

DeepWalk: Online Learning of Social Representations

通过在网络中随机游走捕获网络局部信息，将游走序列等效为句子，并用Skip-Gram学习Embedding向量，从而完成网络表示学习

适应性：由于网络是动态的，网络表示应适应网络的变化

社区意识*：节点间的编码距离应能反应出成员之间的社会相似性

低维度：维度低占用内存小，泛化能力强

连续性：连续的表征不仅可以提供节点的可视化，也可以在分类时更加健壮性

随机游走

随机游走是个随机的过程，每次在网络中心行走时的选择都是随机的，无法基于过去的行为预测未来的行为。可以并行化，网络发生细微变化时只需要重新提取局部网络结构

语言模型

简单看下语言模型，给定一个单词序列：

$$W_1^n = (w_0, w_1, w_2, \dots, w_n)$$

我们的目标是利用先前的单词去预测下一个单词：

$$p(w_n | w_0, w_1, w_2, \dots, w_{n-1})$$

将其扩展到网络图中，以定长随机游走来探索网络结构，并根据先前走过的节点来预测下一个节点 v 的可能性：

$$p(v_i | (v_1, v_2, \dots, v_{i-1}))$$

这里要注意，我们的目标是获取节点的 Embedding 向量，而不仅仅是求解节点共现概率，所以在这里引入映射矩阵 $\Phi : v \in V \rightarrow R^{|V| \times d}$ ， $\Phi(v)$ 代表节点 v 映射后的 d 维向量，有：

$$p(v_i | (\Phi(v_1), \Phi(v_2), \dots, \Phi(v_{i-1})))$$

但随着随机游走的长度增加，概率函数没法计算。这时我们引入 Word2Vec 的 Skip-Gram 算法，利用一个节点来预测周围的节点，于是有：

$$\text{minimize} -\log([v_{i-w}, \dots, v_{i-1}, v_{i+1}, \dots, v_{i+w}] | \Phi(v_i))$$

注：这里的预测是无序性的，不考虑上下文相对给定单词的偏移量，Word2Vec 的顺序无关性也恰好契合随机游走的无序性。

通过将定长随机游走和 Word2Vec 相结合得到了一个满足所有要求的算法，该算法可以生成低维的网络表征，并存在于连续的向量空间中。

下图展示了我们的算法，3-9 行为核心算法：

- 外层循环打乱遍历顶点的顺序（每个节点都会作为随机游走的起点），这样相比于从固定顺序的顶点开始随机游走而言可以加速收敛；
- 内层循环中，我们会遍历序列中的所有的顶点，通过对每个节点进行均匀采样产生定长的随机游走序列，并通过 Skip-Gram 算法完成训练。

Algorithm 1 DEEPWALK(G, w, d, γ, t)

Input: graph $G(V, E)$

window size w

embedding size d

walks per vertex γ

walk length t

Output: matrix of vertex representations $\Phi \in \mathbb{R}^{|V| \times d}$

- 1: Initialization: Sample Φ from $\mathcal{U}^{|V| \times d}$
 - 2: Build a binary Tree T from V
 - 3: **for** $i = 0$ to γ **do**
 - 4: $\mathcal{O} = \text{Shuffle}(V)$
 - 5: **for each** $v_i \in \mathcal{O}$ **do**
 - 6: $\mathcal{W}_{v_i} = \text{RandomWalk}(G, v_i, t)$
 - 7: SkipGram($\Phi, \mathcal{W}_{v_i}, w$)
 - 8: **end for**
 - 9: **end for**
-

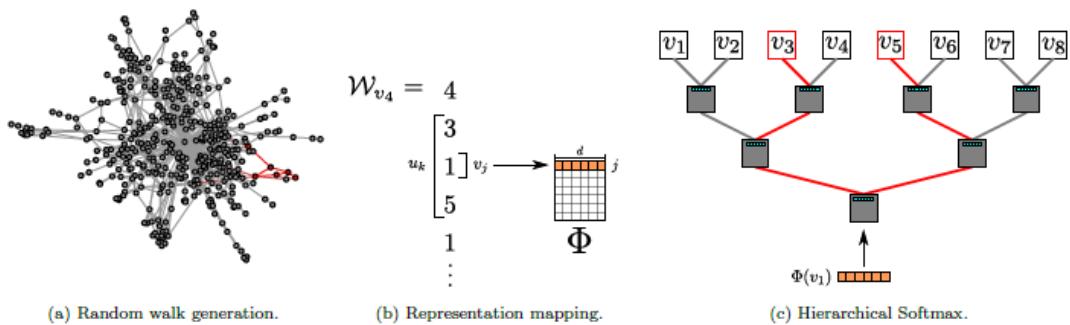


Figure 3: Overview of DEEPWALK. We slide a window of length $2w + 1$ over the random walk \mathcal{W}_{v_4} , mapping the central vertex v_1 to its representation $\Phi(v_1)$. Hierarchical Softmax factors out $\Pr(v_3 | \Phi(v_1))$ and $\Pr(v_5 | \Phi(v_1))$ over sequences of probability distributions corresponding to the paths starting at the root and ending at v_3 and v_5 . The representation Φ is updated to maximize the probability of v_1 co-occurring with its context $\{v_3, v_5\}$.

