin	n
<i>Pouteria reticulata</i>	1084
<i>Chrysophyllum argenteum</i>	711
<i>Chrysophyllum cainito</i>	171
<i>Pouteria stipitata</i>	60
<i>Pouteria fossicola</i>	3

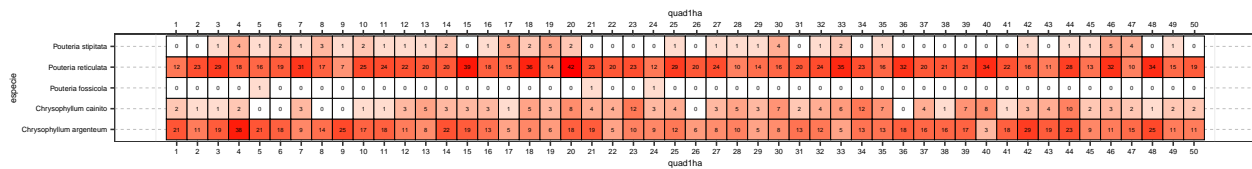


Figure 3: Abundancia por especie por quadrat

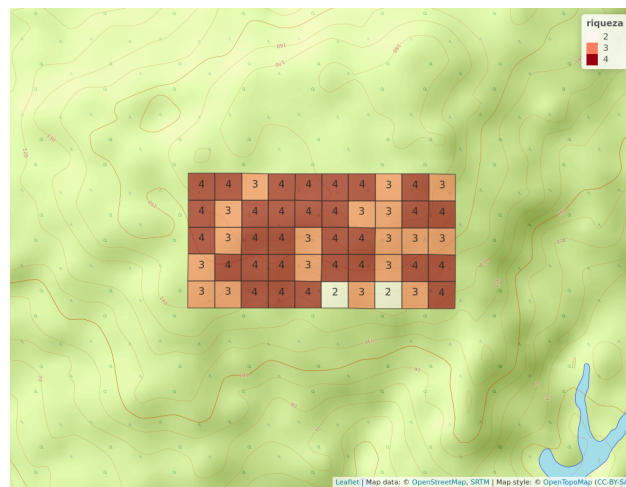


Figure 4: Distribucion de la riqueza de la familia Sapotaceae

La variables ambientales pH y pendiente media presentaron una distribución un tanto parecida a la disdistribución de la familia sapotaceae. Sin embargo, la distribución del PH esta representada mas al oeste, mientras que la pendiente media está distribuida en casi toda el area, pero con una mayor concentración en la parte sur. Lo cual, se podria decir, que la pendiente media presenta mas asocación con la distribución de la familia sapotaceae(ver figuras 5 y 6).

La abundancia de la familia sapotaceae solo presenta correlación con la abundancia global, mientras que la riqueza tiene correlación con la presencia de cobre y nitrógeno en el suelo, lo que sugiere, que mientras mas concentracion de cobre y nitrogeno hay, mayor será la riqueza de especies (ver figura 7).

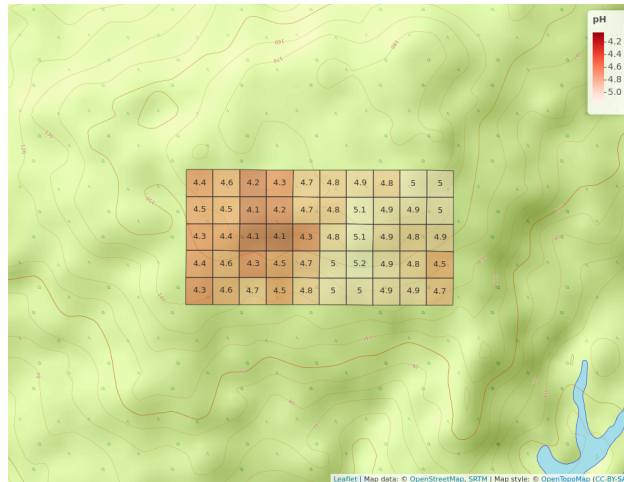


Figure 5: Distribucion del pH

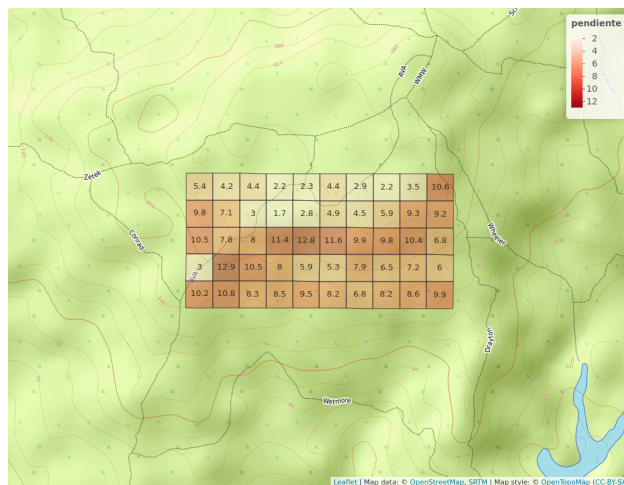


Figure 6: Distribucion de las pendientes(en grados)



Figure 7: correlacion de las variables del suelo

El índice de similaridad de Jaccard muestra que el sitio 1 y 2 comparten un 100% de sus especies, por lo que ambos sitios comparten 3 especies y no tienen especies exclusivas (ver figura 8). Las variables geomorfológicas presentan asociación con la abundancia y riqueza, lo cual la figura 9, muestra que hay mucha similitud entre estas variables. Las pruebas de correlación entre los grupos 1 y 2 formulados por upgma resultaron significativas respecto a la variable fósforo. Por otro lado, el contenido de cobre y la abundancia global promedio, es decir, la media correspondiente a todas las plantas en BCI, son significativamente diferentes entre los sitios de ambos grupos, para un nivel de significancia de $\alpha = 0.1$ (ver figura 10).

