



## 05장 히스토그램을 이용한 화소 점 처리

- 디지털 영상의 히스토그램
- 산술연산을 이용한 히스토그램에서의 이동
- 히스토그램 스트레칭
- 히스토그램 평활화
- 히스토그램 명세화

## 5장. 히스토그램을 이용한 화소 점 처리

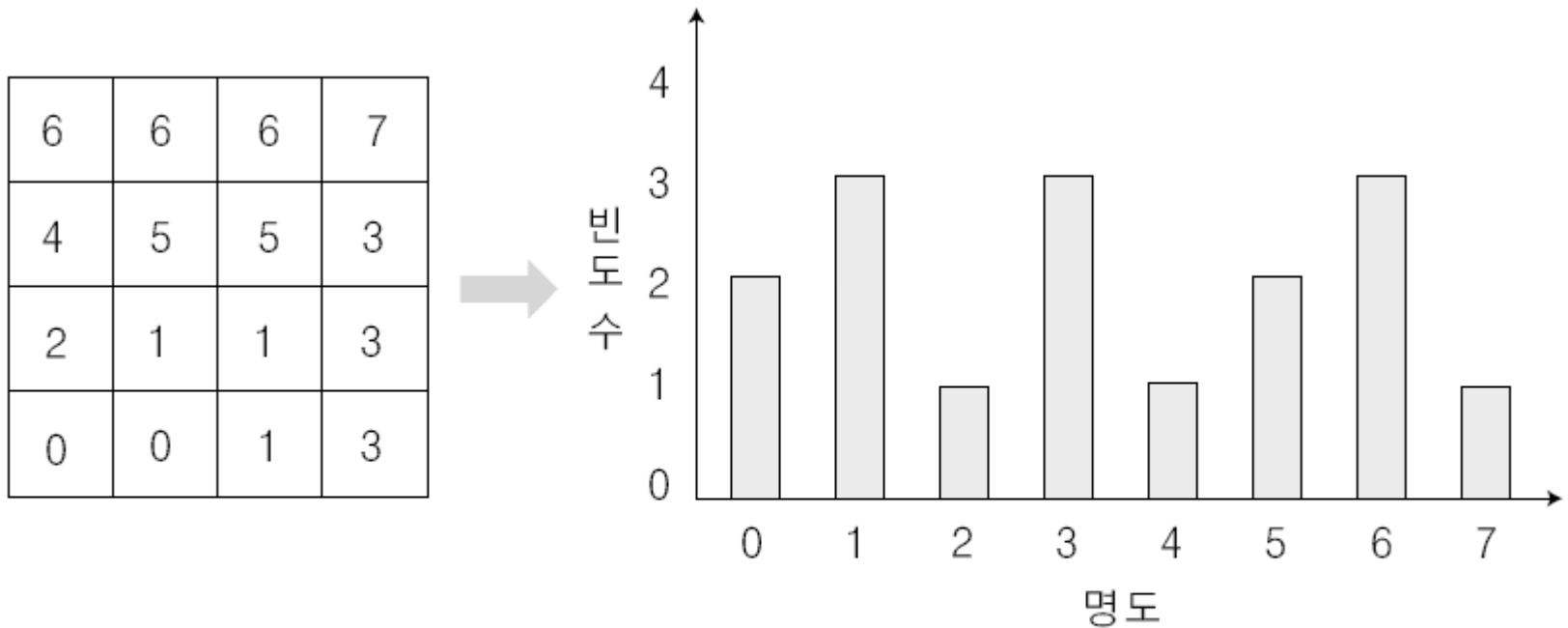
### 학습목표

- ✓ 디지털 영상의 히스토그램을 이해한다.
- ✓ 산술연산으로 히스토그램에서 명도와 명암 대비를 조정하는 방법을 이해한다.
- ✓ 히스토그램 스트레칭 기법의 원리와 효과를 학습한다.
- ✓ 히스토그램 평활화의 기본 원리를 익히고, 영상에서 보이는 효과를 알아본다.
- ✓ 히스토그램 명세화 원리를 익히고, 영상에서 보이는 효과를 알아본다.

## Section 01 디지털 영상의 히스토그램

### 👤 디지털 영상의 히스토그램

- 관찰한 데이터의 특징을 한눈에 알아볼 수 있도록 데이터를 막대그래프 모양으로 나타낸 것
- 디지털 영상에 대한 많은 정보를 제공함.

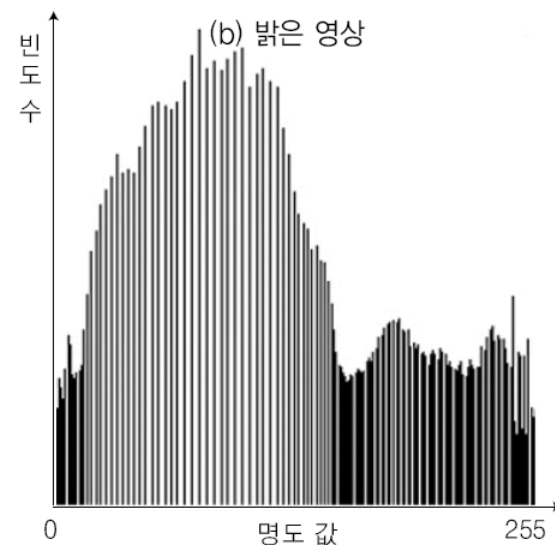
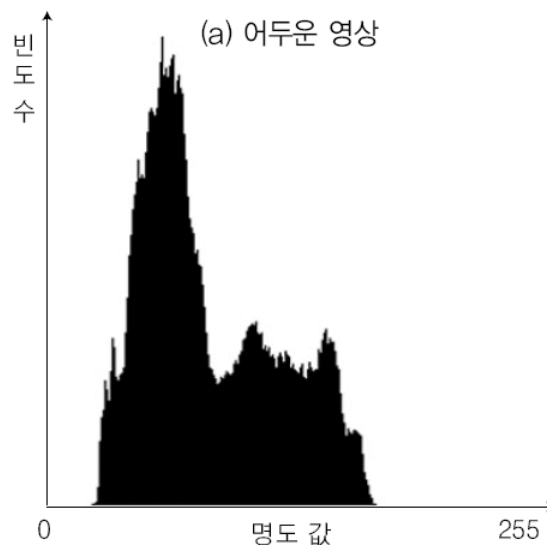
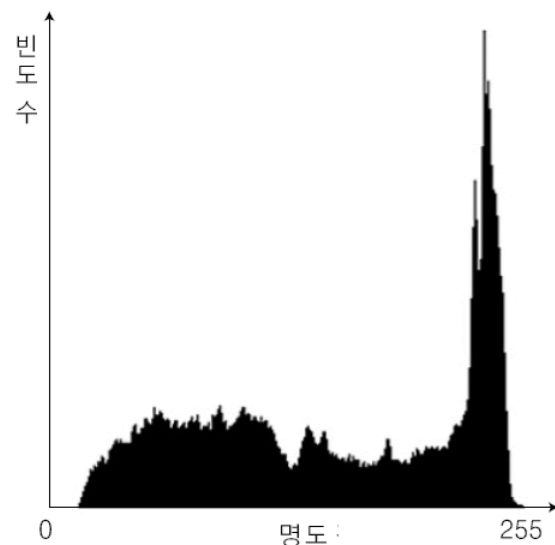
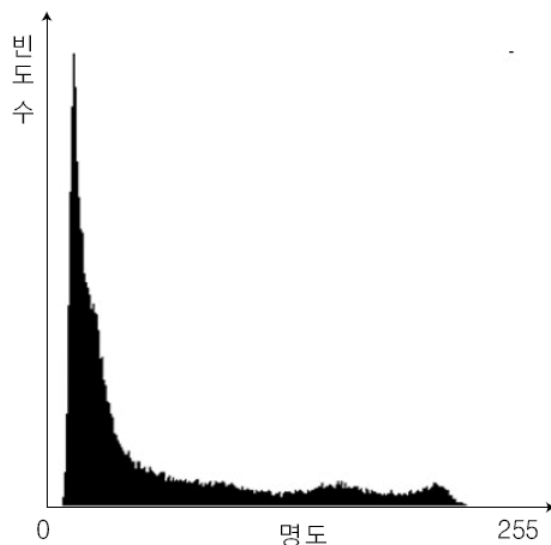