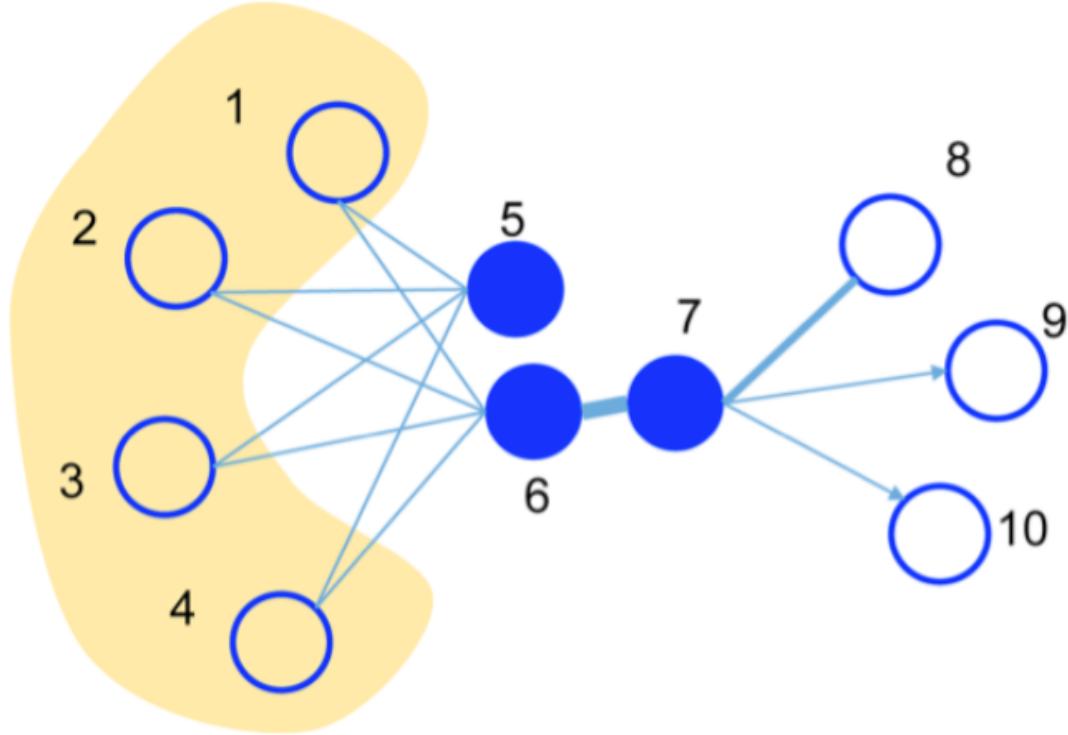
LINE:Large-scale Information Network Embedding

LINE模型致力于将这种大型的信息网络嵌入到低维的向量空间中，且该模型适用于任何类型(有向、无向亦或是有权重)的信息网络。并提出了一种解决经典随机梯度下降限制的边缘采样算法，提高了推理的有效性和效率。可用于可视化，节点分类以及关系预测等方面。

DeepWalk采用分布式并行方式来训练模型，但不适合大型网络

以前的网络没有捕捉到节点间更多的关系，只有一阶邻居相似性

LINE提出了**二阶相似性**，不是通过节点间的强弱来判定的，而是通过**节点的共享邻域结构来确定相似性**。



一方面，节点6和7之间的权值比较大，所以具有较高的一阶相似性，他们之间的嵌入向量距离比较近。另一方面，5,6虽然没有联系，但是他们有很多共同邻居，二阶相似性高，所以他们的嵌入向量也应该相近。

一阶邻居

first-order 是指网络中节点之间的局部连接，我们对每条无向边进行建模并给出联合概率：

$$p_1(v_i, v_j) = \frac{1}{1 + \exp(-u_i^T, u_j)}$$

其中， v_i 表示节点 i， u_i 为节点 i 对应的 Embedding 向量。

根据网络权值，我们的也有经验分布为：

$$\hat{p}_1(i, j) = \frac{w_{ij}}{W}$$

其中， w_{ij} 为节点 i 和结点 j 之间的权值，W 为网络总权值之和。

为了保证网络具有 first-order，我们只需要让经验分布和联合概率分布的越相近越好，衡量两个分布差异的指标为 KL 散度，忽略常数后可以得到代价函数：

$$\text{minimize } O_1 = - \sum_{(i,j) \in E} w_{ij} \log(p_1(v_i, v_j))$$

这里，first-order 的目标函数只适用于无向图，不适用于有向图，所以我们这里用的是无向边。

二阶邻居

我们给出节点间共现的概率为：

$$p_2(v_j|v_i) = \frac{\exp(u_j'^T \cdot u_i)}{\sum_{k=1}^{|V|} \exp(u_k'^T \cdot u_i)}$$

其中， u_i 表示节点 i 的 Embedding 向量， u_i' 表示节点 i 为上下文时的 Embedding 向量， $|V|$ 表示上下文节点的数量。

如上所述，second-order 是假设在上下文中具有相似分布的顶点彼此相似。

second-order 的经验分布为：

$$\hat{p}_2(v_j|v_i) = \frac{w_{ij}}{\text{degree}_i}$$

其中， w_{ij} 为边的权重， degree_i 为节点 i 的度数， $\text{degree}_i = \sum_{j \in N(i)} w_{ik}$ ， $N(i)$ 为节点 i 的邻居。

为了保证 second-order，我们需要让条件概率分布 $p_2(\cdot|v_i)$ 与经验分布 $\hat{p}_2(\cdot|v_i)$ 相近。因此我们有：

$$\text{minimize } O_2 = - \sum_{i \in V} \lambda_i d(\hat{p}_2(\cdot|v_i), p_2(\cdot|v_i))$$

其中， $d(\cdot, \cdot)$ 表示两个分布的距离； λ_i 表示节点的重要性，可以通过类似 PageRank 算法得到。

接着用 KL 散度来代替 $d(\cdot, \cdot)$ 来衡量两个分布的相似性。为简单起见，我们令 $\lambda_i = \text{degree}_i$ ，所以我们有：

$$\text{minimize } O_2 = - \sum_{(i,j) \in E} w_{ij} \log(p_2(v_j|v_i))$$

分别训练一阶近似和二阶近似的模型，然后将其得到的嵌入连接起来 负采样

目标函数为：

$$\log \sigma(u_j'^T \cdot u_i) + \sum_{i=1}^K E_{ns} [\log \sigma(-u_n'^T \cdot u_i)]$$