El grupo 1 generado por enlace upgm está conformado por 5 cuadrante y el grupo 2 por 46 cuadrantes (ver figura 11). El grupo 2 contiene los sitios con tendencia a presentar valores altos de zinc y contenido de cobre. Es probable que las especies indicadoras del grupo con un mayor contenido de cobre estén mostrando preferencia por estas condiciones ambientales. No obstante, la mayoría de componentes del suelo en BCI tienen valores bastante homogéneos, y más bien se presentan pequeños gradientes entre los cuadrantes, lo cual evita que este tipo de acercamiento sea concluyente. La especie *Chrysophyllum argenteum* fue la que obtuvo un valor alto de confianza al examinar su potencial como especies indicadoras del grupo 1. Para el caso del grupo 2, la especie indicadora fue *Pouteria reticulata*.

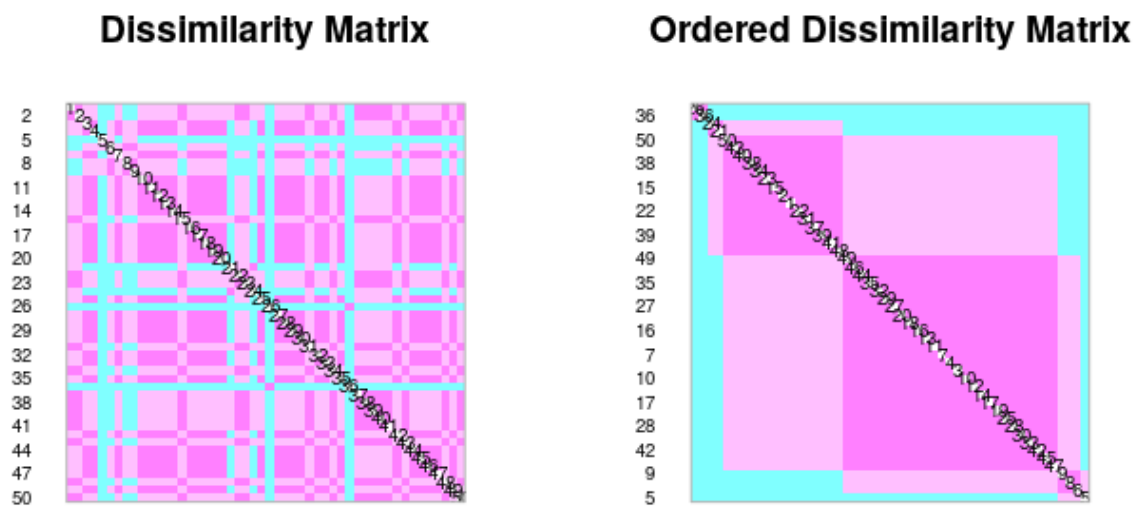


Figure 8: Similaridad de Jaccard(color fucsia (magenta, rosa) significa “corta distancia=muy similares”, y cian (celeste) significa “gran distancia=poco similares”)

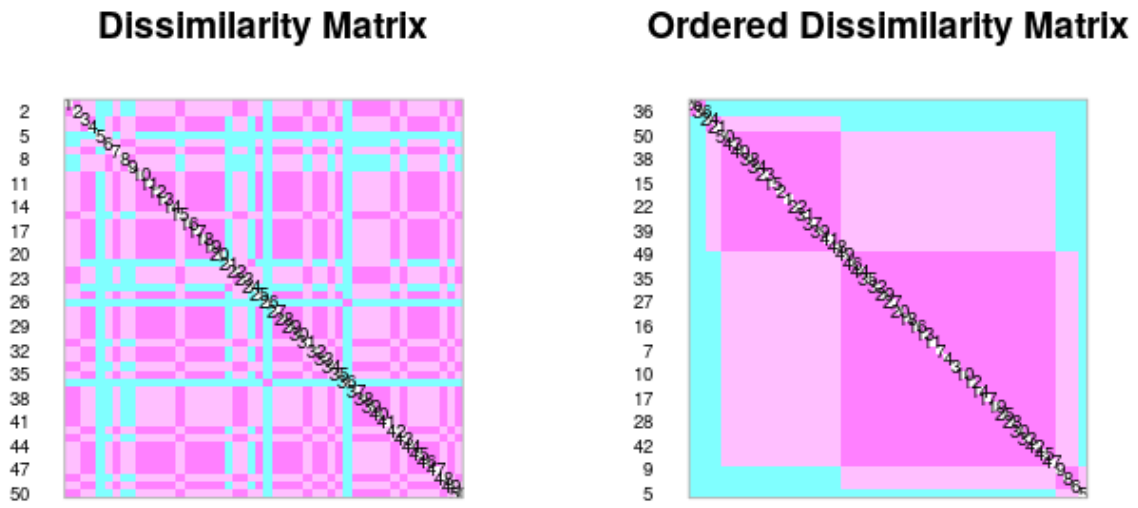


Figure 9: Panel de correlacion de Spearman entre los datos de la comunidad y las variables geomorfológicas

