Elementi di Bioinformatica

Gianluca Della Vedova

Univ. Milano-Bicocca https://gianluca.dellavedova.org

12 ottobre 2020

Pattern matching su suffix array

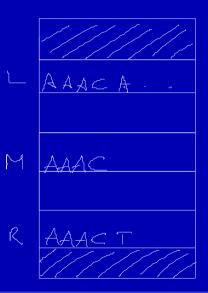
Occorrenza P in T

Suffissi di T che iniziano con P

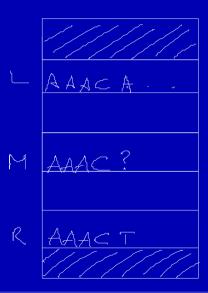
Ricerca in SA

- Ricerca dicotomica
- Tempo $O(m \log n)$ caso pessimo
- Controllare tutto *P* ad ogni iterazione
- $\log_2 n$ iterazioni

- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri



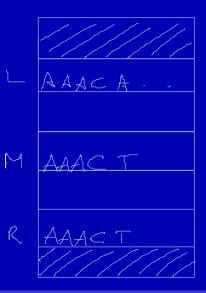
- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri



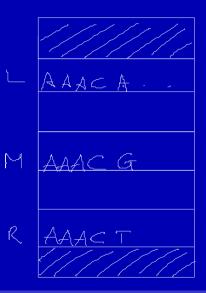
- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano *M*
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri



- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri



- Intervallo SA(L,R) di SA
- Elemento mediano M
- Tutti i suffissi in SA(L,R) iniziano con uno stesso prefisso lungo Lcp(SA[L],SA[R])
- Non confrontare con i primi Lcp(SA[L], SA[R]) caratteri

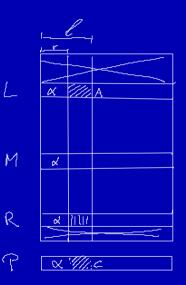


```
l: lcp(L, P); r: Lcp(R, P)
```

1 Caso 1: l > r

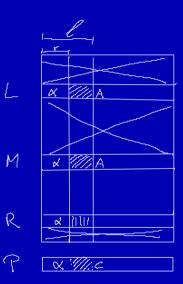
1: lcp(L,P); r: Lcp(R,P)

1 Caso 1: l > r

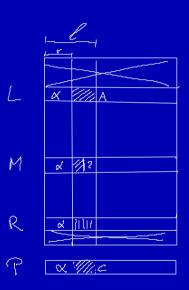


1 Caso 1: l > rLcp(L,M) > lM 2 1/1/ A R × 4/1/16

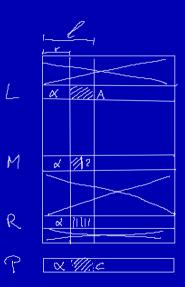
- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$



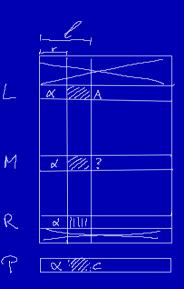
- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
 - Lcp(L,M) < l



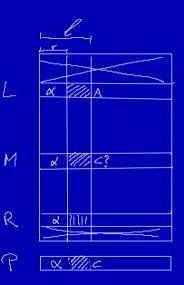
- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
 - $Lcp(L,M) < l \Rightarrow$ $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M,L)$



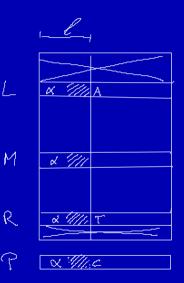
- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
 - $Lcp(L, M) < l \Rightarrow$ $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M, L)$
 - Lcp(L,M) = l



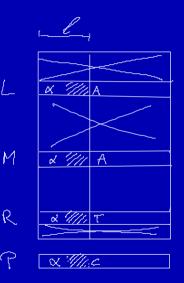
- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
 - $Lcp(L,M) < l \Rightarrow$ $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M,L)$
 - Lcp(L, M) = l ⇒ confronto P[l+1:], M[l+1:]



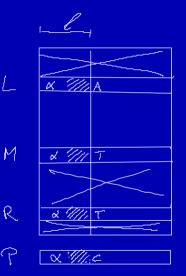
- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
 - $Lcp(L, M) < l \Rightarrow$ $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M, L)$
 - Lcp(L, M) = l ⇒ confronto P[l+1:], M[l+1:]
- 2 Caso 2: l = r



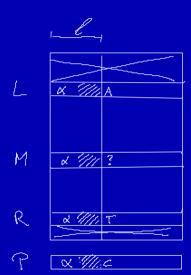
- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
 - $Lcp(L, M) < l \Rightarrow$ $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M, L)$
 - Lcp(L, M) = l ⇒ confronto P[l+1:], M[l+1:]
- 2 Caso 2: l = r
 - Lcp(L,M) > l



- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
 - $Lcp(L, M) < l \Rightarrow$ $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M, L)$
 - Lcp(L, M) = l ⇒ confronto P[l+1:], M[l+1:]
- 2 Caso 2: l = r
 - Lcp(L,M) > l
 - Lcp(M,R) > l



- 1 Caso 1: l > r
 - $Lcp(L,M) > l \Rightarrow L \leftarrow M$
 - $Lcp(L, M) < l \Rightarrow$ $R \leftarrow M, r \leftarrow Lcp(M, L)$
 - Lcp(L, M) = $l \Rightarrow$ confronto P[l+1:], M[l+1:]
- 2 Caso 2: l = r
 - Lcp(L,M) > l
 - Lcp(M,R) > l
 - Lcp(L,M) = Lcp(M,R) = l



Iterazione 1: (L,R) = (1,n)

- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)

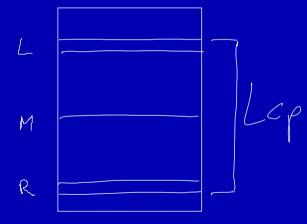
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)
- Iterazione k: $L = h_{\frac{n}{2^{k-1}}}$, $R = (h+1)_{\frac{n}{2^{k-1}}}$

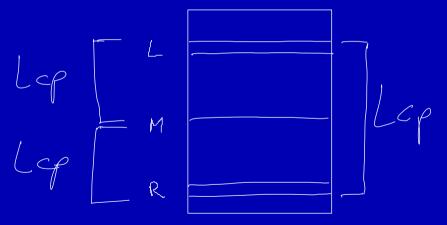
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1, n/2) oppure (n/2, n)
- Iterazione $k: L = h_{\frac{n}{2^{k-1}}}, R = (h+1)\frac{n}{2^{k-1}}$
- Iterazione $\lceil \log_2 n \rceil$: R = L + 1, Lcp(h, h + 1)

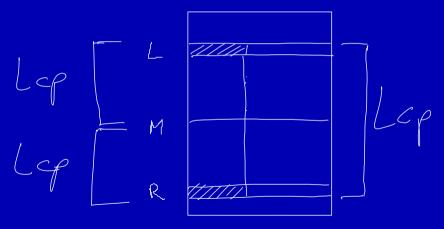
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)
- Iterazione $k: L = h \frac{n}{2^{k-1}}, R = (h+1) \frac{n}{2^{k-1}}$
- Iterazione $\lceil \log_2 n \rceil$: R = L + 1, Lcp(h, h + 1)
- Iterazione $\lceil \log_2 n \rceil 1$: aggrego i risultati dell'iterazione $\lceil \log_2 n \rceil$

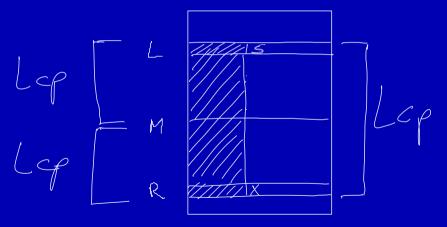
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)
- Iterazione k: $L = h_{\frac{n}{2^{k-1}}}$, $R = (h+1)\frac{n}{2^{k-1}}$
- Iterazione $\lceil \log_2 n \rceil$: R = L + 1, Lcp(h, h + 1)
- Iterazione $\lceil \log_2 n \rceil 1$: aggrego i risultati dell'iterazione $\lceil \log_2 n \rceil$
- Iterazione k: $Lcp(h\frac{n}{2^{k-1}}, (h+1)\frac{n}{2^{k-1}})$

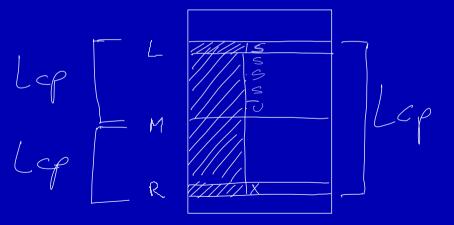
- Iterazione 1: (L,R) = (1,n)
- Iterazione 2: (L,R) = (1,n/2) oppure (n/2,n)
- Iterazione k: $L = h \frac{n}{2^{k-1}}$, $R = (h+1) \frac{n}{2^{k-1}}$
- Iterazione $\lceil \log_2 n \rceil$: R = L + 1, Lcp(h, h + 1)
- Iterazione $\lceil \log_2 n \rceil 1$: aggrego i risultati dell'iterazione $\lceil \log_2 n \rceil$
- Iterazione k: $Lcp(h\frac{n}{2^{k-1}},(h+1)\frac{n}{2^{k-1}})$
- $t = \frac{n}{2^k}, Lcp(2ht + 1, (2h + 2)t)) = \min\{Lcp(2ht + 1, (2h + 1)t), Lcp((2h + 1)t + 1, (2h + 2)t), Lcp((2h + 1)t, (2h + 1)t + 1)\}$











Passaggio da *s* a *z* deve esistere

Osservazione

Tempo per trovare un'occorrenza

Osservazione

- Tempo per trovare un'occorrenza
- Tempo per trovare tutte le occorrenze?