(a) 입력 영상

(b) 히스토그램

[그림 5-1] 이상적인 영상의 히스토그램

## 영상의 특성에 따른 히스토그램



(a) 어두운 영상

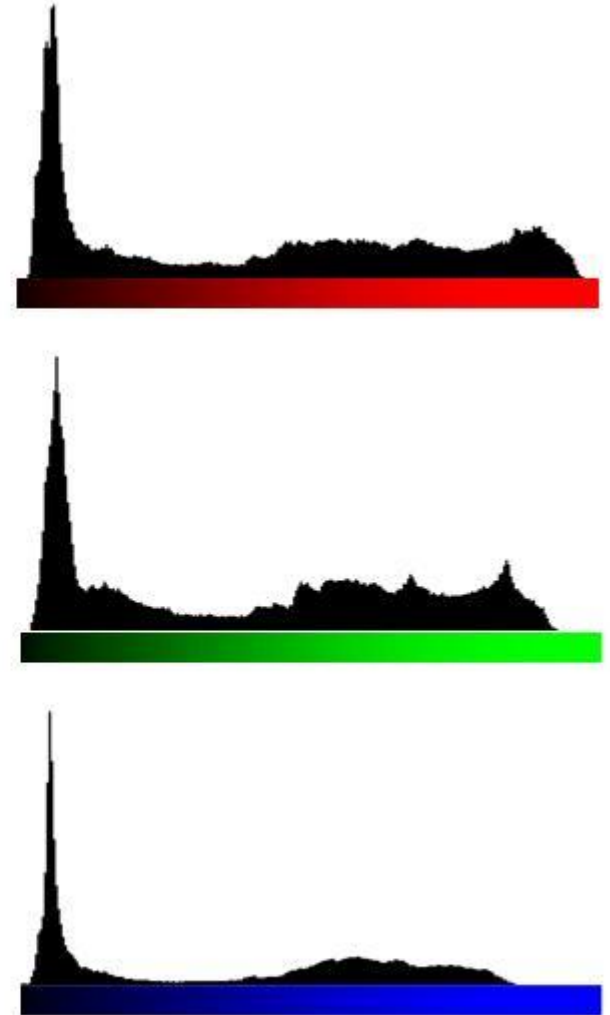
(b) 밝은 영상

(c) 명암 대비가 낮은 영상

(d) 명암 대비가 높은 영상

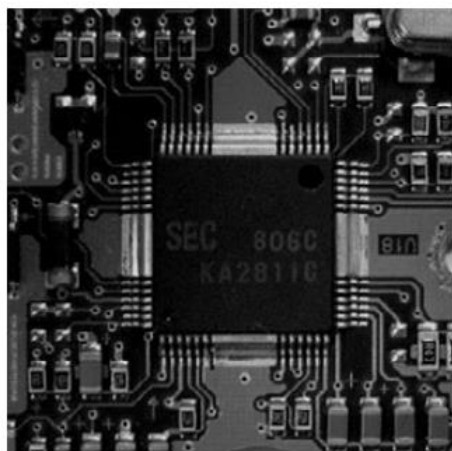
[그림 5-2] 영상의 특성에 따른 히스토그램

## RGB 컬러 영상의 히스토그램

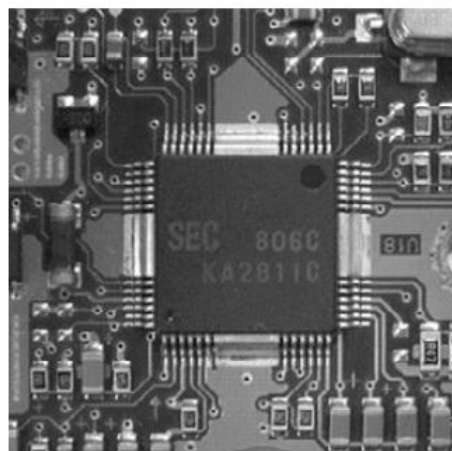


[그림 5-3] RGB 컬러 영상의 히스토그램

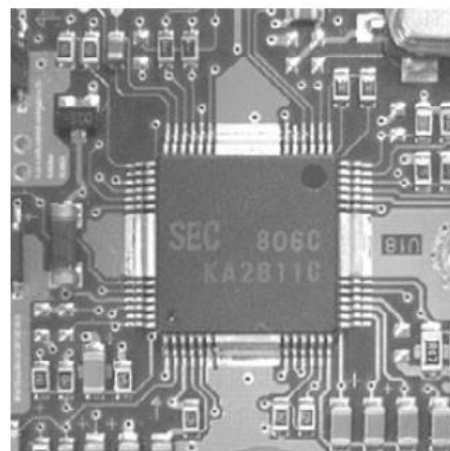
## Section 02 산술 연산을 이용한 히스토그램 이동



(a) 50을 뺀셈한 영상



(b) 원본 영상



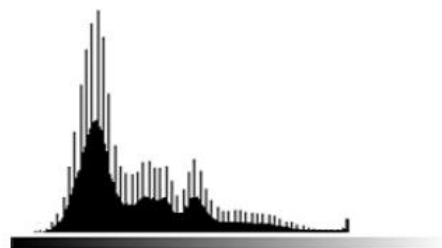
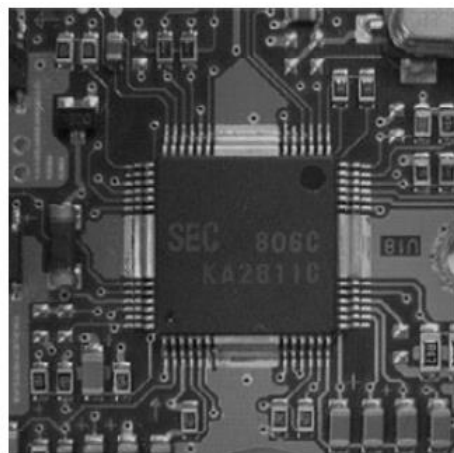
(c) 50을 덧셈한 영상

[그림 5-4] 덧셈과 뺀셈연산으로 히스토그램 이동하기

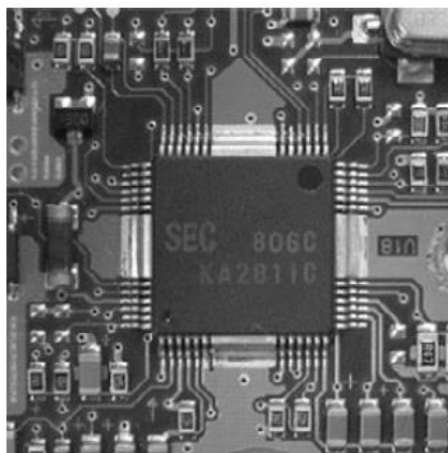
- 덧셈연산: 명도 값을 증가시켜 밝게, 히스토그램의 기둥이 오른쪽으로 이동
- 뺀셈연산: 명도 값을 감소시켜 어둡게, 히스토그램의 기둥이 왼쪽으로 이동



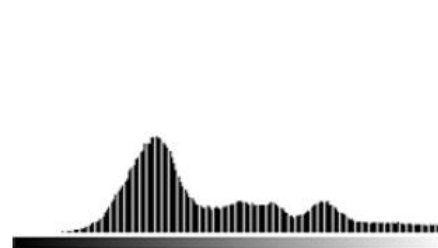
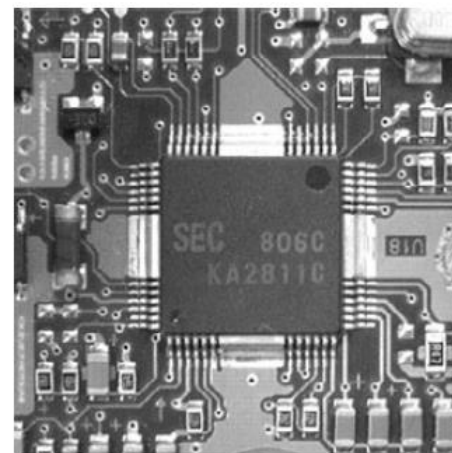
## Section 02 산술 연산을 이용한 히스토그램 이동(계속)



(a) 1.3을 나눴셈한 영상



(b) 원본 영상



(c) 1.3을 곱셈한 영상

[그림 5-5] 곱셈과 나눗셈연산으로 히스토그램 이동하기

- 곱셈연산: 명암 대비가 증가하여 히스토그램은 기둥의 분포 범위가 넓음.
- 나눗셈연산: 명암 대비가 감소하여 히스토그램의 분포 범위가 좁음.

## Section 03 히스토그램 스트레칭

### 히스토그램 스트레칭(Histogram Stretching)

- 명암 대비를 향상시키는 연산으로, 낮은 명암 대비를 보이는 영상의 화질을 향상시키는 방법
- 명암 대비 스트레칭이라고도 함.
- 히스토그램이 모든 범위의 화소 값을 포함하도록 히스토그램의 분포를 넓힘.
- 기본 명암 대비 스트레칭과 앤드-인 탐색 기법이 대표적



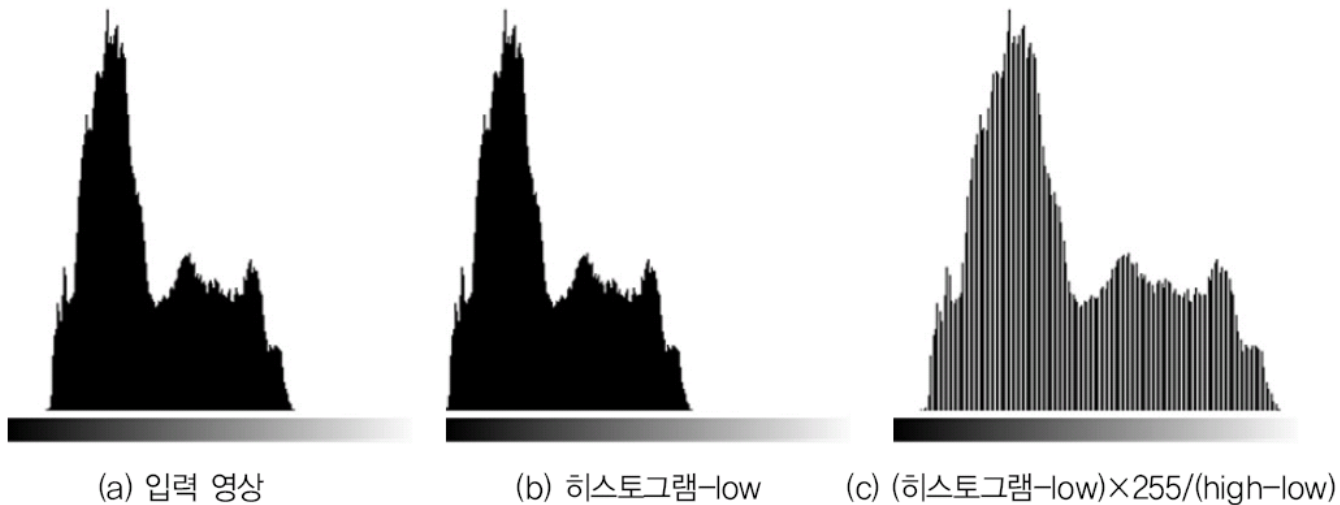
## 기본 명암 대비 스트레칭

- 👤 이상적이지 못한 히스토그램 분포 중에서 명암 대비가 낮은 디지털 영상의 품질을 향상시키는 기술
- 👤 특정 부분이나 가운데에 집중된 히스토그램을 모든 영역으로 확장시켜서 디지털 영상이 모든 범위의 화소 값을 포함하게 함
- 👤 기본 명암 대비 스트레칭 수행 공식

$$new\ pixel = \frac{old\ pixel - low}{high - low} \times 255$$

- old pixel은 원 영상 화소의 명도 값
- new pixel은 결과 영상 화소의 명도 값
- low는 히스토그램의 최저 명도 값
- high는 히스토그램의 최고 명도 값

## 기본 명암 대비 스트레칭(계속)



[그림 5-7] 기본 명암 대비 스트레칭의 수행 과정



[그림 5-8] 영상에 기본 명암 대비 스트레칭을 적용한 결과 영상

## 앤드-인 탐색

- 👤 일정한 양의 화소를 흰색이나 검정색으로 지정하여 히스토그램의 분포를 좀더 균일하게 만듦
- 👤 앤드-인 탐색 수행 공식
  - 두 개의 임계 값(*low*, *high*) 사용

$$new\ pixel = \begin{cases} 0 & old\ pixel \leq low \\ \frac{old\ pixel - low}{high - low} \times 255 & low \leq old\ pixel \leq high \\ 255 & high \leq old\ pixel \end{cases}$$



(a) 그레이 레벨 영상



(b) 앤드-인 탐색 영상

[그림 5-9] 앤드-인 탐색이 적용된 결과 영상

## [실습하기 5-1] 히스토그램 스트레칭의 프로그램

- ① ResourceView 창에서 [Menu]-[IDR\_IMAGETYPE] 더블클릭 → 메뉴 추가

ID	ID_HISTO_STRETCH
Caption	히스토그램 스트레칭

- ② [MFC ClassWizard] 대화상자를 이용해 추가된 메뉴에서 히스토그램 스트레칭을 실행하는 함수 추가

Class Name	Function Type	Function Name
View Class	void	OnHistoStretch
Doc Class	void	OnHistoStretch

- ③ Doc 클래스에 다음 프로그램 추가

## [실습하기 5-1] 히스토그램 스트레칭의 프로그램

```
void CImageProcessingDoc::OnHistoStretch()
{
    int i;
    unsigned char LOW, HIGH, MAX, MIN;

    m_Re_height = m_height;
    m_Re_width = m_width;
    m_Re_size = m_Re_height * m_Re_width;

    LOW = 0;
    HIGH = 255;

    MIN = m_InputImage[0]; // 최소값을 찾기 위한 초기값
    MAX = m_InputImage[0]; // 최대값을 찾기 위한 초기값

    // 입력 영상의 최소값 찾기
    for(i=0 ; i<m_size ; i++){
        if(m_InputImage[i] < MIN)
            MIN = m_InputImage[i];
    }

    // 입력 영상의 최대값 찾기
    for(i=0 ; i<m_size ; i++){
        if(m_InputImage[i] > MAX)
            MAX = m_InputImage[i];
    }

    m_OutputImage = new unsigned char[m_Re_size];

    // 히스토그램 stretch
    for(i=0 ; i<m_size ; i++)
        m_OutputImage[i] = (unsigned char)((m_InputImage[i] -
            MIN)*HIGH / (MAX-MIN));
}
```