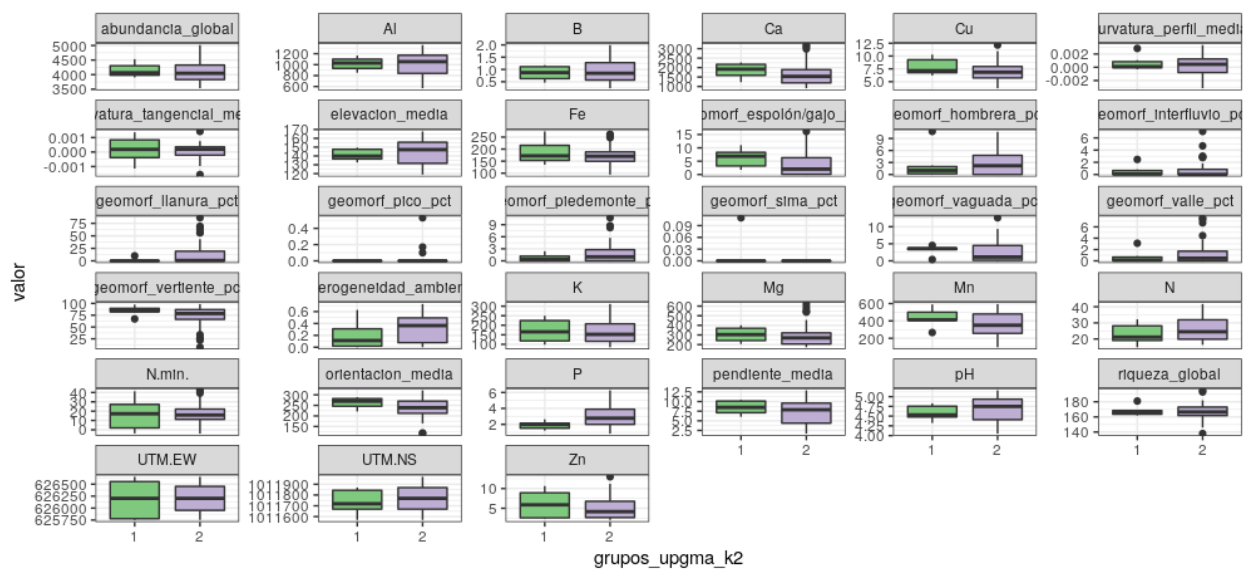


Figure 10: Diagramas de caja de las variables que tuvieron un efecto, segun las pruebas de igualdad de medias

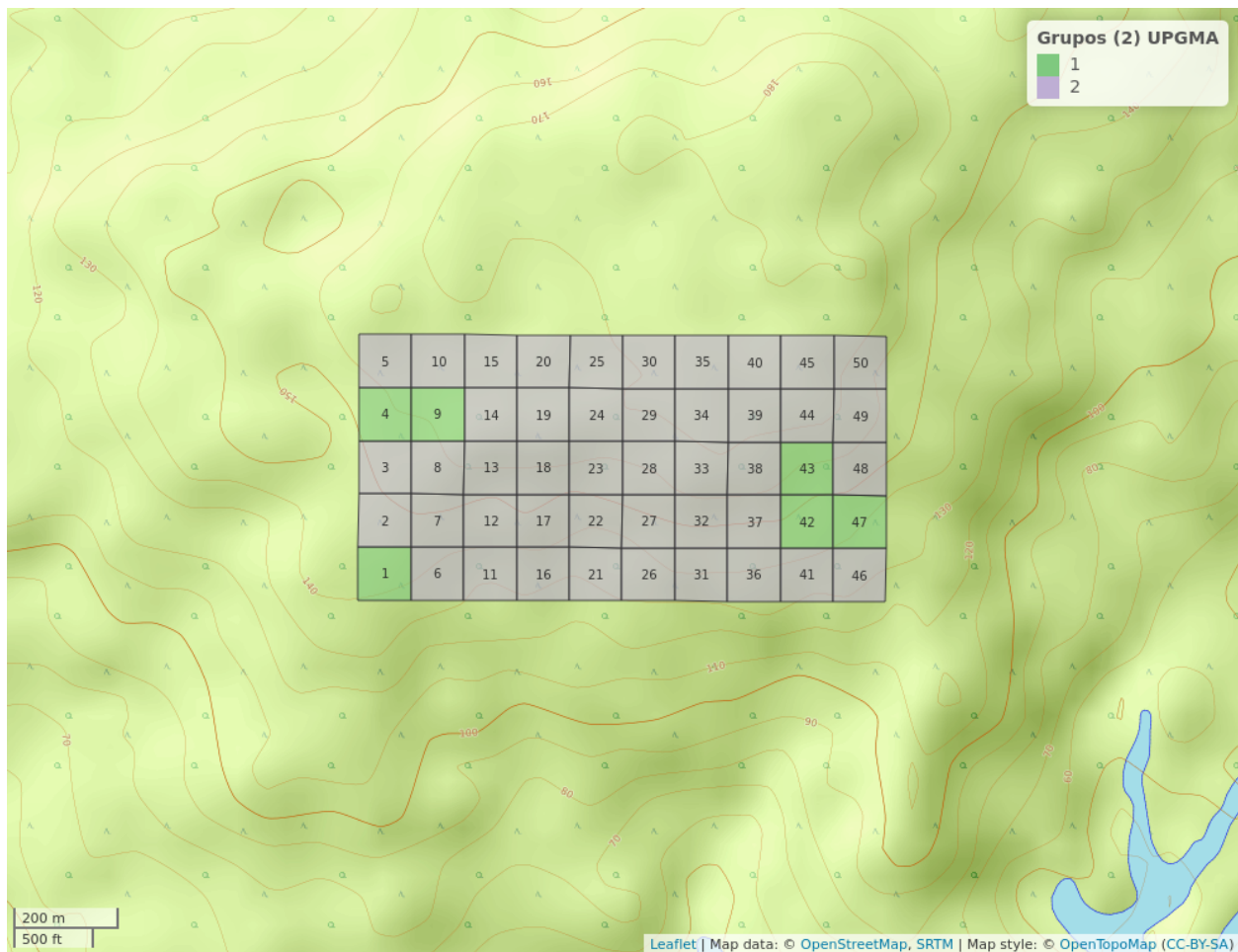


Figure 11: Mapa en el que se presenta la distribución de sitios en los grupos formulados por enlace upgma

La riqueza de la familia Sapotaceae aumenta en función del contenido de hidrogeno, nitrógeno y cobre. Además, aumenta con la equidad (ver figura 12). Cabe destacar, que casi todos los sitios de BCI tienen valores altos de equidad (ver figura 13). La Curva de rarefacción de los sitios, muestra como va aumentando la cantidad de individuos y de especies de los cuadrantes (ver figura 14), donde la mayor concentración de individuos está entre los 20 a 50 individuos y la abundancia máxima es de 70 individuos. Los valores de los índices de diversidad alfa fueron: Species Richness 0.217, Shannon diversity 0.045 y Simpson diversity 0.038.