当然，涉及到稀疏参数更新，就可以利用异步随机梯度下降（Asynchronous Stochastic Gradient Algorithm, ASGD）算法进行加速。目标函数的偏导数为：

$$\frac{\partial O_2}{\partial u_i} = w_{ij} \cdot \frac{\partial p_2(v_j|v_i)}{\partial u_i}$$

可以看到计算梯度时需要乘上边的权值，但这样会出现一个问题：

- 如果选择一个较小的学习率，对于权值较小的边可能会导致梯度消失，学习速度过慢而无法收敛；
- 如果选择一个较大的学习率，对于权值较大的边可能会出现梯度爆炸。

所以，该如何设定一个较好的学习率以应对边的权值方差较大的现象？

边的权重与负采样

比较直接的想法是：导致这种问题的原因是边的权值，如果另所有边的权值相等就不会在出现这种问题了。

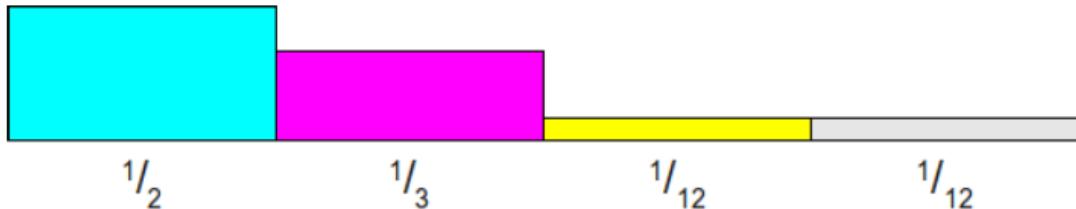
一个简单的方法就是将一个加权边分成多个权值为 1 的二元边，例如：一个权值为 4 的边，我们可以将其分成 4 个权值为 1 的二元边。

但这样又会出现新的问题：内存开销过大。为了解决这个新的问题，作者给出新的解决方案：对原始边进行了采样，保证采样概率与原始边的权值成正比，并将采样后的边视为权值为 1 的二元边。

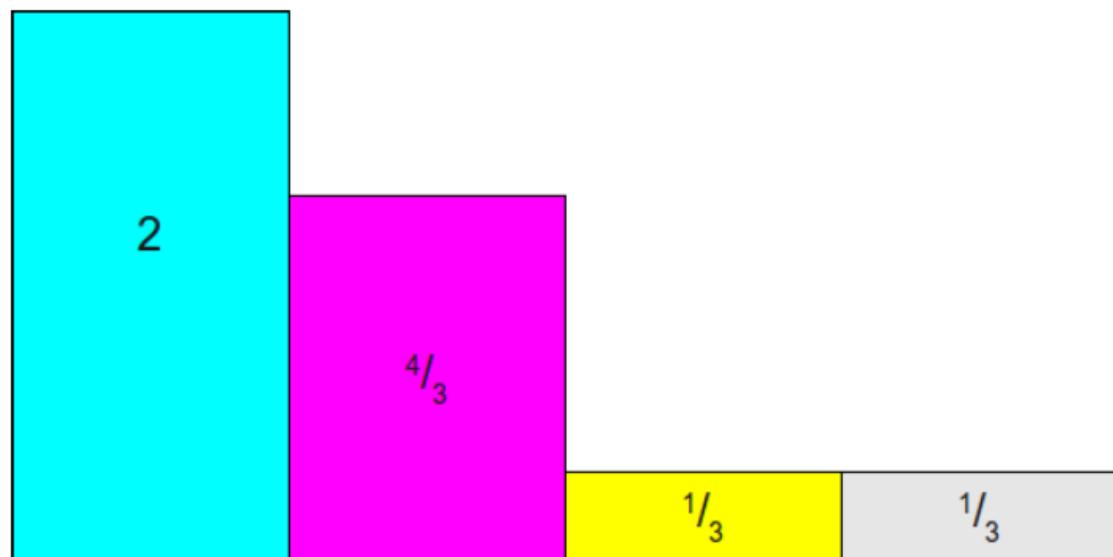
通过这种边采样处理，可以保证原本的代价函数不变，且又加入了边的权重信息。

关于加权采样问题，作者使用的 Alias 算法，虽然 Alias 非本文重点，但是我决定还是简单介绍一下。

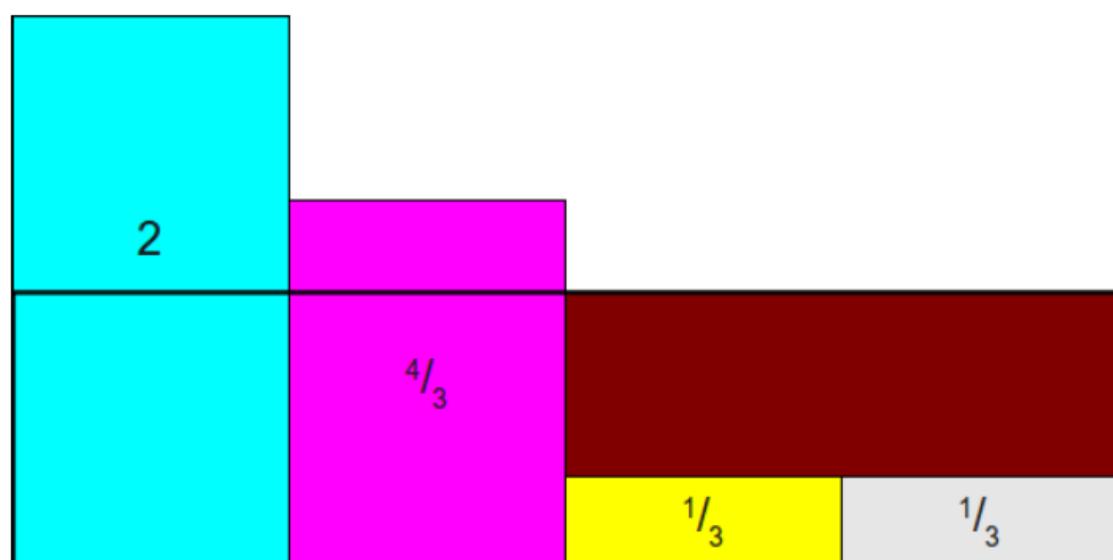
假设我们有四个权值： $\frac{1}{2}, \frac{1}{3}, \frac{1}{12}, \frac{1}{12}$ ，现在要对其进行加权采样。