## [실습하기 5-1] 히스토그램 스트래칭의 프로그램

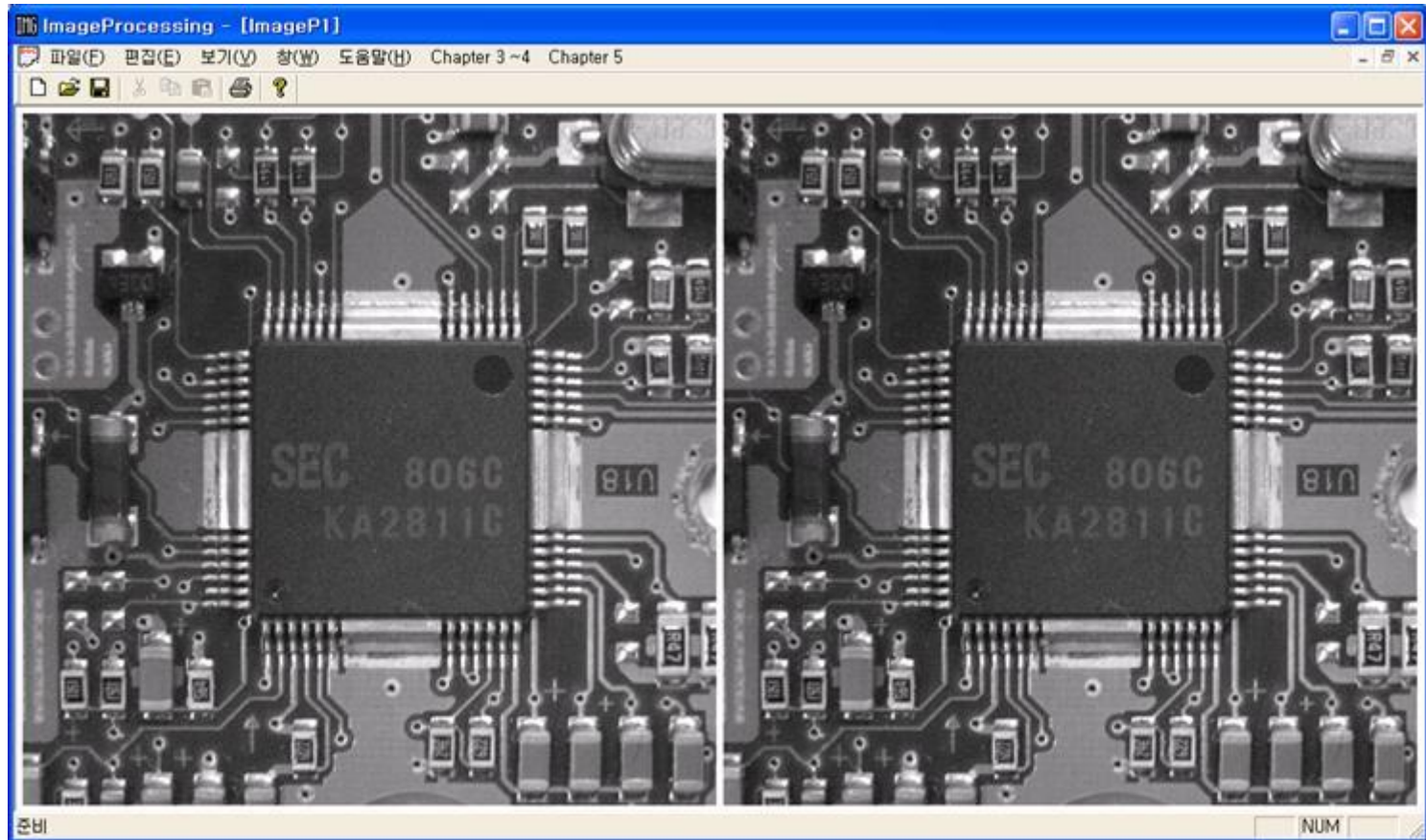
### ④ View 클래스에 다음 프로그램 추가

```
void CImageProcessingView::OnHistoStretch()  
{  
    CImageProcessingDoc* pDoc = GetDocument();  
    ASSERT_VALID(pDoc);  
  
    pDoc->OnHistoStretch();  
  
    Invalidate(TRUE);  
}
```



## [실습하기 5-1] 히스토그램 스트레칭의 프로그램

### ⑤ 프로그램 실행 결과 영상



히스토그램 스트레칭 프로그램을 구현한 결과 영상

## [실습하기 5-2] 앤드-인 탐색 프로그램

- ① **ResourceView** 창에서 [Menu]-[IDR\_IMAGETYPE] 더블클릭→ 메뉴 추가

ID	ID_END_IN_SEARCH
Caption	End-in search

- ② [MFC ClassWizard] 대화상자를 이용해 추가된 메뉴에서 앤드-인 탐색을 실행하는 함수 추가

Class Name	Function Type	Function Name
View Class	void	OnEndInSearch
Doc Class	void	OnEndInSearch

- ③ **Doc** 클래스에 다음 프로그램 추가

## [실습하기 5-2] 앤드-인 탐색 프로그램

```
void CImageProcessingDoc::OnEndInSearch()
{
    int i;
    unsigned char LOW, HIGH, MAX, MIN;

    m_Re_height = m_height;
    m_Re_width = m_width;
    m_Re_size = m_Re_height * m_Re_width;

    LOW = 0;
    HIGH = 255;

    MIN = m_InputImage[0];
    MAX = m_InputImage[0];

    for(i=0 ; i<m_size ; i++){
        if(m_InputImage[i] < MIN)
            MIN = m_InputImage[i];
    }

    for(i=0 ; i<m_size ; i++){
        if(m_InputImage[i] > MAX)
            MAX = m_InputImage[i];
    }

    m_OutputImage = new unsigned char[m_Re_size];
```

## [실습하기 5-2] 앤드-인 탐색 프로그램

```
for(i=0 ; i<m_size ; i++){  
    // 원본 영상의 최소값보다 작은 값은 0  
    if(m_InputImage[i] <= MIN){  
        m_OutputImage[i] = 0;  
    }  
  
    // 원본 영상의 최대값보다 큰 값은 255  
    else if(m_InputImage[i] >= MAX){  
        m_OutputImage[i] = 255;  
    }  
    else  
        m_OutputImage[i] = (unsigned char)((m_InputImage[i] -  
            MIN)*HIGH / (MAX-MIN));  
}  
}
```

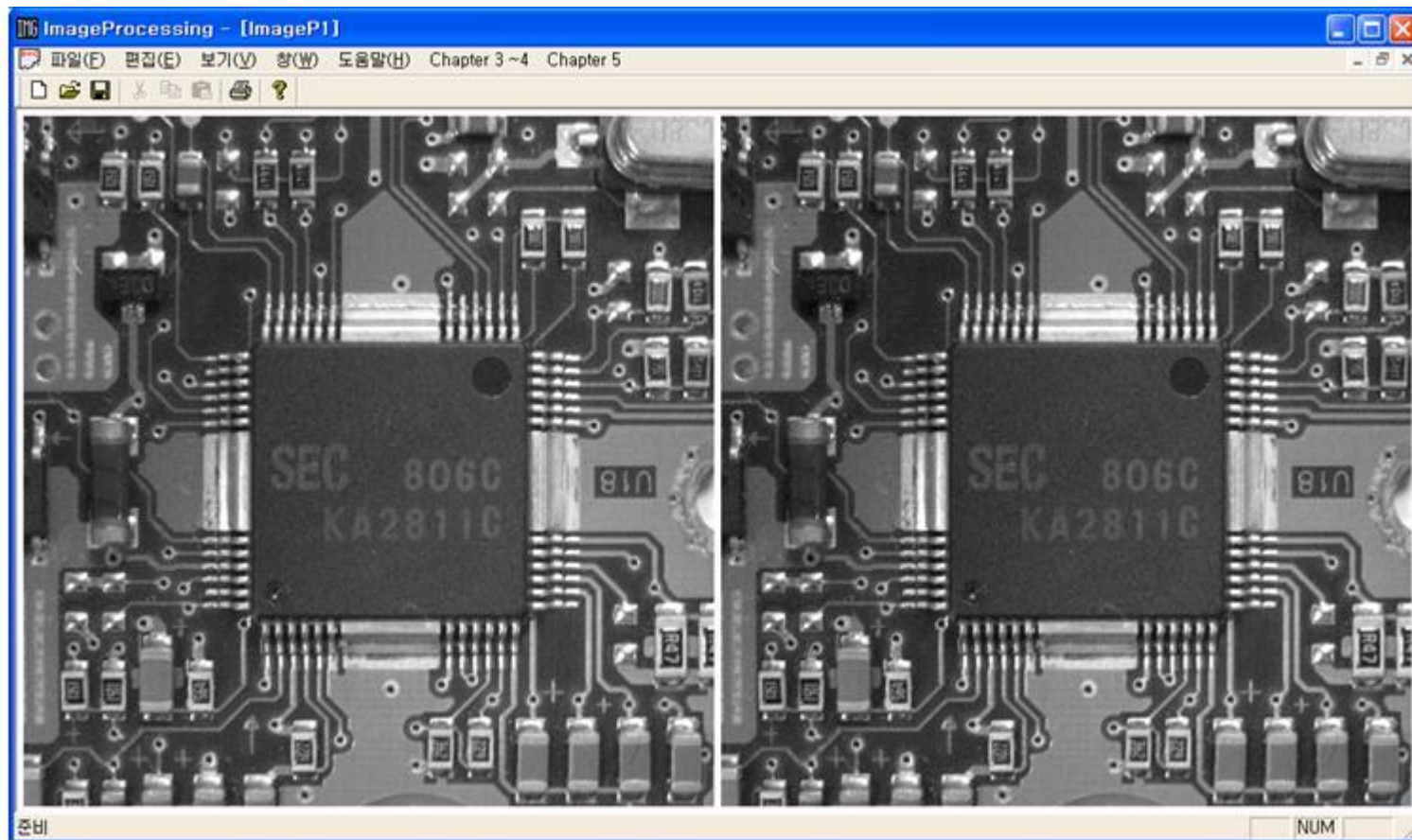
## [실습하기 5-2] 앤드-인 탐색 프로그램

### ④ View 클래스에 다음 프로그램 추가

```
void CImageProcessingView::OnEndInSearch()  
{  
    CImageProcessingDoc* pDoc = GetDocument();  
    ASSERT_VALID(pDoc);  
  
    pDoc->OnEndInSearch();  
  
    Invalidate(TRUE);  
}
```

## [실습하기 5-2] 앤드-인 탐색 프로그램

### ⑤ 프로그램 실행 결과 영상

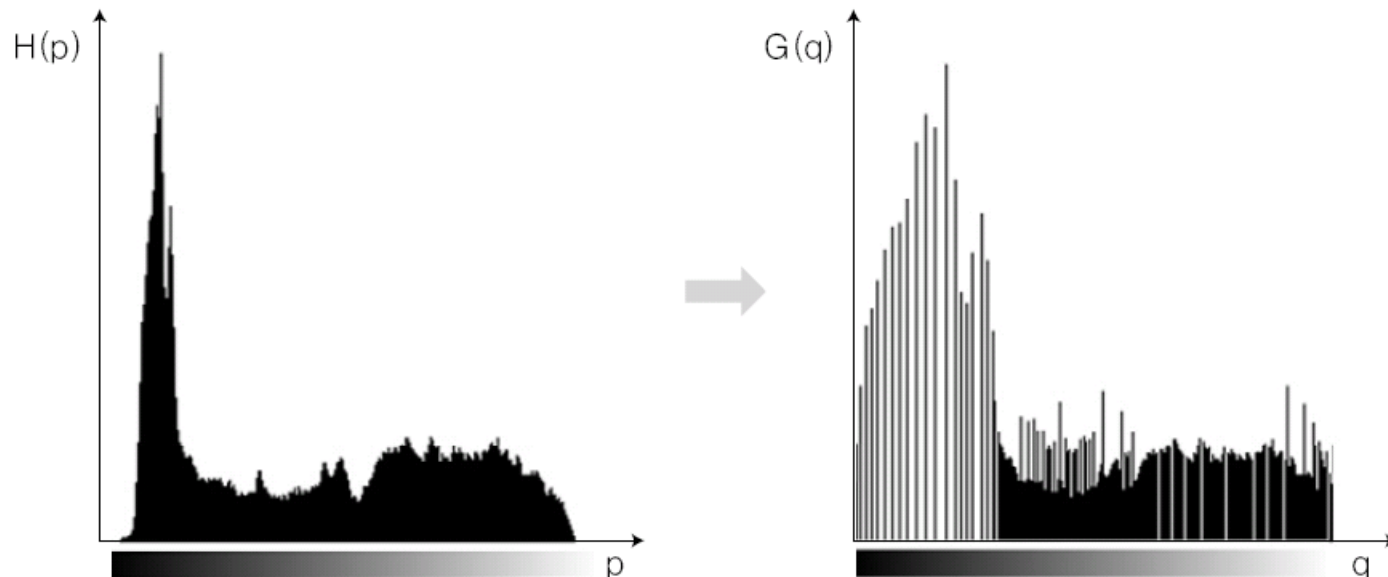


앤드-인 탐색 프로그램을 구현한 결과 영상

## Section 04. 히스토그램 평활화

### 👤 히스토그램 평활화 기법(Histogram Equalized)

- 어둡게 촬영된 영상의 히스토그램을 조절하여 명암 분포가 빈약한 영상을 균일하게 만들어 줌.
- 영상의 밝기 분포를 재분배하여 명암 대비를 최대화
- 명암 대비 조정을 자동으로 수행
- 각 명암의 빈도는 변경하지 않음.
- 검출 특성이 좋은 영상만 출력하지는 않지만 영상의 검출 특성을 증가시킴