Osservazione

- Tempo per trovare un'occorrenza
- Tempo per trovare tutte le occorrenze?
- O(n+m+k), per k occorrenze | scansione lineare a partire dall'occorrenza trovata

Costruzione suffix array: nuovo alfabeto

- Alfabeto Σ con σ simboli, testo T lungo n
- Aggrego triple di caratteri
- Alfabeto Σ^3 con σ^3 simboli, testo lungo n/3
- $T_1 = (T[1], T[2], T[3]) \cdots (T[3i+1], T[3i+2], T[3i+3]) \cdots$ $T_2 = (T[2], T[3], T[4]) \cdots (T[3i+2], T[3i+3], T[3i+4]) \cdots$ $T_0 = (T[3], T[4], T[5]) \cdots (T[3i], T[3i+1], T[3i+2]) \cdots$
- suffissi $(T) \Leftrightarrow \bigcup_{i=0,1,2} \text{suffissi}(T_i)$

Costruzione suffix array: ricorsione

- Ricorsione su T_0T_1
- 2 suffissi $(T_0T_1) \Leftrightarrow \text{suffissi}(T_0)$, suffissi (T_1)
- suffissi $(T_0T_1) \Leftrightarrow \text{suffissi}(T_2)$
- $T_2[i:] \approx T[3i+2:]$
- $T[3i+2:] = T[3i+2]T[3i+3:] = T[3i+2]T_0[i+1:]$
- 6 suffissi(T_0) ordinati
- 7 Radix sort
- 8 Fusione suffissi(T_0T_1), suffissi(T_2)

Costruzione suffix array: fusione

Confronto suffisso di T_0 e T_2

- $T_0[i:] <=> T_2[j:]$
- $T[3i:] \le T[3j+2:]$
- $T[3i]T[3i+1:] \le T[3j+2]T[3j+3:]$
- 4 $T[3i]T_1[i:] \le T[3j+2]T_0[j+1:]$

Costruzione suffix array: fusione

Confronto suffisso di T_1 e T_2

- 1 $T_1[i:] <=> T_2[j:]$
- T[3i+1:] <=> T[3j+2:]
- $T[3i+1]T[3i+2:] \le T[3j+2]T[3j+3:]$
- T[3i+1]T[3i+2]T[3i+3:] <=> T[3j+2]T[3j+3]T[3j+4:]
- 5 $T[3i+1]T[3i+2]T_0[i+1:] \le T[3j+2]T[3j+3]T_1[j+1:]$

KS

- Juha Kärkkäinen, Peter Sanders and Stefan Burkhardt. Linear work suffix array construction. J. ACM, 53 (6), 2006, pp. 918-936.
- 2 Difference cover (DC) 3
- Stefan Burkhardt and Juha Kärkkäinen. Fast lightweight suffix array construction and checking In Proc. 14th Symposium on Combinatorial Pattern Matching (CPM '03), LNCS 2676, Springer, 2003, pp. 55-69. http://www.stefan-burkhardt.net/CODE/cpm_03.tar.gz
- 4 Yuta Mori. SAIS https://sites.google.com/site/yuta256/

k stringhe $\{s_1, \ldots, s_k\}$

1 Suffix tree generalizzato



```
k stringhe \{s_1,\ldots,s_k\}
```

- 1 Suffix tree generalizzato
- 2 Vettore $C_x[1:k]$ per ogni nodo x

```
k stringhe \{s_1,\ldots,s_k\}
```

- 1 Suffix tree generalizzato
- Vettore $C_x[1:k]$ per ogni nodo x
- **3** $C_x[i]$: sottoalbero con radice x ha una foglia di s_i

k stringhe $\{s_1,\ldots,s_k\}$

- 1 Suffix tree generalizzato
- Vettore $C_x[1:k]$ per ogni nodo x
- **3** $C_x[i]$: sottoalbero con radice x ha una foglia di s_i
- $C_x = \bigvee C$ sui figli di C

k stringhe $\{s_1,\ldots,s_k\}$

- 1 Suffix tree generalizzato
- Vettore $C_x[1:k]$ per ogni nodo x
- **3** $C_x[i]$: sottoalbero con radice x ha una foglia di s_i
- $C_x = \bigvee C$ sui figli di C
- Nodo z, $C_z = \text{tutti } 1$

