

Registro

- **Martes 25** de 8.45 a 13 hs. **Lugar:** Aula 1401, edificio 0 + inf FCEN-UBA, Ciudad Universitaria, CABA.

8:45 a 9:00 - Opening Speech & Day guidelines

Mónica Pickholz (DF-FCEN-UBA, IFIBA-CONICET)

Patricia Saragüeta (DFBMC-FCEN-UBA, IBYME-CONICET)

9:00 a 9:40 - PLENARY TALK

Mehrnoosh Arrar. Instituto de Cálculo, CONICET-UBA.

On the coupled activities of the Dengue virus NS3 helicase.

9:40 a 11:00 - Short Talks

Federico Picado. Umbrales críticos de calidad para el genotipado por microarrays: Impacto en la inferencia de vínculos genéticos.

María Julia Boggione. Análisis de modelos de lenguaje para el diseño de proteínas.

Juliana Glavina. Análisis a gran escala de determinantes de especificidad y afinidad de motivos lineales de unión a las proteínas pocket.

Bruno Breggia. RNA sequence tokenization for secondary structure prediction.

11:00 a 11:20 - Coffee Break

11:20 a 12:00 - Flash Talks

Abigail Stricker. Illumina vs. Minion: Performance Comparison for Microbiome Profiling with Commercial Standards.

Martirena Alba Inés. Respuesta del secretoma uterino bajo distintos estímulos de inducción de la ovulación en camélidos sudamericanos.

Ayelén Sebastiana Hernández Berthet. Reduced Alphabets and Epistasis in the Sequence-Based Prediction of Protein Quantitative Phenotypes.

12:00 a 12:40 - Invited Speaker

Laura Kameneztky. IB3-DFBMC-FCEN-UBA.

Ensamblado de genomas complejos mediante secuenciación de lecturas largas.

12:40 a 13:30 - Lunch

13:30 a 14:10 Invited Speaker

Pablo Dans. Instituto Pasteur de Montevideo.

GeeMELD: In silico folding of DNA G-quadruplex guided by Circular Dichroism and pairing rules.

14:10 a 15:05 Short Talks

Esteban Rey. AutoDock Vina Site: enhanced prediction accuracy through guided docking.

Aballay Federico Emanuel. Unraveling the role of plastid-based signals in the regulation of nuclear transcriptome.

Gonzalo Javier Giordano. Complex Networks and Large Language Models for the Study of Drug-Target Interactions.

15:05 a 15:40 Flash Talks

Inés Sananez. In silico identification and functional analysis of the secretome of the giant kidney worm *Diectophyme renale* reveal conserved immunomodulatory effectors.

Raffo Diego. Desarrollo de la plataforma web Locatorapps para la gestión y trazabilidad de colecciones de muestras biológicas.

Esteban Lanzarotti. Distributed VMD: Un plugin para visualización sincronizada de sistemas moleculares.

15:40 a 16:20 Invited Speaker

Danilo Ceschin. Instituto Universitario de Ciencias Biomédicas de Córdoba.

Proyecto JAGUAR - Mapeando la diversidad genética de las Células inmunes en América Latina.

16:20 a 18:00 Poster session

18:00 a 18:15 Awards