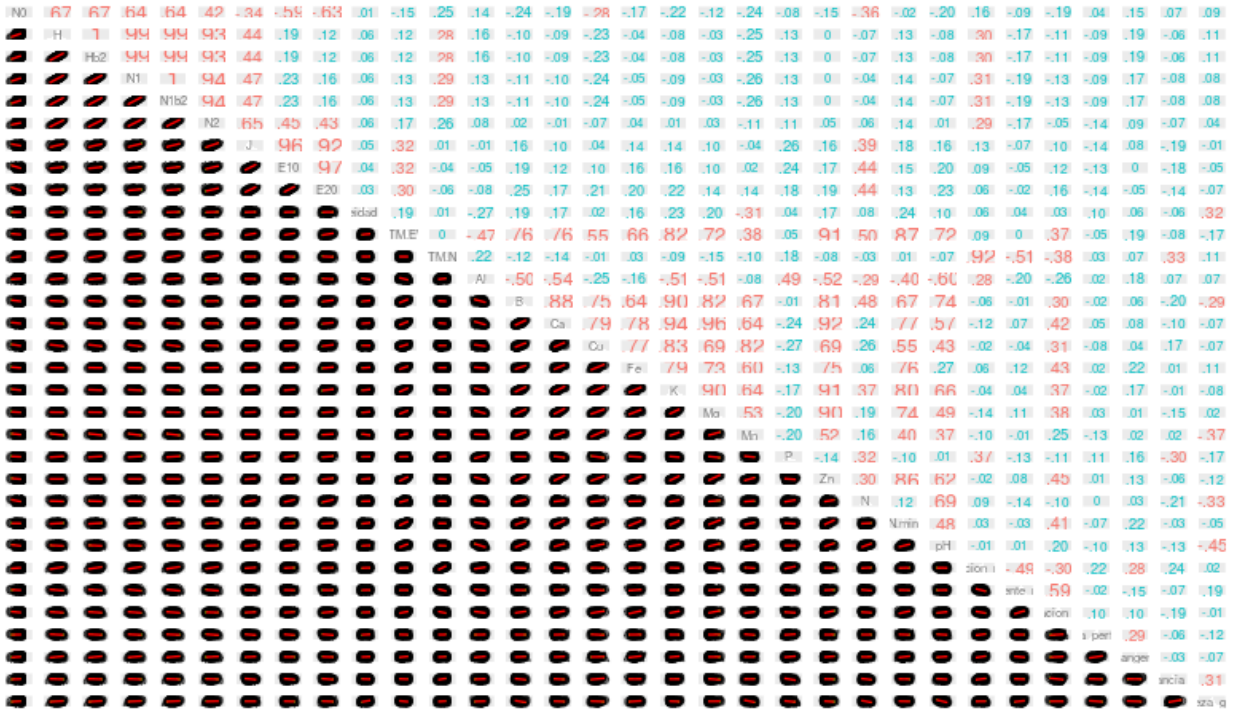


Figure 12: Correlacion entre diversidad/equidad y algunas de las variables ambientales