[그림 5-10] 히스토그램 평활화를 수행한 뒤 변화된 히스토그램 모습



# 히스토그램 평활화의 3단계

## 👤 1단계

- 명암 값  $j$ 의 빈도 수  $hist[j]$ 를 계산해 입력 영상의 히스토그램 생성

## 👤 2단계

- 각 명암 값  $i$ 에서  $0 \sim i$ 까지의 누적 빈도 수(누적합)를 계산

$$sum[i] = \sum_{j=0} hist[j]$$

## 👤 3단계

- 2단계에서 구한 누적 빈도 수를 정규화(정규화 누적합)

$$n[i] = sum[i] \times \frac{1}{N} \times I_{\max}$$

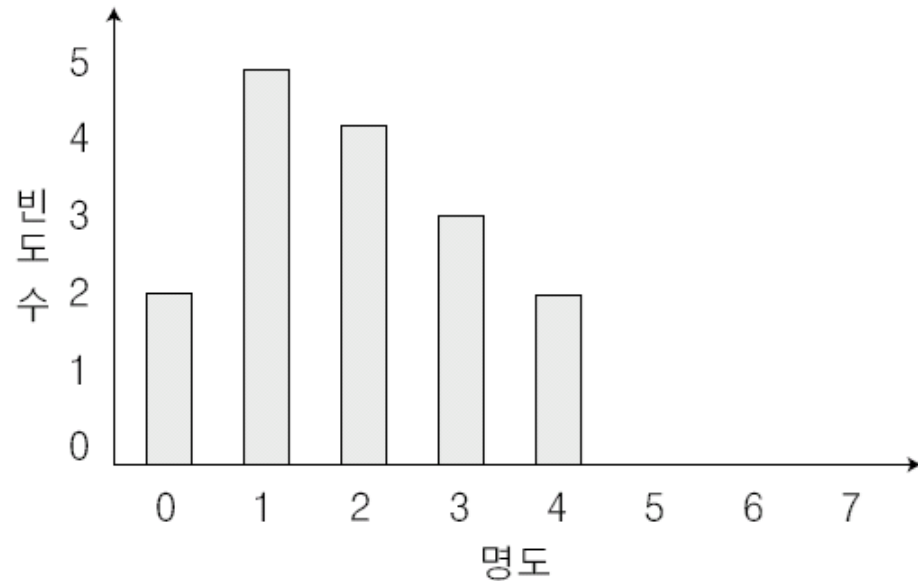
- $N$ 은 화소의 총 수,  $I_{\max}$ 는 최대 명도 값
- 3단계에서 얻은 정규화된 값  $n[i]$ 로 입력 영상의 화소 값  $i$ 를 변환하면 평활화된 결과 영상 생성

# 히스토그램 평활화\_1단계

## 👤 1단계

- 빈도 수  $\text{hist}[j]$ 에서의 히스토그램 생성

2	4	4	3
2	1	3	3
1	0	1	2
0	1	1	2



(a) 입력 영상

(b) 히스토그램

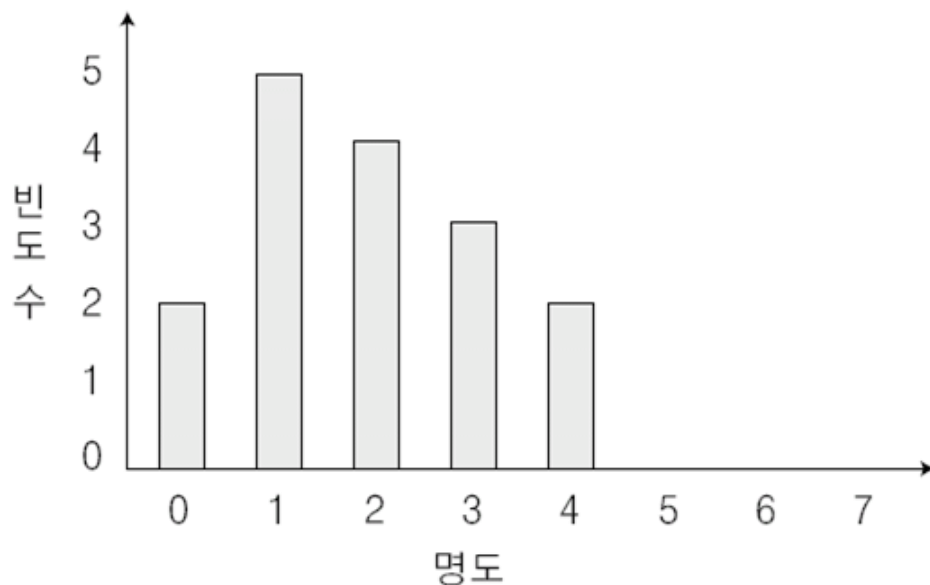
[그림 5-11] 히스토그램의 생성

- 화소의 명도 값 0은 2개, 1은 5개, 2는 4개, 3은 3개, 4는 2개
- 가장 큰 명도 값이 4이므로 전체적으로 왼쪽으로 치우침.

## 히스토그램 평활화\_2단계

### 2단계

#### ■ 누적합 $\text{sum}[i]$ 생성



(a) 히스토그램



명도	누적합
0	2
1	7
2	11
3	14
4	16
5	16
6	16
7	16

(b) 누적합

[그림 5-12] 히스토그램에서 누적합 계산

- 화소의 명도 0번까지의 누적합은 2, 1번까지는  $2+5=7$ , 2번까지는  $2+5+4=11$ , 3번까지는  $2+5+4+3=14$ , 4번까지는  $2+5+4+3+2=16$
- 나머지 명도 값은 영상에는 없으므로 누적합은 16

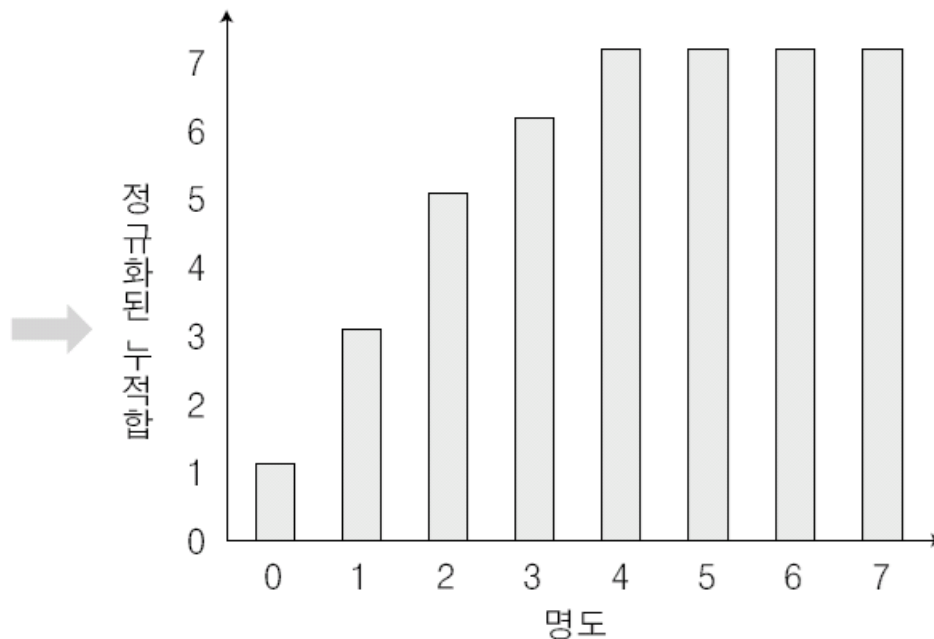
## 히스토그램 평활화\_3단계

### 3단계

■  $n[i] = \text{sum}[i] * (1/16) * 7$

명도 (i)	누적합 (sum[i])	정규화된누적합 (n[i])
0	2	0.875
1	7	3.0625
2	11	4.8125
3	14	6.125
4	16	7
5	16	7
6	16	7
7	16	7

(a) 정규화

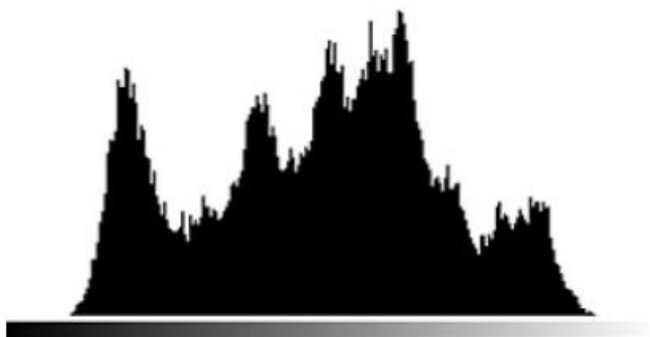


(b) 정규화된 히스토그램

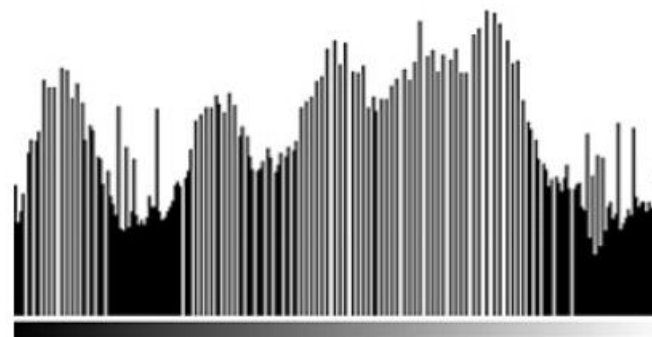
[그림 5-13] 누적합에서 정규화

- $n[0]$ 은  $2 * (1/16) * 7 = 0.875$ ,  $n[1]$ 은  $7 * (1/16) * 7 = 3.0625$
- $n[2]$ 는  $11 * (1/16) * 7 = 4.8125$ ,  $n[3]$ 은  $14 * (1/16) * 7 = 6.125$
- $n[4]$ 와  $n[5]$ ,  $n[6]$ ,  $n[7]$ 은  $16 * (1/16) * 7 = 7$