区别于利用最大值进行归一化，我们基于平均值进行归一化，而给出的例子的均值为 $\frac{1}{4}$ ，所以有：

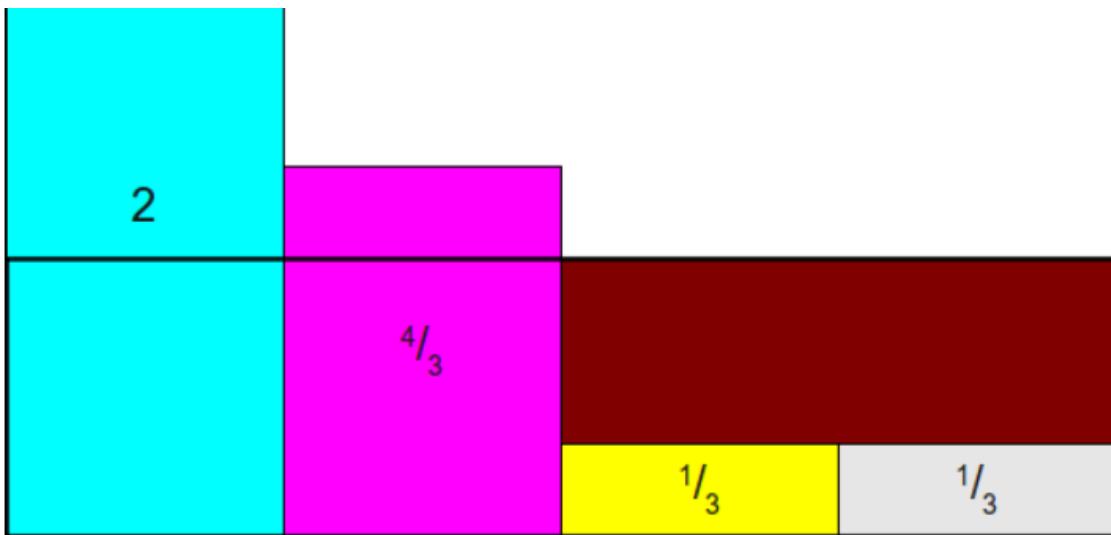


我们以均值归一化后的结果的新均值 1 为高度，画出一个矩形：

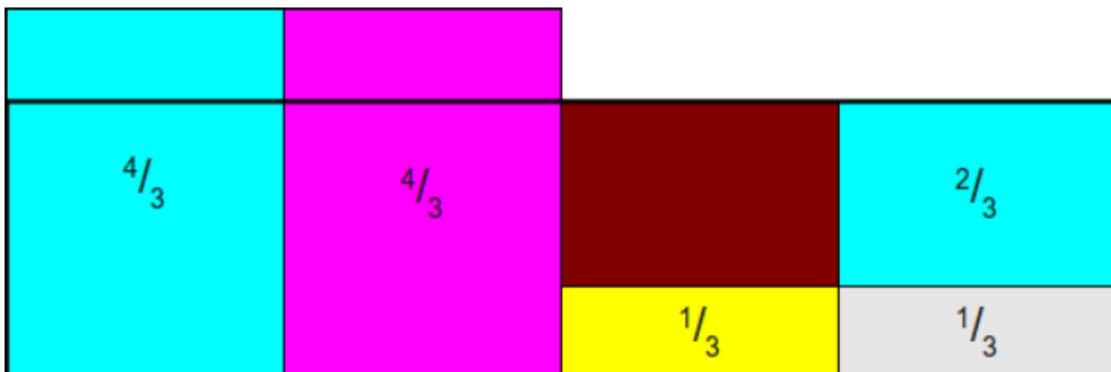


我们可以将多出的部分填补到空缺的部分：

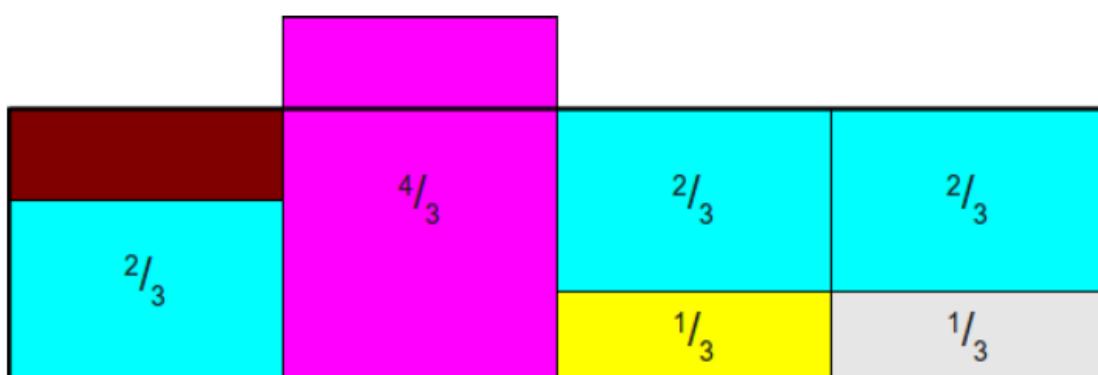




我们可以将多出的部分填补到空缺的部分：



现在还有两个多出来的部分，但只有一个空缺点。为了不增加开销，我们需要给出约束条件：一列最多只有两个事件，所以：



最后便产生了一个完整的矩阵：



我们来看下这个矩阵怎么使用。

我们构造两个大小相同的数组分别为概率表 Prob 和别名表 Alias，概率表为原始列在现有情况下的概率，如原先概率值为 $\frac{1}{2}$ 的第一列对应现在的概率值为 $\frac{2}{3}$ ，概率值为 $\frac{1}{3}$ 的第二列对应的现在的概率值为 1；而别名表 Alias 为多出来的另一个事件的概率，比如 Alias[0] 对应第二个事件，Alias[1] 为 None，Alias[2] 对应第一个事