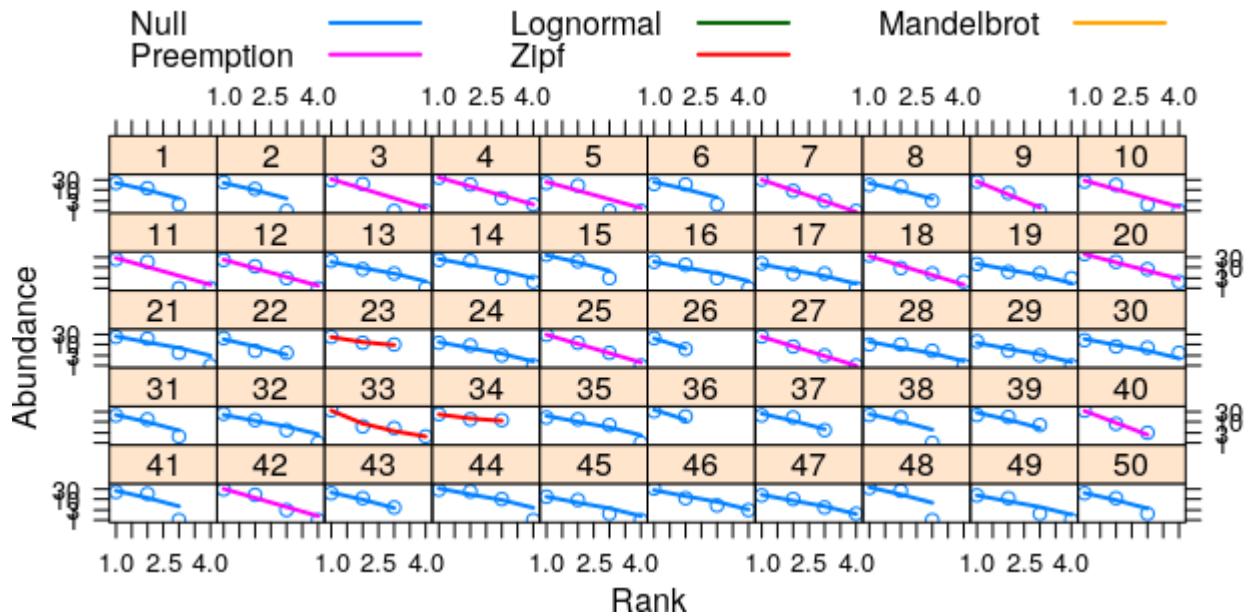


Figure 13: Grafico dque presenta los valores de equidad por sitios

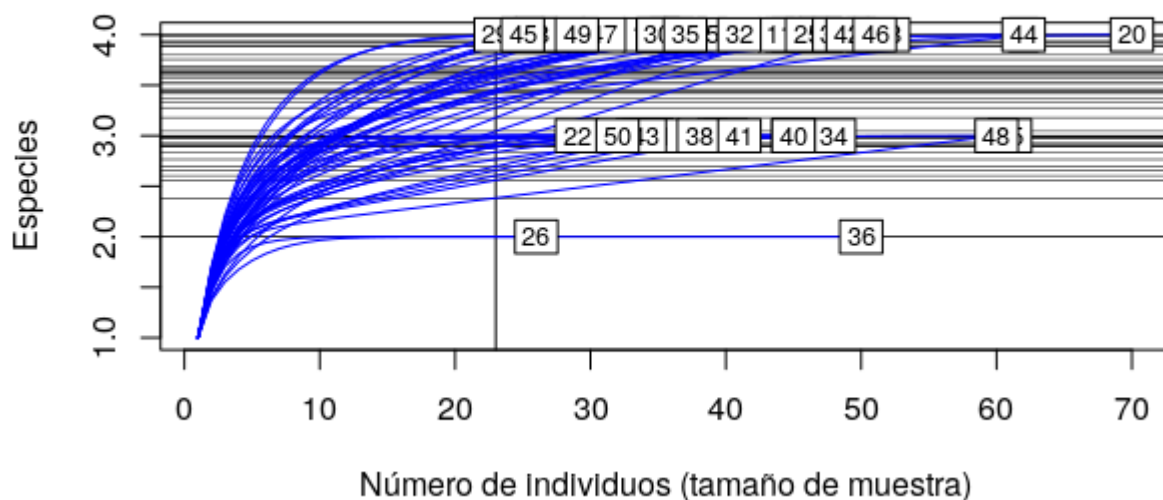


Figure 14: Curva de rarefaccion de los sitios

Las especies que contribuyen de manera significativa a la diversidad beta fueron: *Chrysophyllum argenteum* (0.2504234), *Chrysophyllum cainito* (0.3147978) y *Pouteria stipitata* (0.2658814), de las cuales la que mas contribuyó a la diversidad beta fué *Chrysophyllum cainito*. No obstante, los sitios que contribuyen a la diversidad beta son los cuadrantes 9 y 40, lo cual presentan contribución a la diversidad beta por la incidencia de algunas variables ambientales.

El grafico 15 incluye el comportamiento de los componentes principales de la varianza en las variables suelo y geomorfología en BCI, predecido por el modelo de barra quebrada, representado por la línea roja formando la curva (La escala denominada "Inertia" representa la suma de los cuadrados de toda la varianza). En el diagrama rotulado como escalamiento 1 de la figura 16, se observan tres grupos de cuadrantes diferenciados entre sí. Un grupo de sitios con un alto grado de acidez y contenido en aluminio, otro grupo caracterizado por la presencia de elementos metálicos, y un tercero, con una cantidad de fósforo, nitrógeno y valor de pH mayor. Las variables nitrógeno, fósforo y pH aportan la mayor parte de la varianza explicada. La relación entre las variables se encuentra debidamente representada en el recuadro del escalamiento 2, por medio de los ángulos que forman sus vectores (ver figura 16). Los resultados del PCA de los datos de la matriz de comunidad se encuentran resumidos en los diagramas de la figura 17. El escalamiento 1, muestra muchos de los cuadrantes dispuestos alrededor del origen formado por los ejes, lo que indica una contribución a la varianza relativamente equitativa por parte de las especies.

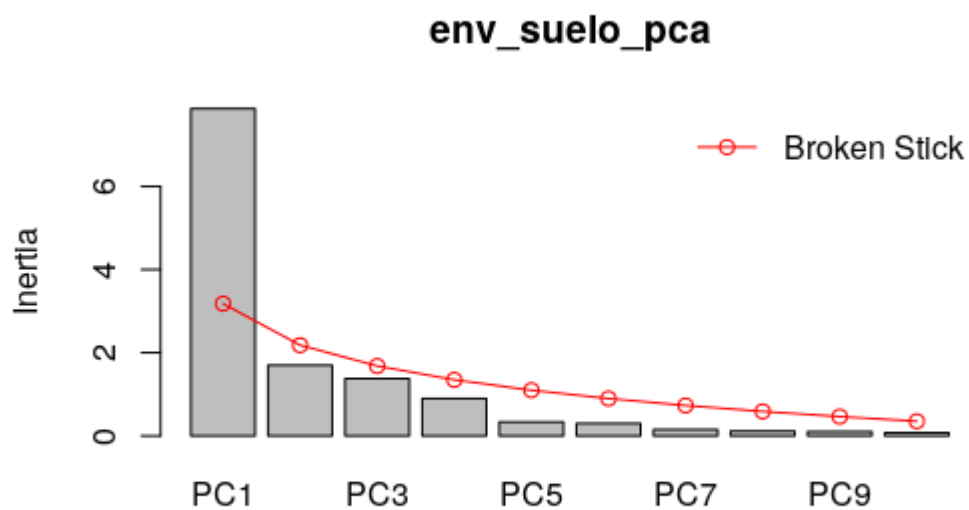


Figure 15: grafico de los componentes principales de la varianza en las variables suelo y geomorfologia en BCI

