

Pädagogisch Wertvoll

- → Motivierende Erzählstruktur
- → Datenanalyse als Teamarbeit
- → Videokonferenz und MOOC tauglich

\$\$

Technisch Aktuell

- → Individueller virtue Organizmus
- → Realistische Rohdaten
- → Cloud-basierter Einsatz



iAMB, ABBT, RWTH Aachen

Dr. Ulf Liebal Rafael Schimassek Prof. Dr. Lars Blank

BPT, WHS Recklinghausen

Jonathan Sturm Prof. Dr. Frank Eiden

Kontakt

Dr. Ulf Liebal

Telefon: 0241-80-26604 ulf.liebal@rwth-aachen.de













Link GitLab Projektentwicklung: https://git.rwth-aachen.de/ulf.liebal/ biolabsim

Finanzielle Unterstützung Exzelenzcluster: 2186 RWTH FSC. The Fuel Science Center: 3909198 Exzelenz UDE-82)EXS/FE-PFSDS015





Data Literacy Biotechnologie: Weiterbildungen und Lehre

BIOLABSIM



BioLabSim ist ein Workflow, in dem die Vorraussetzungen und Ergebnisse von mikrobiologischen Exprerimenten simuliert werden. Die NutzerInne igieren in einem moderne werden werde

Der Fortschritt in der biologischen Forschung und der biotechnologischen Praxi ruht auf automatisierten Experimenten und computergestützten Datenanalysen.

Biowissenschaftliche Lehre muss Kompetenzen für Informatik, Datena machinellem Lernen in einem relevanten Kontext vermitteln.



ANWENDUNGS-

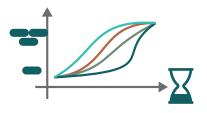
Rekombinante Expression



Hochdurchsatz Wachstumsexperimente



Identifikation optimaler Wachstumsparameter





Mutations- und Klonierungsexperimente



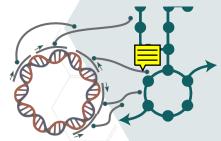
Gen-Expressionsanalysen



Enzym Knock-Outs



Metabolische Flußanalysen





PROGRAMMIER-UMGEBUNG

Code-Entwicklung

- → Basierend auf Python 3.⁶
- → Open Access via RWTH GitLab
- → Detailierte Dokumentation
- → Loxale Installation via Packet-Manager

Funktionen

- → Biologisch inspirierte Klassen verknüpft mit experimentähnlichen Funktionen
- → Biopython: Kodierung von Sequenzier-Daten
- → Cobrapy: Simulation metabolischer Aktivität
- → Exp2lpynb: Vorhersage der Promoteraktivität