## 히스토그램 평활화를 적용한 영상



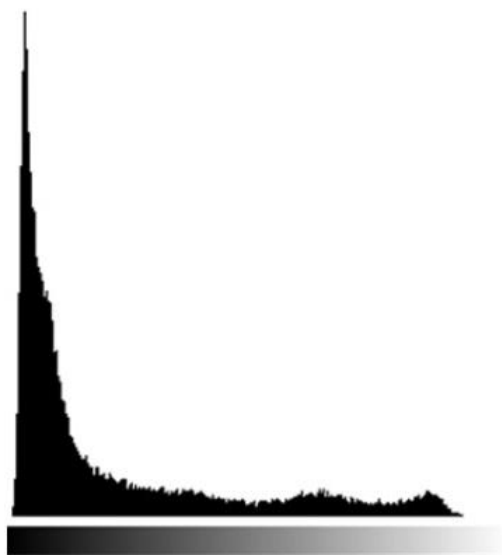
(a) 원본 영상



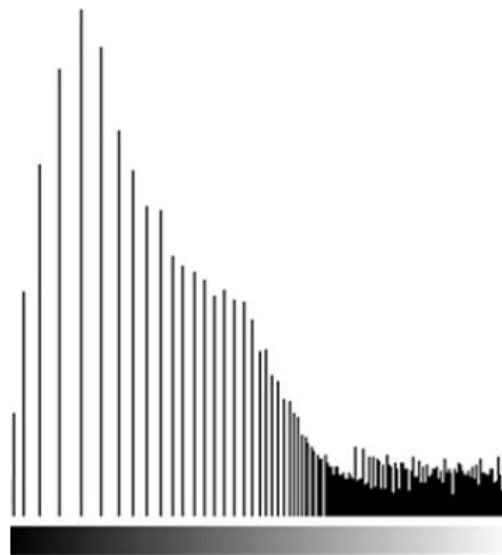
(b) 평활화 영상

[그림 5-15] 레나(Lenna) 영상의 평활화와 평활화한 영상의 히스토그램

## 히스토그램 평활화를 적용한 영상[계속]



(a) 원본 영상



(b) 평활화 영상

[그림 5-16] 명암 대비가 낮은 영상의 평활화와 평활화한 영상의 히스토그램

## [실습하기 5-3] 히스토그램 프로그램

- ① ResourceView 창에서 [Menu]-[IDR\_IMAGETYPE] 더블클릭→ 메뉴 추가

ID	ID_HISTOGRAM
Caption	히스토그램

- ② [MFC ClassWizard] 대화상자를 이용해 추가된 메뉴에서 히스토그램을 실행하는 함수 추가

Class Name	Function Type	Function Name
View Class	void	OnHistogram
Doc Class	void	OnHistogram

- ③ 히스토그램에서 사용할 전역변수를 선언. 변수를 전역으로 선언하여 히스토그램과 히스토그램 평활화에서 공유

```
double m_HIST[256];  
double m_Sum_Of_HIST[256];  
unsigned char m_Scale_HIST[256];
```



## [실습하기 5-3] 히스토그램 프로그램

```
void CImageProcessingDoc::OnHistogram()
{
    // 히스토그램의 값은 0~255
    // 히스토그램의 크기 값을 MAX=255로 정규화하여 출력
    // 히스토그램의 크기 : 256*256 지정

    int i, j, value;
    unsigned char LOW, HIGH;
    double MAX, MIN, DIF;

    m_Re_height = 256;
    m_Re_width = 256;
    m_Re_size = m_Re_height * m_Re_width;

    LOW = 0;
    HIGH = 255;

    // 초기화
    for(i=0 ; i<256 ; i++)
        m_HIST[i] = LOW;

    // 빈도 수 조사
    for(i=0 ; i<m_size ; i++){
        value = (int)m_InputImage[i];
        m_HIST[value]++;
    }

    // 정규화
    MAX = m_HIST[0];
    MIN = m_HIST[0];

    for(i=0 ; i<256 ; i++){
        if(m_HIST[i] > MAX)
            MAX = m_HIST[i];
    }

    for(i=0 ; i<256 ; i++){
        if(m_HIST[i] < MIN)
            MIN = m_HIST[i];
    }
}
```

## [실습하기 5-3] 히스토그램 프로그램

```
DIF = MAX - MIN;

// 정규화된 히스토그램
for(i=0 ; i<256 ; i++)
    m_Scale_HIST[i] = (unsigned char)((m_HIST[i] - MIN) * HIGH / DIF);

// 정규화된 히스토그램 출력
m_OutputImage = new unsigned char [m_Re_size + (256*20)];

for(i=0 ; i<m_Re_size ; i++)
    m_OutputImage[i] = 255;

// 정규화된 히스토그램의 값은 출력 배열에 검은 점(0)으로 표현
for(i=0 ; i<256 ; i++){
    for(j = 0 ; j<m_Scale_HIST[i] ; j++){
        m_OutputImage[m_Re_width*(m_Re_height-j-1) + i] = 0;
    }
}

// 히스토그램을 출력하고 그 아래 부분에 히스토그램의 색을 표시
for(i = m_Re_height ; i<m_Re_height + 5 ; i++){
    for(j=0 ; j<256 ; j++){
        m_OutputImage[m_Re_height * i + j] = 255;
    }
}

for(i = m_Re_height+5 ; i<m_Re_height + 20 ; i++){
    for(j=0 ; j<256 ; j++){
        m_OutputImage[m_Re_height * i + j] = j;
    }
}

m_Re_height = m_Re_height + 20;
m_Re_size = m_Re_height * m_Re_width;
}
```

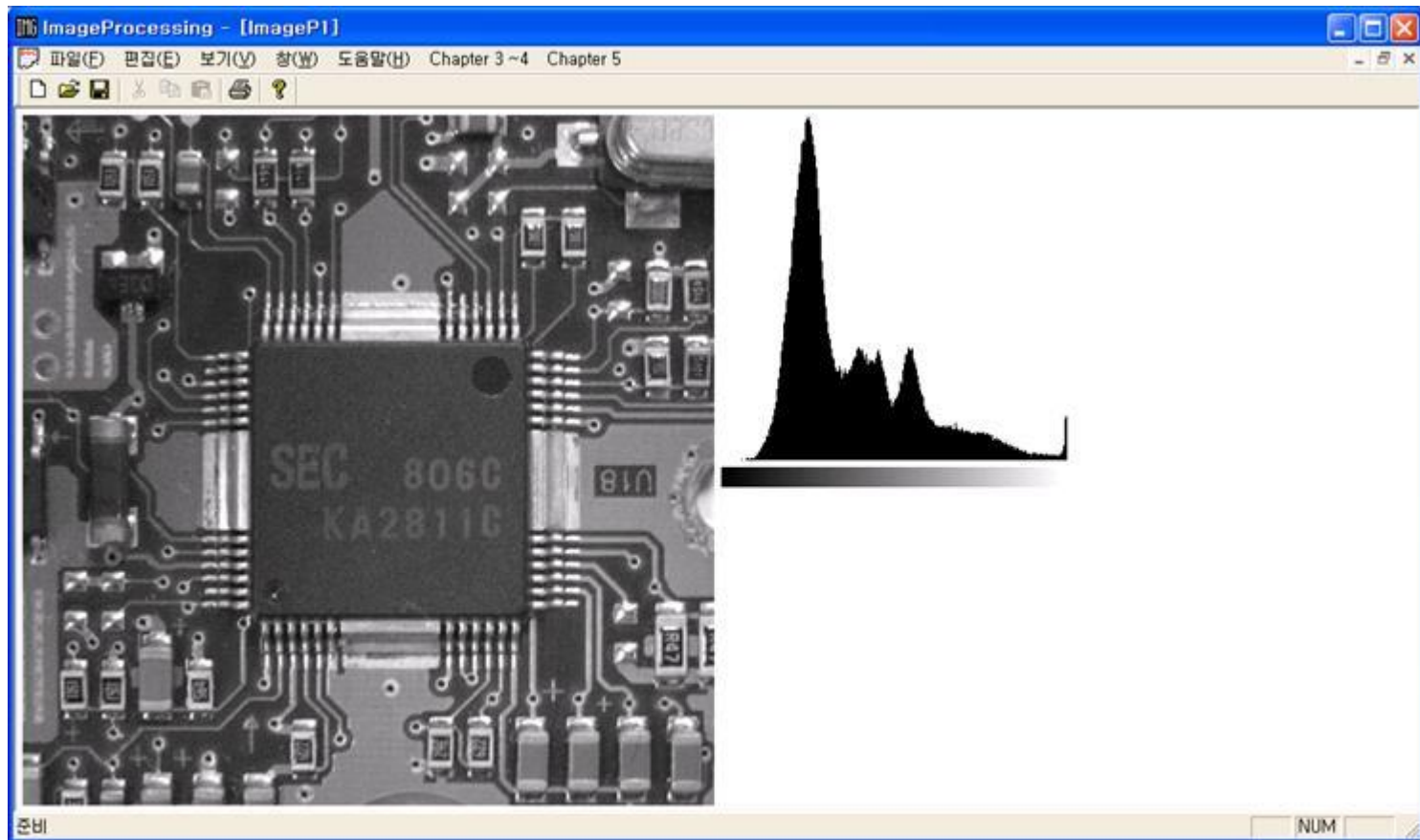
## [실습하기 5-3] 히스토그램 프로그램

### ④ View 클래스에 다음 프로그램 추가

```
void CImageProcessingView::OnHistogram()  
{  
    CImageProcessingDoc*pDoc = GetDocument();  
    ASSERT_VALID(pDoc);  
  
    pDoc->OnHistogram();  
    Invalidate(TRUE);  
}
```

## [실습하기 5-3] 히스토그램 프로그램

### ⑤ 프로그램 실행 결과 영상



히스토그램 프로그램을 구현한 결과 영상

## [실습하기 5-4] 히스토그램 평활화 프로그램

- ① **ResourceView** 창에서 [Menu]-[IDR\_IMAGETYPE] 더블클릭→ 메뉴 추가

ID	ID_HISTO_EQUAL
Caption	히스토그램 평활화

- ② [MFC ClassWizard] 대화상자를 이용해 추가된 메뉴에서 히스토그램 평활화를 실행하는 함수 추가

Class Name	Function Type	Function Name
View Class	void	OnHistoEqual
Doc Class	void	OnHistoEqual

- ③ **Doc** 클래스에 다음 프로그램 추가

## [실습하기 5-4] 히스토그램 평활화 프로그램

```
void CImageProcessingDoc::OnHistoEqual()
{
    int i, value;
    unsigned char LOW, HIGH, Temp;
    double SUM = 0.0;

    m_Re_height = m_height;
    m_Re_width = m_width;
    m_Re_size = m_Re_height * m_Re_width;

    LOW = 0;
    HIGH = 255;

    // 초기화
    for(i=0 ; i<256 ; i++)
        m_HIST[i] = LOW;

    // 빈도 수 조사
    for(i=0 ; i<m_size ; i++){
        value = (int)m_InputImage[i];
        m_HIST[value]++;
    }

    // 누적 히스토그램 생성
    for(i=0 ; i<256 ; i++){
        SUM += m_HIST[i];
        m_Sum_Of_HIST[i] = SUM;
    }

    m_OutputImage = new unsigned char[m_Re_size];

    // 입력 영상을 평활화된 영상으로 출력
    for(i=0 ; i<m_size ; i++){
        Temp = m_InputImage[i];
        m_OutputImage[i] = (unsigned char) (m_Sum_Of_HIST[Temp]*HIGH/m_size);
    }
}
```