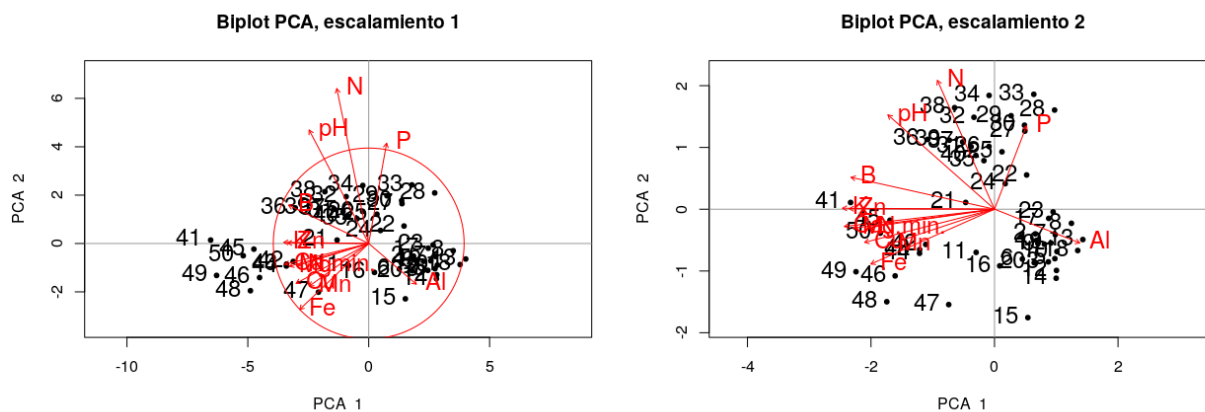


Figure 16: Biplots generados en el PCA de las viariables de suelo

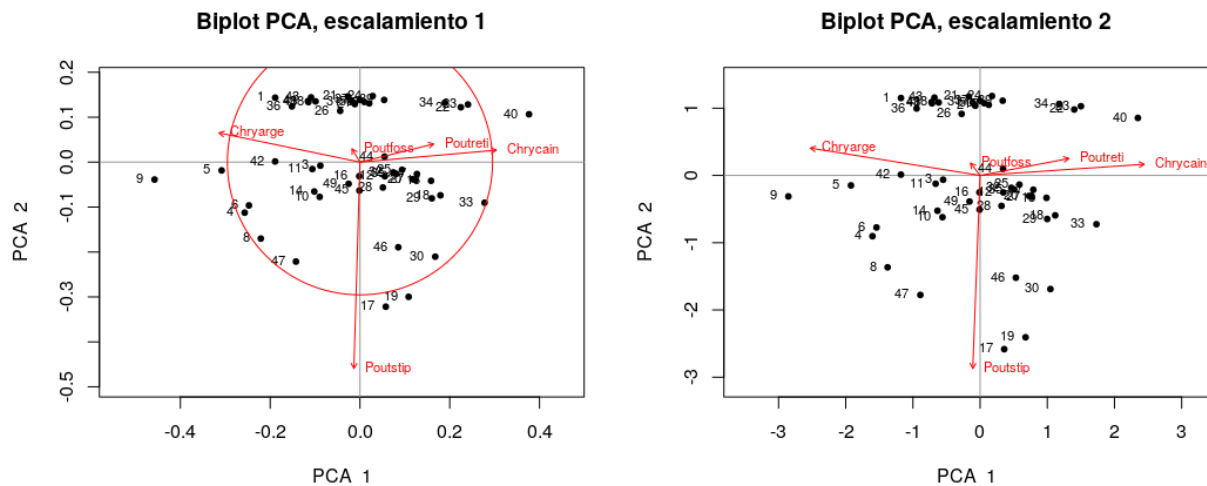


Figure 17: Biplots generados en el PCA de las variables de suelo

El escalamiento 2 de la figura 18 en el análisis de correspondencia mostró que las especies *Pouteria reticulata*, *Chrysophyllum argenteum* y *Chrysophyllum cainito* se encuentran asociadas. Las especies restantes tienen una abundancia reducida, y en consecuencia, aparecen cercanas a los pocos cuadrantes en los que se encuentran representadas. La disparidad en la incidencia de las especies se refleja en su disposición en el diagrama. Sin embargo, estos resultados no coinciden del todo con los arrojados por el PCA de la matriz de distancias.

Los primero ordenes de *Chrysophyllum argenteum* y *Chrysophyllum cainito* presentan valores de autocorrelación alta o positiva, mientras que los ordenes de las demas especies presentan mayormente valores de autocorrelación negativa (Ver figura 19).

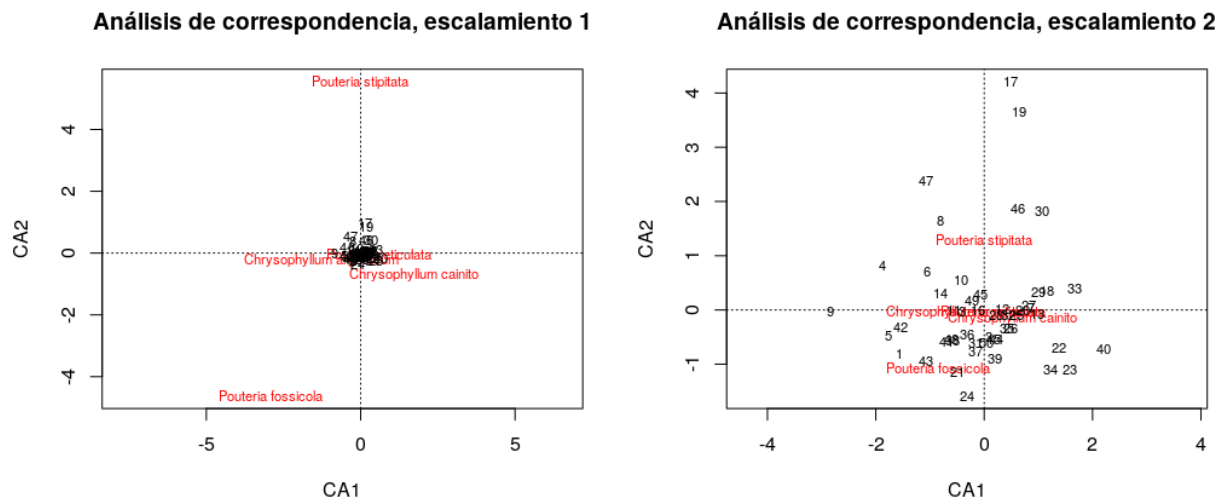
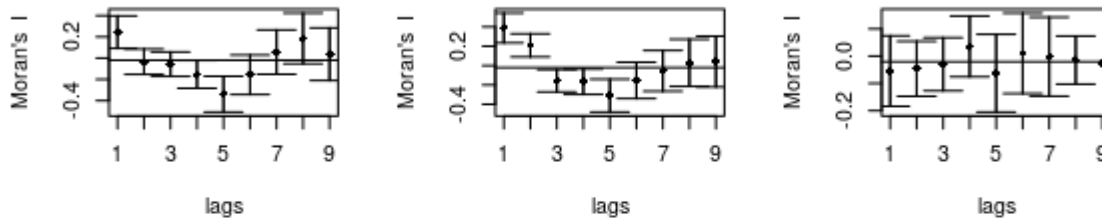