k stringhe $\{s_1, \ldots, s_k\}$

- 1 Suffix tree generalizzato
- Vettore $C_x[1:k]$ per ogni nodo x
- $C_x[i]$: sottoalbero con radice x ha una foglia di s_i
- $C_x = \bigvee C$ sui figli di C
- Nodo z, $C_z = \text{tutti } 1$
- 6 Tempo O(kn)

k stringhe $\{s_1,\ldots,s_k\}$

- 1 Suffix tree generalizzato
- 2 Vettore $C_x[1:k]$ per ogni nodo x
- **3** $C_x[i]$: sottoalbero con radice x ha una foglia di s_i
- $C_x = \bigvee C$ sui figli di C
- Solution Nodo z, $C_z = \text{tutti } 1$
- 6 Tempo O(kn)
- 7 *n*: summa lunghezze $|s_1| + \cdots + |s_k|$

Lowest common ancestor (lca)

Dati albero T e 2 foglie x, y

- z è antenato comune di x, y se z è antenato di entrambi x e y
- z è lca di x, y se:
 - z è antenato comune di x e y
 - 2 nessun discendente di z è antenato comune di x e y

Proprietà

- Preprocessing di T in tempo O(n)
- Calcolo lca(x, y) in tempo O(1)
- Algoritmo complesso, ma pratico

Arricchimento ST

1 $N_x[i]$: numero foglie di s_i discendenti di x

- $\mathbf{1}$ $N_x[i]$: numero foglie di s_i discendenti di x
- $N_x[i] = 0$ o 1 per ogni foglia

- 1 $N_x[i]$: numero foglie di s_i discendenti di x
- $N_x[i] = 0$ o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$

- 1 $N_x[i]$: numero foglie di s_i discendenti di x
- $N_x[i] = 0$ o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4 $D_x[i]$: numero di consecutive di foglie di s_i , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x

- 1 $N_x[i]$: numero foglie di s_i discendenti di x
- $N_x[i] = 0$ o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4 $D_x[i]$: numero di consecutive di foglie di s_i , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x
- $N_{x}[i] = 0 \Rightarrow D_{x}[i] = 0$



- 1 $N_x[i]$: numero foglie di s_i discendenti di x
- $N_x[i] = 0$ o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4 $D_x[i]$: numero di consecutive di foglie di s_i , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x
- $N_x[i] = 0 \Rightarrow D_x[i] = 0$

- 1 $N_x[i]$: numero foglie di s_i discendenti di x
- $N_x[i] = 0$ o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4 $D_x[i]$: numero di consecutive di foglie di s_i , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x
- 5 $N_x[i] = 0 \Rightarrow D_x[i] = 0$
- 6 $N_x[i] = 1 \Rightarrow D_x[i] = 0$
- $N_x[i] \ge 1 \Rightarrow D_x[i] = N_x[i] 1$

- 1 $N_x[i]$: numero foglie di s_i discendenti di x
- $N_x[i] = 0$ o 1 per ogni foglia
- $N_x[i] = \text{somma dei figli}$
- 4 $D_x[i]$: numero di consecutive di foglie di s_i , ordinate secondo visita depth-first, discendenti di x
- 5 $N_x[i] = 0 \Rightarrow D_x[i] = 0$
- 6 $N_x[i] = 1 \Rightarrow D_x[i] = 0$
- $7 N_x[i] \ge 1 \Rightarrow D_x[i] = N_x[i] 1$
- 8 $N_x[i] D_x[i] = C_x[i]$

Gestione ST

- Visita depth-first di *ST*
- L_i : lista ordinata delle foglie di s_i
- Per ogni coppia x, y consecutiva in L_i
 - 1 $z \leftarrow lca(x, y)$
 - $D_{z}[i] =$
 - 3 Aggiorna C_z

Licenza d'uso

Quest'opera è soggetta alla licenza Creative Commons: Attribuzione-Condividi allo stesso modo 4.0. (https://creativecommons.org/licenses/by-sa/4.0/). Sei libero di riprodurre, distribuire, comunicare al pubblico, esporre in pubblico, rappresentare, eseguire, recitare e modificare quest'opera alle seguenti condizioni:

- Attribuzione Devi attribuire la paternità dell'opera nei modi indicati dall'autore o da chi ti ha dato l'opera in licenza e in modo tale da non suggerire che essi avallino te o il modo in cui tu usi l'opera.
- Condividi allo stesso modo Se alteri o trasformi quest'opera, o se la usi per crearne un'altra, puoi distribuire l'opera risultante solo con una licenza identica o equivalente a questa.