## Основные сведения о дереве кофе

## Полина Дроздова

## 20 сентября 2014 г.

Кофе (род *Coffea*) — это растение семейства Маревые (Rubiaceae), порядка Горечавкоцветные (Gentianales), клады Asterids. Для производства любимых нами всеми зёрен используют в основном два вида: *C. arabica* и *C. canephora* [http://en.wikipedia.org/wiki/Coffea]

Недавно (статью в Science вышла 5 сентября 2014 года) был отсеквенирован геном *С. canephora*. 11 пар хромосом, 710 Mbp. [http://www.sciencemag.org/content/345/6201/1181.full]. Авторы не пишут прямо, но сильно подозреваю, что этот вид предпочли потому, что он диплоид, а *С. arabica* — тетраплоид. Чем больше геном, тем сложнее собирать.

Ещё некоторые полезные ссылки:

https://genomevolution.org/wiki/index.php/File:Totalsequencedtree.png

http://www.coffeegenome.org/

http://coffee-genome.org/

Я утверждаю, что ближайший к кофе секвенированный геном — это либо помидор (Solanum lycopersicum), либо картофель (S. tuberosum), двух представителей сем. Паслёновые (Solanaceae), входящего в ту же кладу Asterids. Всего десяток лет назад кофе относили к тому же семейству Паслёновые. Проекты по секвенированию генома картофеля и томата живут здесь:

http://www.sgn.cornell.edu/.

Ещё можно попробовать поработать с генами классического модельного объекта генетики растений *Arabidopsis thaliana*. Насколько я знаю, основной кладезь информации про этот геном здесь:

http://www.arabidopsis.org/.

Арабидопсис намного дальше от кофе, чем томат и картофель, зато изучен несравнимо лучше.

Я вот нашла статью о том, что у кофе и помидора схожие наборы генов, а на арабидопсисные они как раз не очень похожи: [http://link.springer.com/article/10.1007% 2Fs00122-005-0112-2].

А это самая главная страничка, с которой и стоит скачивать данные:

[http://coffee-genome.org/download] Паша Добрынин: сказал, что мы можем работать с файлами .fasta с каждой хромосомой. Разбираться со скэффолдами отдельно веселее, но сложнее.

Файл .gff3 в самом начале — это и есть цель нашей работы, поэтому заглядывать в него пока не стоит.

В общем, пока что я предлагаю работать с генами  $Arabidopsis\ thaliana$ ,  $Solanum\ lycopersicum$  и  $Solanum\ tuberosum$  и посмотреть, что лучше получится.