Figure 18: Biplot del analisis de correspondencia de los datos de abundancia de las especies de Sapotaceae

***Hrysophyllum argenteum* (matriz Hrysophyllum cainito (matriz Hellin) *Pouteria fossicola* (matriz Hellin)**



***Pouteria reticulata* (matriz Hellin) *Pouteria stipitata* (matriz Hellin)**

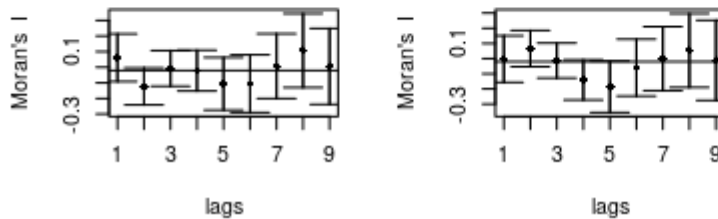


Figure 19: Autocorrelación espacial de las especies

4 Discusión

Estudios de la familia Sapotaceae también reportan que *Pouteria* es un genero que parece siempre presentar una cantidad significativa de individuos (Martínez-Sovero et al. (2021)). La riqueza de la familia Sapotaceae aumenta en función del contenido de hidrógeno, nitrógeno y cobre, los cuales son algunos de los nutrientes que más se correlacionan con la diversidad de especies de plantas en el neotrópico (Doblado Amador (2011)). Además, la riqueza aumenta con la equidad, por lo que casi todos los sitios de BCI tienen valores altos de equidad, debido a que las especies están distribuidas en casi todos los cuadrantes.

Los valores de los índices de diversidad alfa fueron: Species Richness 0.217, Shannon diversity 0.045 y Simpson diversity 0.038, estos valores sugieren que la familia Sapotaceae no presenta mucha diversidad en BCI. Se estima que la riqueza seguiría constante o no aumentaría significativamente aunque se hiciera mayor esfuerzo de muestreo (ver figura 20).

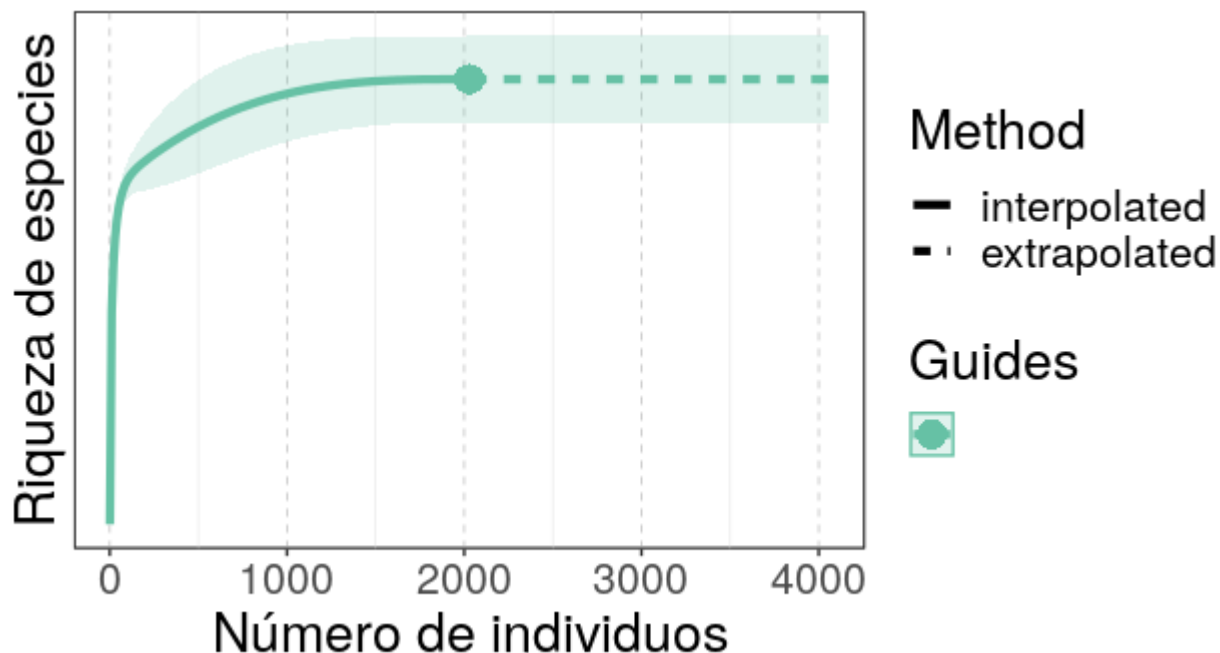


Figure 20: Grafico de acumulacion de especies en funcion de numeros de individuos

Las especies que contribuyen de manera significativa a la diversidad beta fueron: *Chrysophyllum argenteum*, *Chrysophyllum cainito* y *Pouteria stipitata*, las cuales fueron las que obtuvieron valores intermedios de individuos. No obstante, los sitios que contribuyen a la diversidad beta son los cuadrantes 9 y 40, lo cual presentan contribución a la diversidad beta por la incidencia de algunas variables ambientales, tales como el ph, aluminio, boro, manganeso... Las especies *Pouteria reticulata*, *Chrysophyllum argenteum* y *Chrysophyllum cainito* se encuentran asociadas, debido a que tienen los valores mas altos de abundancia dentro de la comunidad (1084, 711 y 171 individuos, respectivamente).