件， Alias[3] 也对应第一个事件。

$1/3$		$2/3$	$2/3$
$2/3$	1		
		$1/3$	$1/3$
Prob	$2/3$	1	$1/3$
Alias		(none)	

使用方法是，先随机到某一列，然后再进行一次随机用于判断是当前列的原本事件还是别名表 Alias 里面的另一个事件。比如我们第一次随机并得到第三列，有 $\text{Prob}[2] = 1/3$ ，然后再进行一次随机，如果随机数小于 $1/3$ 则为事件三，如果随机数大于 $1/3$ 则为 Alias[2] 中的别名事件，也就是事件一。

Node2vec: Scalable Feature Learning for Networks

采用有偏的随机游走算法并结合Skip-gram算法学习表示，通过超参数来设置搜索策略

同质性：属于同一集群的节点更加相似，如S1和U

结构等价性：两个具有相似结构的节点更加相似，如S6和U

struc2vec: Learning Node Representations from Structural Identity

定义了层次结构相似度,专注于节点结构性信息进行Embedding,在每层上用有偏的随机游走获得节点序列,用Word2Vec训练Embedding

关注不同的节点在网络中的所处的角色

DeepWalk或node2vec这一类的方法在判断节点的结构是否等价的分类任务上往往并不能取得好的效果。其根本原因在于网络中的节点具有同质性 (homophily)，即两个节点有边相连是因为它们有着某种十分相似的特征。因此在网络中相距比较近的节点在嵌入空间也比较近，因为他们有着共同的特征；而在网络中相距比较远的节点，则认为它们没有共同特征，因此在嵌入空间的距离也会比较远，尽管两个节点可能在局部的拓扑结构上是相似的。

一个好的可以反映节点结构特性的方法必须满足以下两个特征：

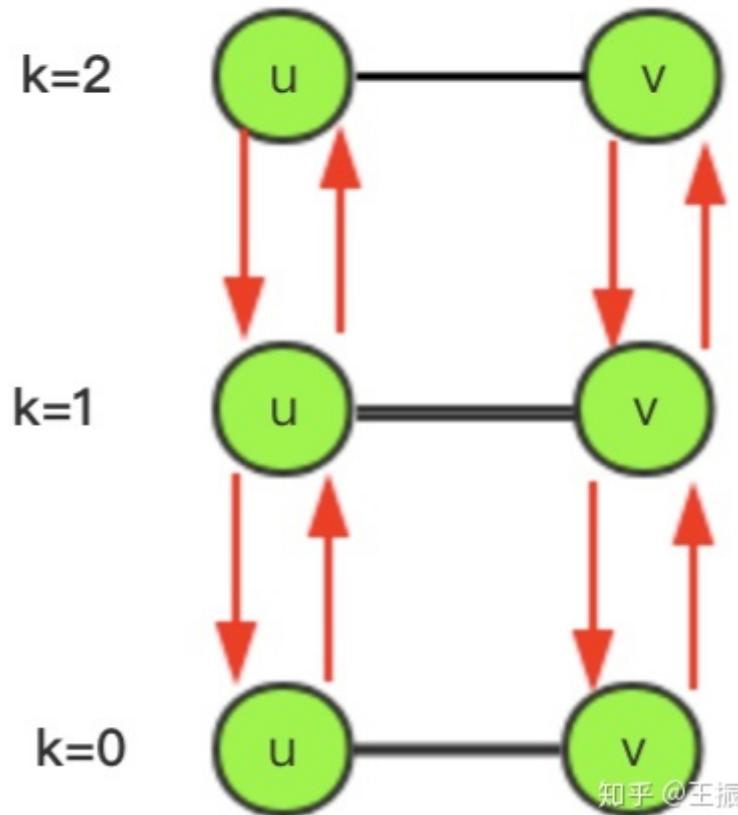
- 嵌入空间的距离得能反映出节点之间的结构相似性，两个局部拓扑结构相似的节点在嵌入空间的距离应该相近。
- 节点的结构相似性不依赖于节点或边的属性甚至是节点的标签信息。

算法可以分成四步：

1. 根据不同距离的邻居信息分别算出每个节点对的结构相似度，这涉及到了不同层次的结构相似度的计算。

2. 构建一个多层次的带权重网络M，每个层次中的节点皆由原网络中的节点构成。
3. 在M中生成随机游走，为每个节点采样出上下文。
4. 使用word2vec的方法对采样出的随机游走序列学习出每个节点的节点表示。

层次结构网络



- 每一层节点相同,一共 $k \times V$ 个节点
- 包含两种边的类型,黑色为第 k 层节点 u 与 v 的层次结构相似性,橙色为层间的权重

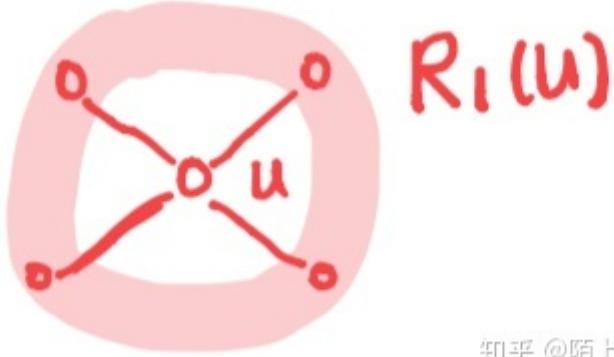
符号

$G = (V, E)$: 无向带权网络, V 表示节点集合, E 表示边集合。

$n = |V|$: 网络中的节点数。

k^* : 网络的直径, 即网络中任意两点距离的最大值。

$R_k(u)$: 与节点 u 距离为 k 的节点集合, 等同于以 u 为根的BFS树上第 k 层的节点集合。例如, $R_1(u)$ 就是 u 的直接邻居。



知乎 @陌上疏影凉

$s(S)$: 对某个节点集合 V 中的节点按照度的从小到大顺序排序后形成的序列。

$f_k(u, v)$: 考虑两个节点的 k 跳邻域 (k -hop neighborhoods) 时 (小于等于 k 跳的所有邻居均要考慮), 两个节点的在结构距离 (structural distance)。表达式如下:

$$f_k(u, v) = f_{k-1}(u, v) + g(s(R_k(u)), s(R_k(v)))$$

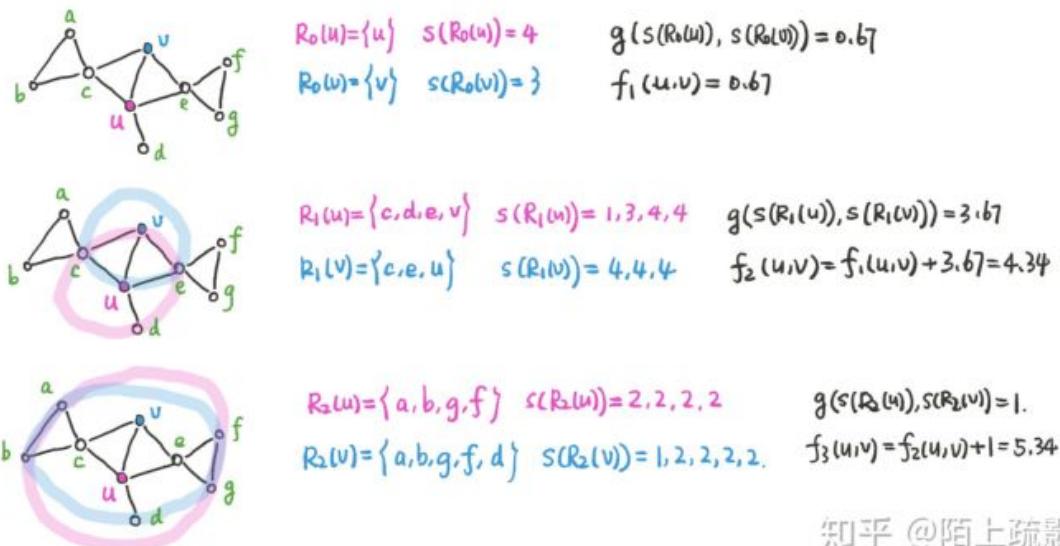
$k \geq 0$ and $|R_k(u)|, |R_k(v)| > 0$

$f_k(u, v)$ 就是距离 u, v 相距为 k 的那些节点之间的结构距离。这是一个递归定义, $f_{k-1}(u, v)$ 表示考虑 $k-1$ 跳邻域时的距离, 再加上只考虑 k 跳邻居的距离, 就形成了 k 跳邻域的距离了, 初始值 $f_{-1} = 0$ 。

$g(D_1, D_2)$ 表示两个有序的序列 D_1, D_2 的距离。 $s(R_k(u)), s(R_k(v))$ 分别表示与 u, v 距离为 k 的节点按照度大小排序后的度序列。

注意到 $f_k(u, v)$ 的计算是在 $f_{k-1}(u, v)$ 上加上一个非负的值, 因此该函数关于 k 是一个单调不降的函数。并且这个函数只有在两个节点同时存在 k 跳邻域的时候才有定义。

下面给出一个具体的例子:



知乎 @陌上疏影凉

设计思想

两节点度相同, 结构就相似, 若邻居还有相同的度, 就更相似

节点,v之间的距离

节点u,v在前k层的距离 $f_k(u, v)$ 前k-1层的距离 + k阶邻居的度序列的距离

$$f_k(u, v) = f_{k-1}(u, v) + g(s(R_k(u)), s(R_k(v))),$$

$$k \geq 0 \text{ and } |R_k(u)|, |R_k(v)| \geq 0$$

g: 节点u,v的k阶邻居节点的度序列相似度
R_k(): 节点的k阶邻居节点的度的列表; s()表示序列化
知予 @王振

- g()是DTW算法,计算两个不一致序列的相似度

相似度

距离越小,w越大

$$w_k(u, v) = e^{-f_k(u, v)}, \quad k = 0, \dots, k^*$$

指数权重归一化, 距离越大, 越不相似

归一化

$$p_k(u, v) = \frac{e^{-f_k(u, v)}}{Z_k(u)}$$

不同层之间的边权重

若u在当前层有很多相似的节点,则应该更往上一层,获得更细的信息去区分,所以 $k < k + 1$ 的权重更大

$$w(u_k, u_{k+1}) = \log(\Gamma_k(u) + e), \quad k = 0, \dots, k^* - 1$$

$$w(u_k, u_{k-1}) = 1, \quad k = 1, \dots, k^*$$

- 如果u在当前层有很多相似的节点,可能当前信息区分度不够,应该更往上一层,获得更多的信息去区分。

$$\bullet \quad \Gamma_k(u) = \sum_{v \in V} I(w_k(u, v) > \bar{w}_k)$$

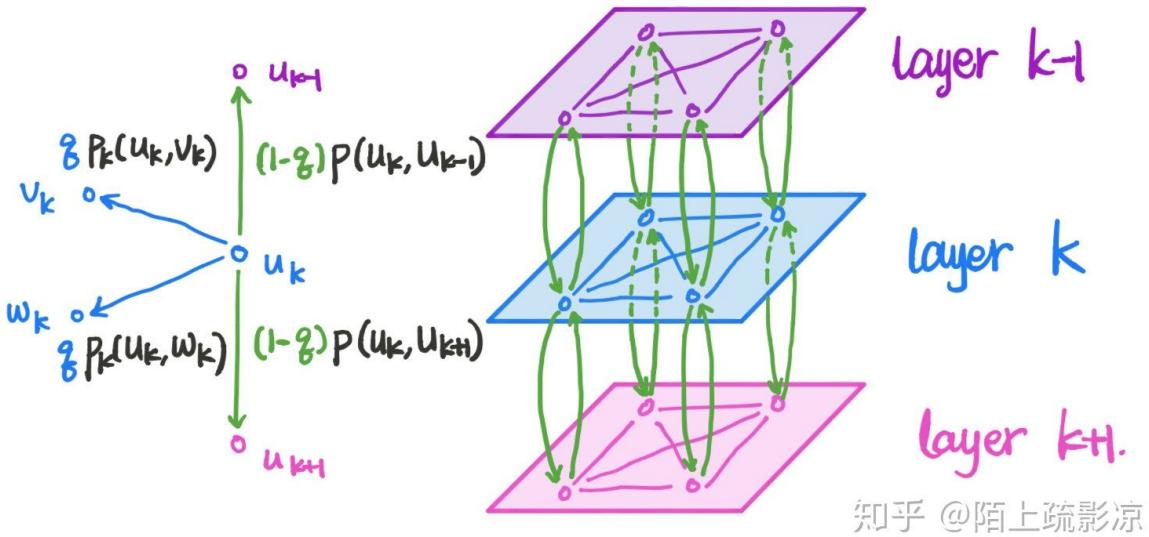
表示节点u在第k层具有相似节点的数量,相似节点的

定义为权重大于第k层平均边权的邻居

其中 $\Gamma_k(u)$ 表示第k层中,所有指向u的边中权重大于该层平均权重的数量。具体的式子:

$$\Gamma_k(u) = \sum_{v \in V} 1(w_k(u, v) > \bar{w}_k)$$

\bar{w}_k 第k层所有边权的平均值。 $\Gamma_k(u)$ 实际上表示了第k层中,有多少节点是与节点u相似的,如果u与很多节点都相似,说明此时一定处于低层次,考虑的信息太少,那么 $\Gamma_k(u)$ 将会很大,即 $w(u_k, u_{k+1}) > w(u_k, u_{k-1})$,对于这种情况,就不太适合将本层中的节点作为上下文了,应该考虑跳到更高层去找合适的上下文,所以去喜高层的权重更大。



知乎 @陌上疏影凉

归一化

$$p_k(u_k, u_{k+1}) = \frac{w(u_k, u_{k+1})}{w(u_k, u_{k+1}) + w(u_k, u_{k-1})}$$

$$p_k(u_k, u_{k-1}) = 1 - p_k(u_k, u_{k+1}) \quad \text{知乎 @王振}$$

随机游走

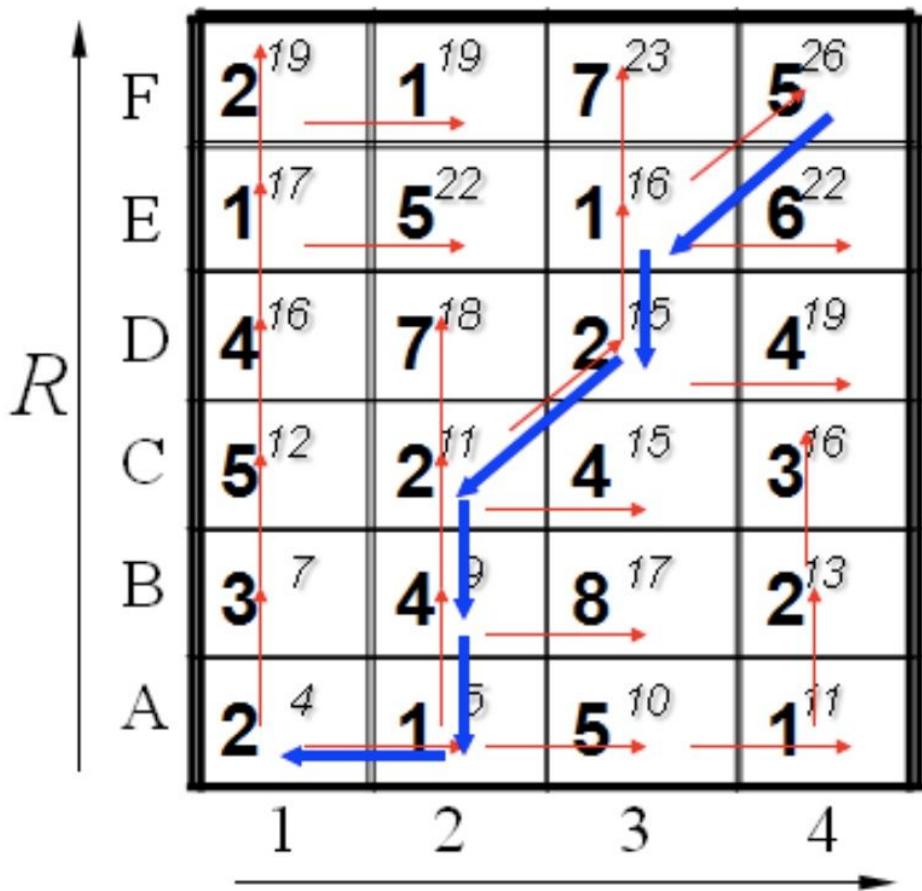
设置随机游走步数、随走游走器个数、当前层游走的概率，对每个随机游走器：

1. 从第0层开始，先某一概率q决定是在当前层游走 还是改变层。
2. 若在当前层游走，则通过权重 $P_k(u, v)$ 有偏游走。
3. 若改变层，通过中 $P_k(u_k, u_{k+1}), P_k(u_k, u_{k-1})$ 决定是往上层还是往下层
4. 将每一层上访问到的节点加到上下文中（不考虑所处层）。
5. 直至满足停止条件：达到设定的游走步数。