## [실습하기 5-4] 히스토그램 평활화 프로그램

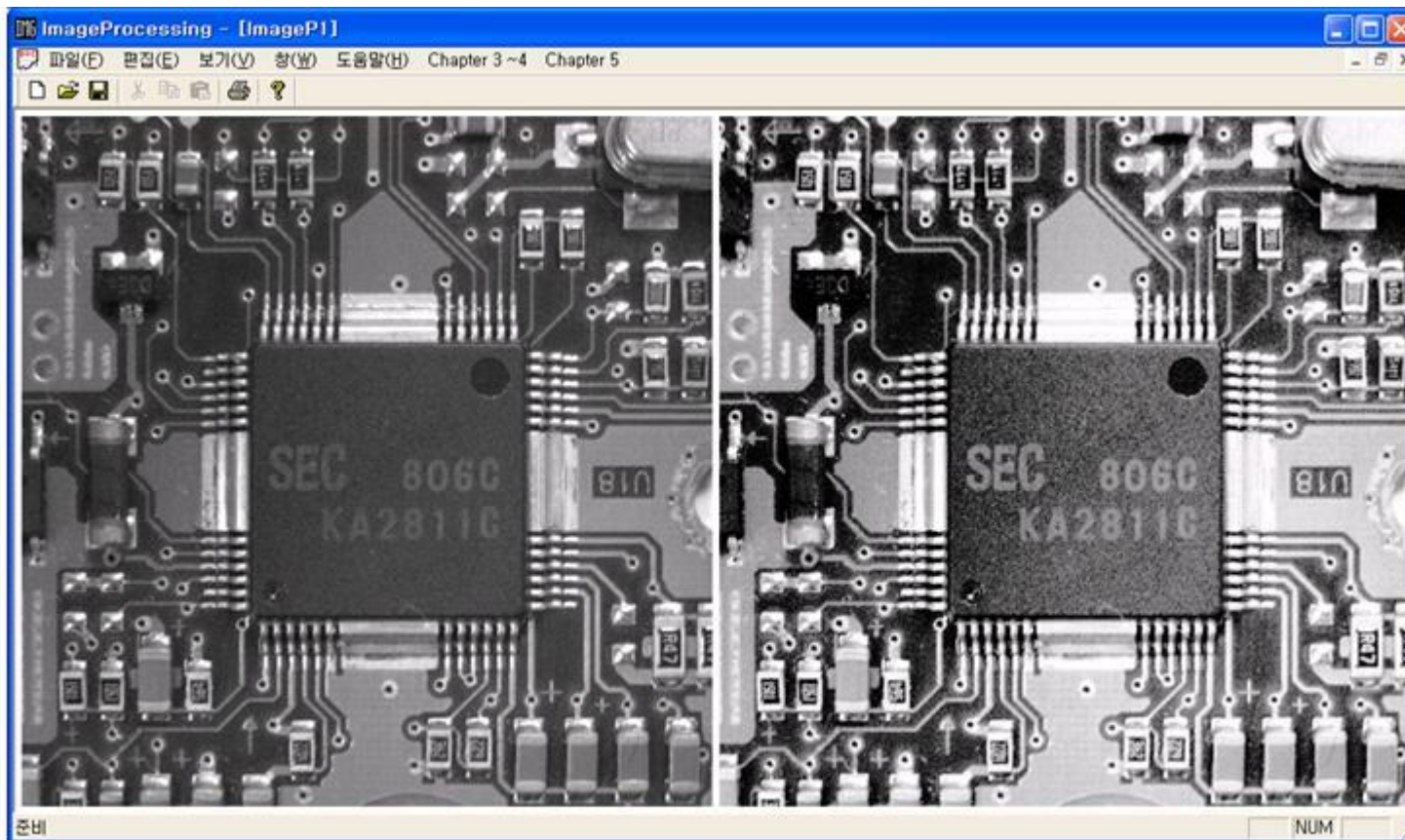
### ④ View 클래스에 다음 프로그램 추가

```
void CImageProcessingView::OnHistoEqual()  
{  
    CImageProcessingDoc* pDoc = GetDocument();  
    ASSERT_VALID(pDoc);  
  
    pDoc->OnHistoEqual();  
  
    Invalidate(TRUE);  
}
```



## [실습하기 5-4] 히스토그램 평활화 프로그램

### ⑤ 프로그램 실행 결과 영상



히스토그램 평활화 프로그램을 구현한 결과 영상

## Section 05 히스토그램 명세화

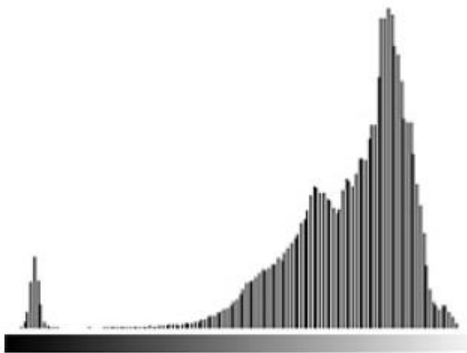
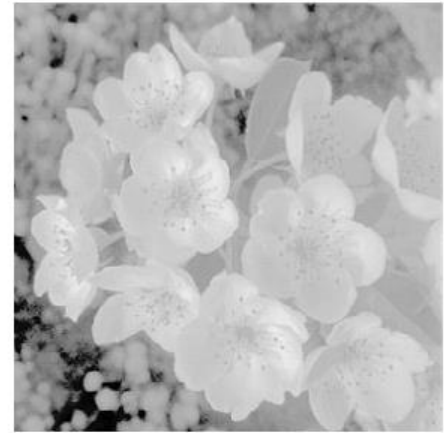
### 히스토그램 명세화(Histogram Specification)

- 특정 모양의 히스토그램을 생성된 디지털 영상의 히스토그램에 포함하여 영상의 일부 영역의 명암 대비(콘트라스트)를 개선할 수 있는데, 이런 영상 처리 기법
- 입력 영상의 히스토그램을 원하는 히스토그램으로 변환한다고 해서 히스토그램 정합(Histogram Matching) 기법
- 명암 대비를 개선하는 것은 히스토그램 평활화와 같지만 특정 부분을 향상시키려고 원하는 히스토그램을 이용한 정합으로 일부 영역에서만 명암 대비를 개선한다는 점이 다름.
- 기본적으로 입력 영상을 원하는 히스토그램으로 평활화하고 역 히스토그램 평활화 수행 → 룩업테이블(lookup table)을 생성하고 평활화된 원 영상을 역 변환하여 원하는 히스토그램을 얻음.

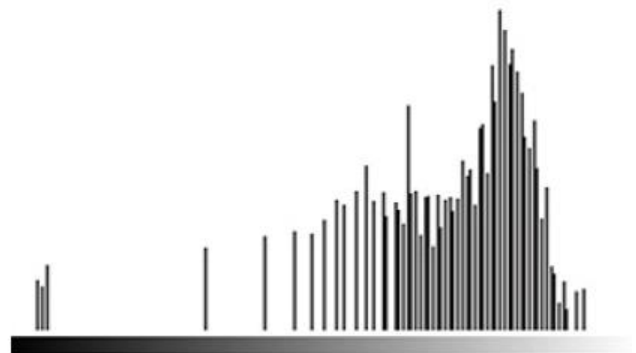
## 히스토그램 명세화 개념



(a) 원본 영상과 히스토그램



(b) 원하는 히스토그램



(c) 명세화된 영상과 히스토그램

[그림 5-17] 히스토그램의 명세화 개념

# 히스토그램 명세화 과정

## 1단계

- 입력 디지털 영상의 히스토그램 생성

## 2단계

- 입력 디지털 영상의 히스토그램을 평활화하려고 정규화된 누적 빈도 수의 함수를 구한 뒤 다음 변환식을 얻음.

$$q = T(P)$$

- P는 원 영상의 화소 값, q는 평활화 값
- 변환식을 바탕으로 평활화를 수행하여 균일 분포된 히스토그램을 얻음.

## 3단계

- 원하는 히스토그램의 정규화된 누적 빈도 수 함수를 구하고, 역변환 함수가 있는 변환식을 구한 뒤 평활화 수행

$$v = G(Z)$$

- Z는 원하는 히스토그램의 명도 값, v는 평활화 값

## 히스토그램 명세화 과정[계속]

### 👤 4단계

- 평활화된 원하는 히스토그램을 역평활화하여 역변환 함수를 구함. 여기서 역변환 함수는 실제 룩업테이블이 됨

$$Z = G^{-1}(v)$$

### 👤 5단계

- 4단계에서 구한 역변환 함수를 이용하여 평활화된 원 영상의 히스토그램을 원하는 히스토그램이 있는 영상으로 만듦.

$$Z = G^{-1}(v) \Rightarrow Z = G^{-1}(q) = G^{-1}[T(P)]$$

- 👤 최초의 입력 영상은 원하는 히스토그램이 아니지만 평활화되어 균일하게 분포. 따라서 역변환 함수는 평활화되어 균일하게 분포된 입력 영상도 원하는 히스토그램으로 만들어 줌.

