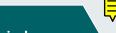


DAS LEHR FORMAT

Pädagogisch Wertvoll



- → Motivierende Erzählstruktur
- → Datenanalyse als Teamarbeit
- → Videokonferenz und MOOC tauglich



Technisch Aktuell

- → Individueller virtueller Organismus
- → Realistische Rohdaten
- → Cloud-basierter Einsatz



DIE ENT-



Rafael Schimassek iAMB

Prof. Lars Blank
iAMB, A

Jonathan Sturm

WHS RPT

Prof. Dr. Frank Eiden WHS, BPT

Kontakt

Dr. Ulf Liebal

ulf.liebal@rwth-aachen.de





Link GitLab Projektentwicklung: https://git.rwth-aachen.de/ulf.liebal/ biolahsim

Finanzielle Unterstützung Exzelenzcluster: 2186 RWTH FSC, The Fuel Science Center: 390919832 Exzelenzinitiative: (DE-82)EXS-PF-PFSDS015





Data Literacy Biotechnologi

BIOLABSIM



BioLabSim ist ein Workflow, in dem die Vorraussetzungen und Ergebnisse von mikrobiologischen Exprerimenten simuliert werden. Die Nutzerlnnen navigieren in einem modernen und weit verbreiteten Programmierumfeld und erlernen Datenanalysen und machinelles Lernen an realistischen Beispielen.

Der Fortschritt in der biologischen Forschung und der biotechnologischen Praxis beruht auf automatisierten Experimenten und computergestützten Datenanalysen. Autor



Biowissenschaftliche Lehre muss Kompetenzen für Informatik, Datenanalyse und machinellem Lernen in einem relevanten Kontext vermitteln.

Autor



ANWENDUNGS-

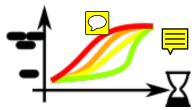
Rekombinante Expression



Hochdurchsatz Wachstumsex permente



fikation optimaler
Wachstumsparameter





Mutations- und Klonierungsexperimente



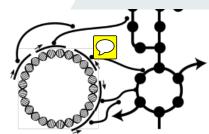
Gen-Expressionsanalysen



Enzym Knock-Outs



Metabolische Flußanalysen





PROGRAMMIER-UMGEBUNG

Code-Entwicklung



- Basierend auf Python 3.9
- → Open Access via RWTH GitLab
- → Detailierte Dokumentation
 - Lokale Installation via Packet-Manager

Funktionen

- → Biologisch inspirierte Klassen verknüpft mit experiment-ähnlichen Funktionen
- → **Cobrapy**: Simulation metabolischer Aktivität
- → **Exp2lpynb**: Vorhersage der Promoteraktivität