Los primero ordenes de *Chrysophyllum argenteum* y *Chrysophyllum cainito* presentan valores de autocorrelación positiva, mientras que los ordenes de las demás especies presentan mayormente valores de autocorrelación negativa, teniendo en cuenta que el orden 5 de todas las especies presenta autocorrelacion negativa, lo que sugiere que el orden 5 de las especies está autocorrelacionado espacialmente negativo.

5 Agradecimientos

Agradezco al maestro José Ramón Martínez, por su motivación y ayuda en todos los aspectos para que este trabajo salga bien.

6 Información de soporte

...

7 Script reproducible

Referencias

- Batlle, J. R. M. (2020). biogeografia-master/scripts-de-analisis-BCI: Long coding sessions (Version v0.0.0.9000). <https://doi.org/10.5281/zenodo.4402362>
- Brocard, D., Gillet, F., & Legendre, P. (2018). Numerical ecology with r. *Springer Nature, Second Edition*, 52–66. Retrieved from <https://doi.org/10.1007/978-3-319-71404-2>
- Carmona-Galindo, V. D., & Carmona, T. V. (2013). La diversidad de los análisis de diversidad la diversidad de los analisis de diversidad [the diversity of diversity analyses]. *Bioma*.
- Cáceres, M. D., & Legendre, P. (2009). Associations between species and groups of sites: Indices and statistical inference. *Ecology*, 90(12), 3566–3574.
- Condit, R. A. y H., Richard y Chisholm. (2012). Treinta años de censo forestal en barro colorado y la importancia de la inmigración para mantener la diversidad. *PloS One*, 7(11), e49826.
- Condit, R. y L., Richard y P 'e rez. (2017). Tendencias demográficas y clima durante 35 años en la parcela de 50 ha de barro colorado. *Forest Ecosystems*, 4(1), 1–13.
- Conjuntos de especies y especies indicadoras: La necesidad de un enfoque asimétrico flexible. (1997). *Monografías Ecológicas*, 67(3), 345–366.
- croata, T. B. (1978). *Flora de la isla barro colorado*. Stanford University Press.
- De Caceres, M., & Legendre, P. (2009). Associations between species and groups of sites: Indices and statistical inference. In *Ecology*. Retrieved from <http://sites.google.com/site/miqueldecaceres/>
- Doblado Amador, L. S. (2011). Identificación y caracterización de tipos de bosque y su relación con variables ambientales, en un paisaje fragmentado al norte de honduras. *Proyecto Finnfor I Y Finnfor II-CATIE*.
- Isla barro colorado y biología tropical. (1990). *Cuatro Bosques Neotropicales*, 28–47.
- Kindt, R., & Coe, R. (2005). *Tree diversity analysis. a manual and software for common statistical methods for ecological and biodiversity studies*. Retrieved from <http://www.worldagroforestry.org/output/tree-diversity-analysis>
- Legendre, P., & Gallagher, E. D. (2001). Ecologically meaningful transformations for ordination of species data. *Oecologia*, 129(2), 271–280.
- Martínez-Sovero, G., Iglesias-Osores, S., & Villena-Velásquez, J. J. (2020). Importancia de la familia sapotaceae en madre de dios, Perú. *Manglar*, 17(4), 287.
- Martínez-Sovero, G., Iglesias-Osores, S., Muñoz-Chavarry, P., Seminario-Cunya, A., Alva-Mendoza, D., & Villena-Velásquez, J. (2021). Diversidad y estructura de sapotaceae en bosques amazónicos de madre de dios, Perú. *Ciencia Amazónica (Iquitos)*, 9(1), 59–72.
- Oksanen, J., Blanchet, F. G., Friendly, M., Kindt, R., Legendre, P., McGlinn, D., ... Wagner, H. (2019). *Vegan: Community ecology package*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=vegan>
- Pérez, R., Aguilar, S., Condit, R., Foster, R., Hubbell, S., & Lao, S. (2005). Metodología empleada en los censos de la parcela de 50 hectareas de la isla de barro colorado, panamá. *Centro de Ciencias Forestales Del Tropico (CTFS) Y Instituto Smithsonian de Investigaciones Tropicales (STRI)*, 1–24.
- R Core Team. (2020). *R: A language and environment for statistical computing*. Retrieved from <https://www.R-project.org/>
- Rodríguez-Flores, W., & Barrios, H. (2020). Scolytinae y platypodinae (coleoptera: Curculionidae) de la isla barro colorado, panamá. *Scientia*, 30(1), 15–52.
- Smedmark, A. A., Jenny EE y Anderberg. (2007). La migración boreotropical explica la hibridación entre linajes geográficamente distantes en el clado pantropical sideroxyloae (sapotaceae). *American Journal of Botany*, 94(9), 1491–1505.
- Whittaker, R. H. (1960). Vegetation of the siskiyou mountains, oregon and california. *Ecological*

Monographs, 30(3), 279–338.

Wickham, H. (2017). *Tidyverse: Easily install and load the 'tidyverse'*. Retrieved from <https://CRAN.R-project.org/package=tidyverse>

Windsor, D., FOSTER, R., BROKAW, N., Leigh, E., Rand, A., & others. (n.d.). *Estructura e historia de la vegetación de la isla barro colorado ecología de un bosque tropical: Ciclos estacionales y cambios a largo plazo*.