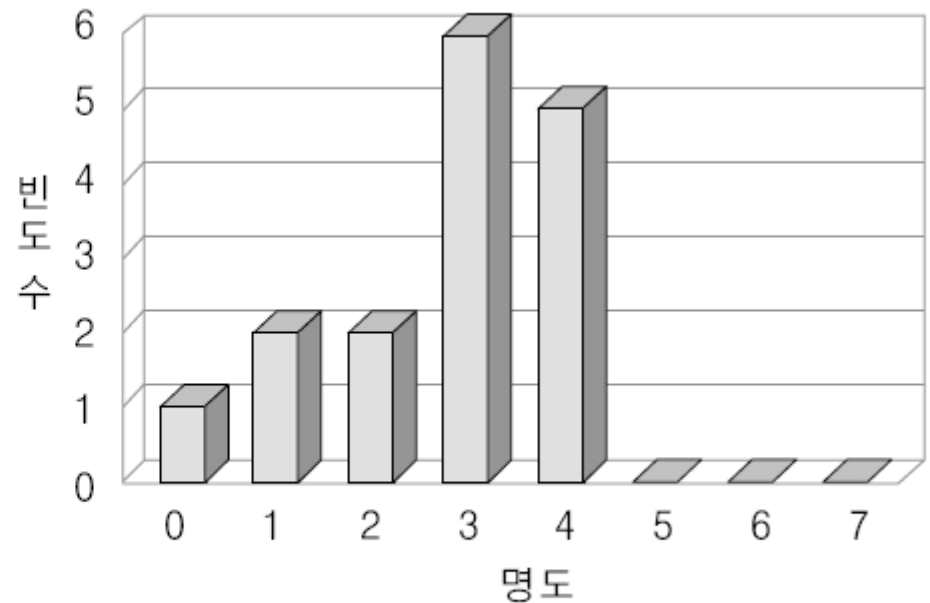
# 히스토그램 명세화\_1단계

## 👤 1 단계

### ■ 히스토그램 생성

4	4	3	3
4	4	3	3
4	1	2	3
0	1	2	3

명도	빈도 수
0	1
1	2
2	2
3	6
4	5
5	0
6	0
7	0



[그림 5-18] 입력 영상에서 화소의 명도 값, 빈도 수, 히스토그램

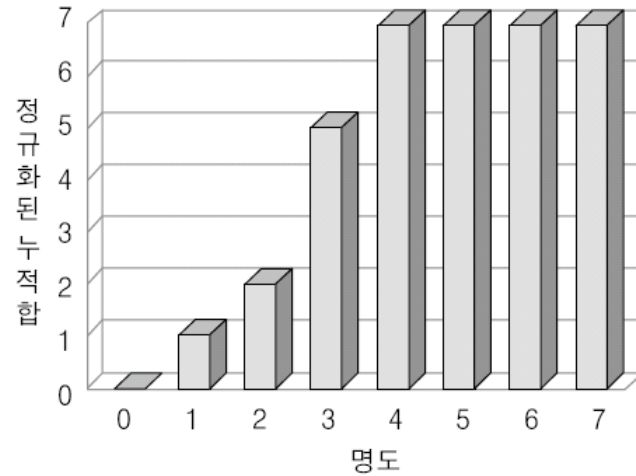
# 히스토그램 명세화\_2단계

## 2 단계

### 입력 영상의 평활화

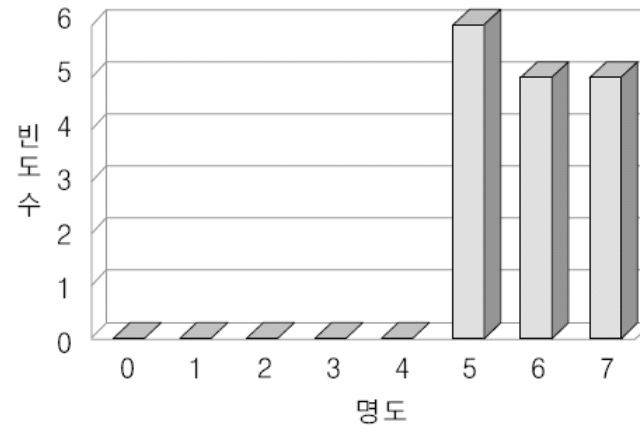
7	7	5	5
7	7	5	5
7	1	2	5
0	1	2	5

명도	누적합	정규화된 누적합
0	1	0.43
1	3	1.31
2	5	2.18
3	11	4.81
4	16	7
5	16	7
6	16	7
7	16	7



[그림 5-19] 입력 영상의 평활화

명도	빈도 수
0	0
1	0
2	0
3	0
4	0
5	6
6	5
7	5



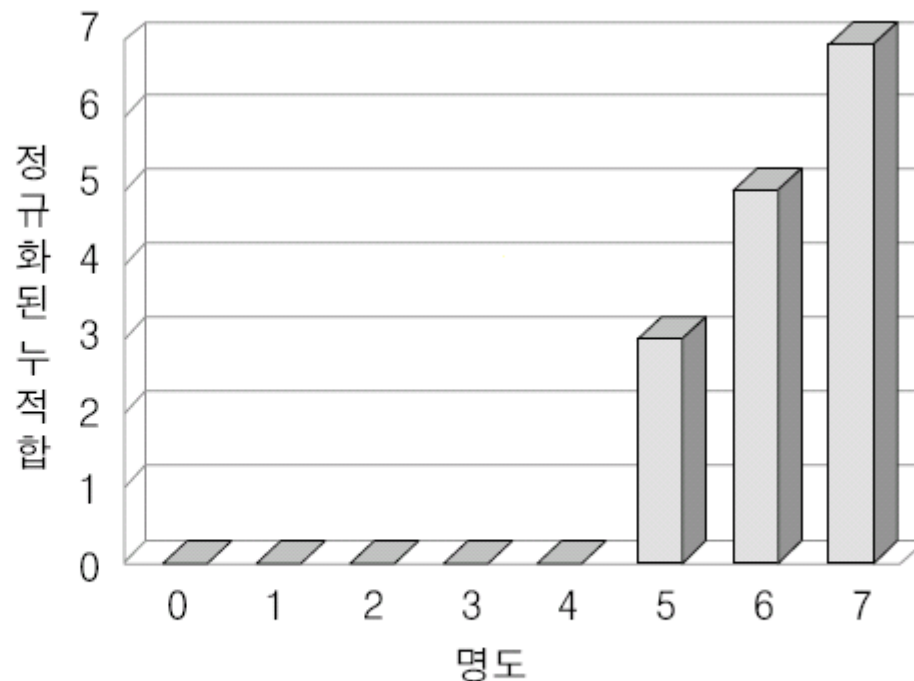
[그림 5-20] 원하는 히스토그램

## 히스토그램 명세화\_3단계

### 3 단계

- 원하는 히스토그램을 평활화하여 분포가 균일한 히스토그램을 만듦.

명도	누적합	정규화된 누적합
0	0	0
1	0	0
2	0	0
3	0	0
4	0	0
5	6	2.6
6	11	4.8
7	16	7.0



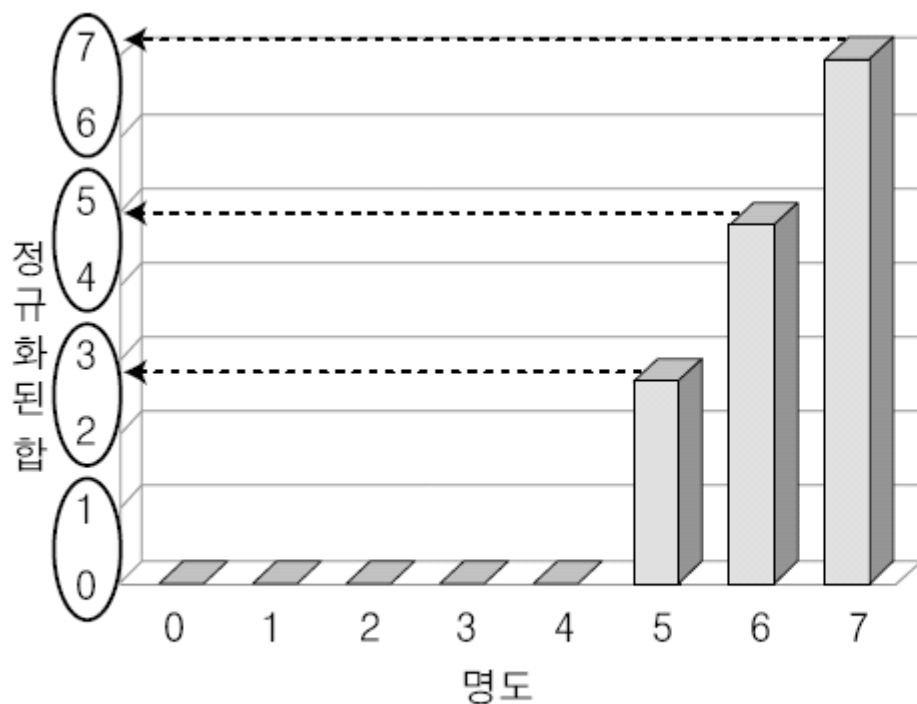
[그림 5-21] 원하는 히스토그램의 평활화



# 히스토그램 명세화\_4단계

## 4 단계

- 평활화된 히스토그램을 역 평활화하는 과정
- 평활화와 반대로 정규화된 누적합이 명도 값이 되고, 명도 값은 역 평활화 값이 됨. 역 평활화 값이 역함수로서 룩업테이블로 사용됨.



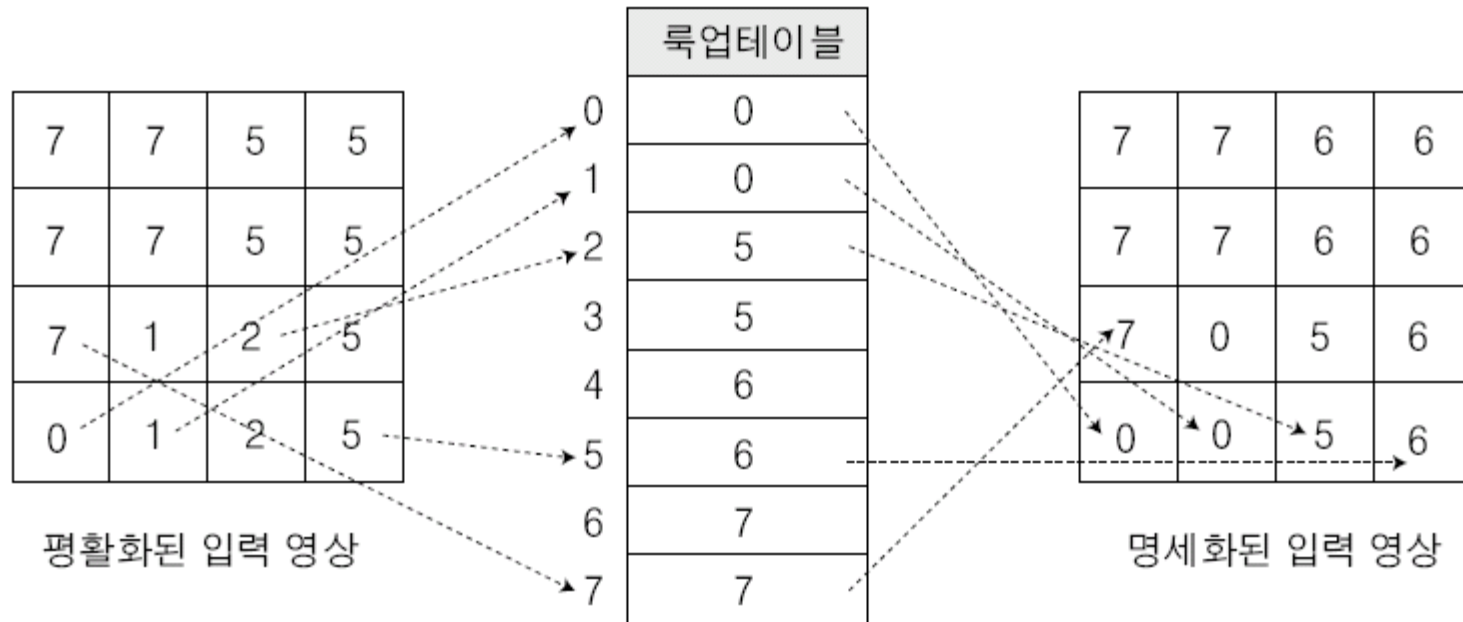
명도	누적합	평활화	역평활화
0	0	0	0
1	0	0	0
2	0	0	5
3	0	0	5
4	0	0	6
5	6	2.6	6
6	11	4.8	7
7	16	7.0	7

[그림 5-22] 원하는 히스토그램의 역평활화

## 히스토그램 명세화\_5단계

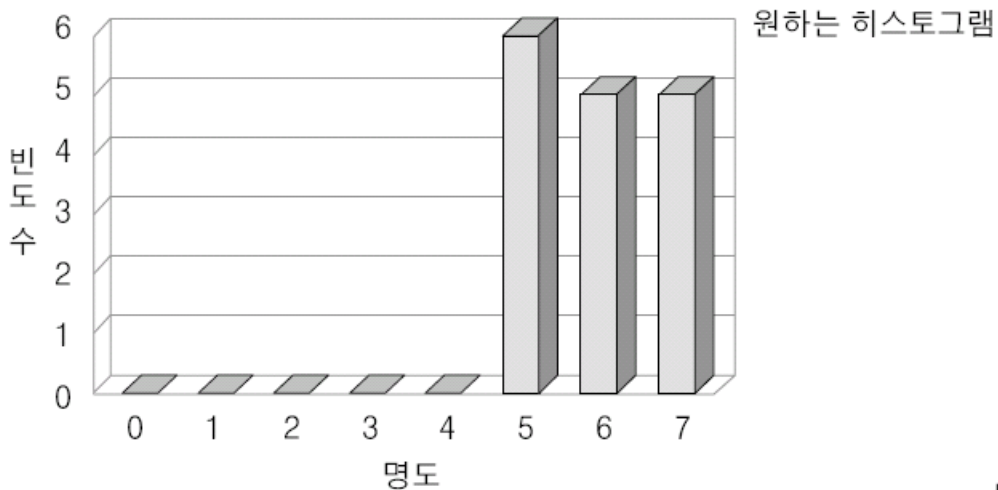
### 👤 5 단계

- 역변환 함수를 이용해 입력 영상을 원하는 히스토그램으로 만들어 줌.