DTW

DTW语音处理中衡量两个长度不一致的有序序列相似度比较经典的方法，是一种动态规划的方法，规整两个序列，使长度保持一致，再计算相似度。

算法思路：是将两个序列组成矩阵网格，寻找一条通过该网格中若干个点的路径，路径通过的格点即为两个序列进行计算的对齐的点。这个条路径长度可以作为即为两个序列的相似度衡量



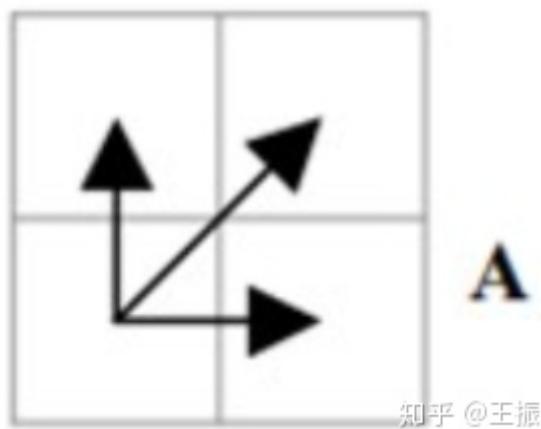
T

知乎 @王振

- X、Y轴分别为长度不一致的u、v节点k阶邻居度序列index
- 单元格大数字d(i,j): 表示两个序列index对应元素的距离 / 相似度公式:

$$d(a, b) = \frac{\max(a, b)}{\min(a, b)}$$

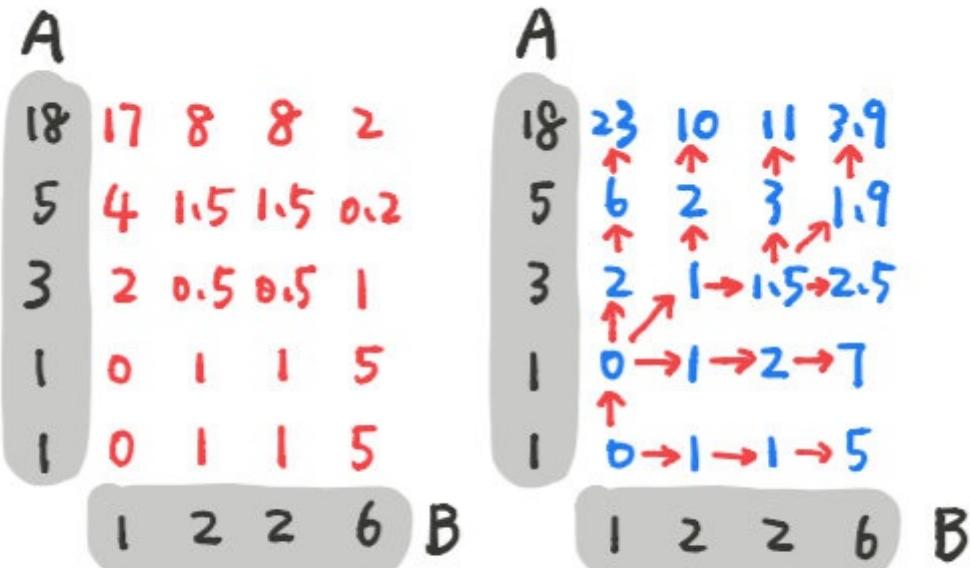
- 相比L1,L2距离，用该距离公式的优点是认为：度为100与101距离，比度各自为1与2的距离是不同的，差异更小
- 单元格小数字g(i,j)表示：每一格，若从左下角出发，最少要路径可以达到。
- 只能朝下图所示三个方向游走：



知乎 @王振

- 到 $g(i,j)$ 的最短路径长度计算

对于两个序列A、B，对任意的 $a \in A, b \in B$ 定义一个距离函数 $d(a, b)$ 表示a与b的距离，DTW想利用这样定义的距离函数找到序列A、B的最小距离。举个例子：



$$A = (1, 1, 3, 5, 18)$$

$$B = (1, 2, 2, 6).$$

知乎 @陌上疏影凉

设 $A=(1,1,3,5,8), B=(1,2,2,6)$ 是两个已经排序过的度序列，给出距离函数的定义为

$d(a, b) = \frac{\max(a, b)}{\min(a, b)} - 1$ ，那么对A、B中所有元素两两之间计算距离d，得到左图中红色的距离。接下来我们利用这个矩阵来计算序列A、B的距离。

计算用到的算法是动态规划，递推式为：

$$g(i, j) = \min \begin{cases} g(i-1, j) + d(i, j) \\ g(i-1, j-1) + 2d(i, j) \\ g(i, j-1) + d(i, j) \end{cases}$$

比如要计算 $g(3, 2)$ ，那么首先找到

$$g(2, 2) = 1, g(2, 1) = 0, g(3, 1) = 2, d(3, 2) = 0.5$$

$$g(2, 2) + d(3, 2) = 1 + 0.5 = 1.5$$

$$g(2, 1) + 2d(3, 2) = 0 + 2 \times 0.5 = 1$$

$$g(3, 1) + d(3, 2) = 2 + 0.5 = 2.5$$

因此 $g(3, 2) = \min 1.5, 1, 2.5 = 1$ ，然后我们用一个箭头标注 $g(3, 2)$ 是从 $g(2, 1)$ 计算出来的。

通过这样逐个计算，直到下标到达A、B的最大长度，则 $g(5, 4)$ 就是A、B这两个序列的距离。

观察到这样一个现象，当 $A=(1,1,3,5)$ 时，其实与B的度序列非常相似，此时计算出来两个序列的距离为1.9（上图的 $g(4, 4)$ ），而给A加了一项很大的值后，两个度序列的距离一下子就变成了3.9。

最后，为什么这么定义距离函数？看个例子，如果 $a=1$, $b=2$, 两者差值为1, $d(a, b) = 1$ ；而若 $a=100$, $b=101$, 两者差值仍然为1, 此时 $d(a, b) = 0.01$ 。这说明后者比前者距离更小，更相似。