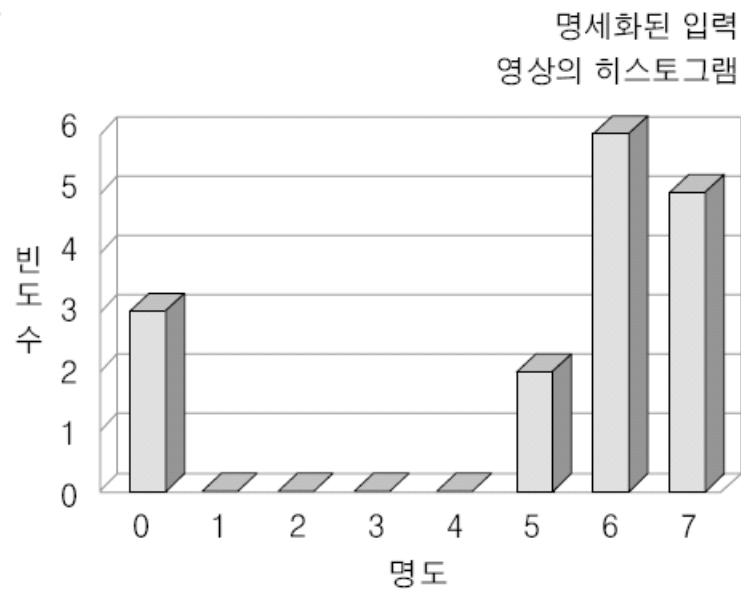
[그림 5-23] 룩업테이블을 이용한 명세화된 영상 생성

## 히스토그램 명세화\_5단계(계속)



7	7	6	6
7	7	6	6
7	0	5	6
0	0	5	6

명세화된 입력 영상



[그림 5-24] 원하는 히스토그램과 명세화된 영상의 히스토그램 비교

## [실습하기 5-5] 히스토그램 명세화 프로그램

- ① **ResourceView** 창에서 [Menu]-[IDR\_IMAGETYPE] 더블클릭→ 메뉴 추가

ID	ID_HISTO_SPEC
Caption	히스토그램 명세화

- ② [MFC ClassWizard] 대화상자를 이용해 추가된 메뉴에서 히스토그램 명세화를 실행하는 함수 추가

Class Name	Function Type	Function Name
View Class	void	OnHistoSpec
Doc Class	void	OnHistoSpec

- ③ **Doc** 클래스에 다음 프로그램 추가

## [실습하기 5-5] 히스토그램 명세화 프로그램

```
void CImageProcessingDoc::OnHistoSpec()
{
    int i, value, Dvalue, top, bottom, DADD;
    unsigned char *m_DTEMP, m_Sum_Of_ScHIST[256], m_TABLE[256];
    unsigned char LOW, HIGH, Temp, *m_Org_Temp;
    double m_DHIST[256], m_Sum_Of_DHIST[256], SUM = 0.0, DSUM = 0.0;
    double DMAX, DMIN;

    top = 255;
    bottom = top - 1;

    m_Re_height = m_height;
    m_Re_width = m_width;
    m_Re_size = m_Re_height * m_Re_width;

    m_OutputImage = new unsigned char [m_Re_size];
    m_Org_Temp = new unsigned char [m_size];

    CFile File;
    CFileDialog OpenDlg(TRUE);
```

## [실습하기 5-5] 히스토그램 명세화 프로그램

```
// 원하는 히스토그램이 있는 영상을 입력받음
if(OpenDlg.DoModal() == IDOK){
    File.Open(OpenDlg.GetFileName(), CFile::modeRead);

    if(File.GetLength() == (unsigned)m_size){
        m_DTEMP = new unsigned char[m_size];
        File.Read(m_DTEMP, m_size);
        File.Close();
    }
    else{
        AfxMessageBox("Image size not matched");
        // 같은 크기의 영상을 대상으로 함
        return;
    }
}

LOW = 0;
HIGH = 255;

// 초기화
for(i=0 ; i<256 ; i++){
    m_HIST[i] = LOW;
    m_DHIST[i] = LOW;
    m_TABLE[i] = LOW;
}
```

## [실습하기 5-5] 히스토그램 명세화 프로그램

```
// 빈도 수 조사
for(i=0 ; i<m_size ; i++){
    value = (int)m_InputImage[i];
    m_HIST[value]++;
    Dvalue = (int)m_DTEMP[i];
    m_DHIST[Dvalue]++;
}

// 누적 히스토그램 조사
for(i=0 ; i<256 ; i++){
    SUM += m_HIST[i];
    m_Sum_Of_HIST[i] = SUM;
    DSUM += m_DHIST[i];
    m_Sum_Of_DHIST[i] = DSUM;
}

// 원본 영상의 평활화
for(i=0 ; i<m_size ; i++){
    Temp = m_InputImage[i];
    m_Org_Temp[i]=(unsigned char) (m_Sum_Of_HIST[Temp]*HIGH/m_size);
}

// 누적 히스토그램에서 최소값과 최대값 지정
DMIN = m_Sum_Of_DHIST[0];
DMAX = m_Sum_Of_DHIST[255];
```

## [실습하기 5-5] 히스토그램 명세화 프로그램

```
// 원하는 영상을 평활화
for(i=0 ; i<256 ; i++){
    m_Sum_Of_ScHIST[i]=(unsigned char)((m_Sum_Of_DHIST[i]
    -DMIN)*HIGH/(DMAX - DMIN));
}
```

```
// 룩업테이블을 이용한 명세화
for( ; ; ){
    for(i=m_Sum_Of_ScHIST[bottom] ;
    i <= m_Sum_Of_ScHIST [top] ; i++){
        m_TABLE[i] = top;
    }
    top = bottom;
    bottom = bottom - 1;
```

```
if(bottom < -1)
break;
}
```

```
for(i=0 ; i<m_size ; i++){
    DADD = (int)m_Org_Temp[i];
    m_OutputImage[i] = m_TABLE[DADD];
}
```

```
}
```



## [실습하기 5-5] 히스토그램 명세화 프로그램

### ④ View 클래스에 다음 프로그램 추가

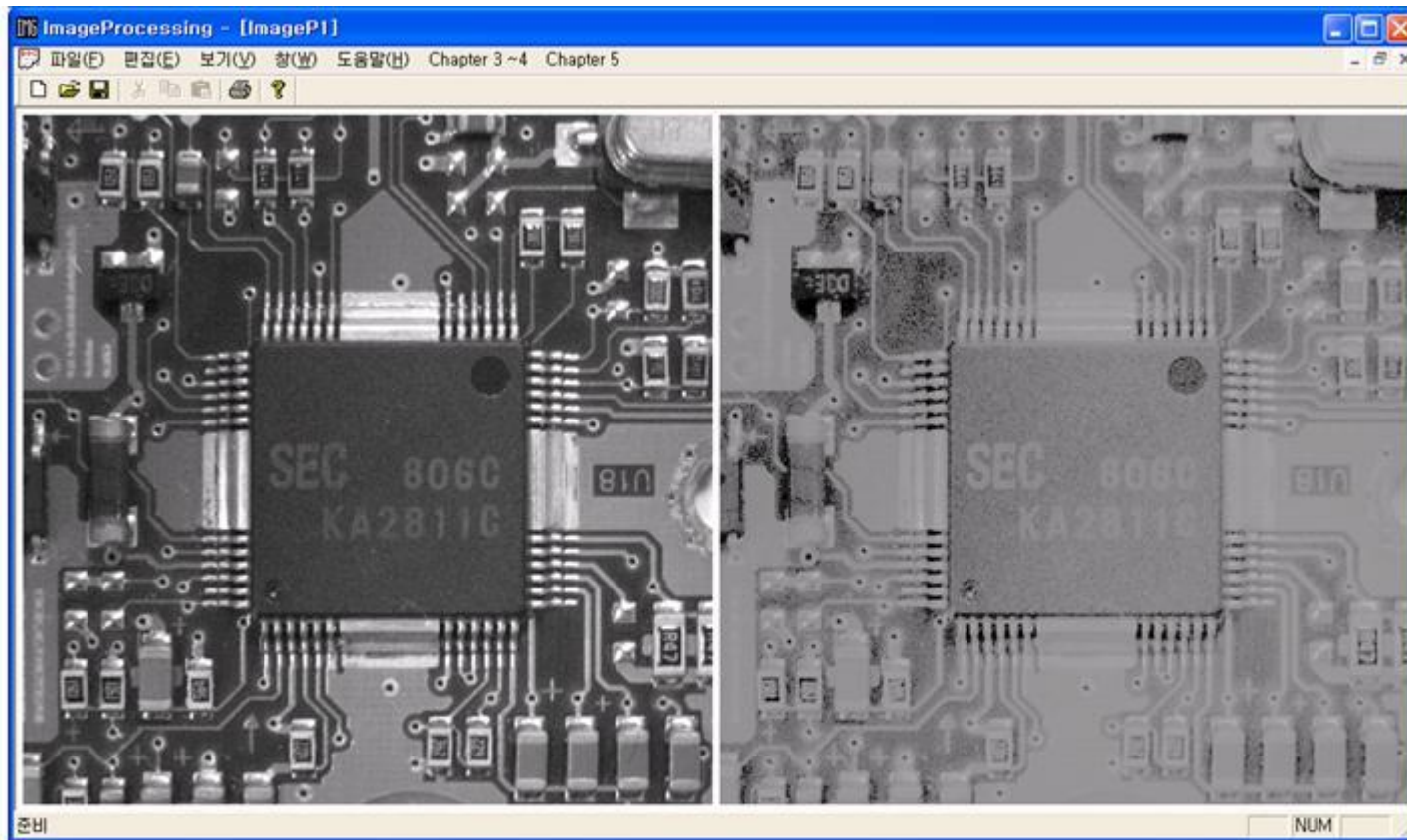
```
void CImageProcessingView::OnHistoSpec
{
    CImageProcessingDoc* pDoc = GetDocument();
    ASSERT_VALID(pDoc);

    pDoc->OnHistoSpec

    Invalidate(TRUE);
}
```

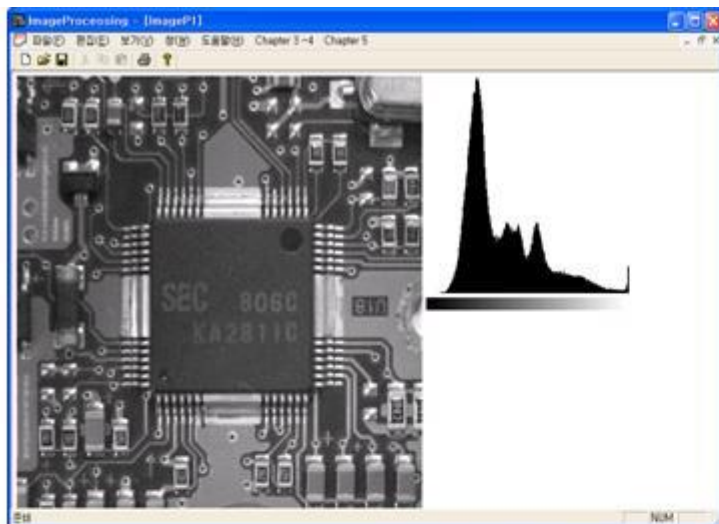
## [실습하기 5-5] 히스토그램 명세화 프로그램

### ⑤ 프로그램 실행 결과 영상

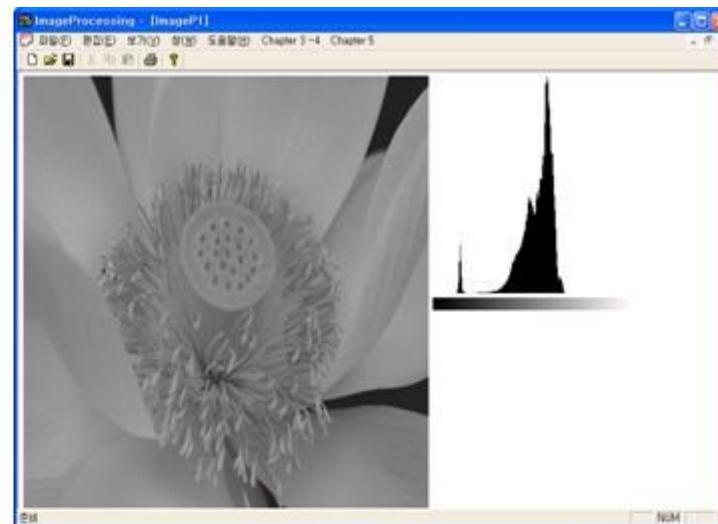


히스토그램 명세화 프로그램을 구현한 결과 영상(semiconduct512 영상의 히스토그램을 flower 512 영상의 히스토그램으로 명세화)

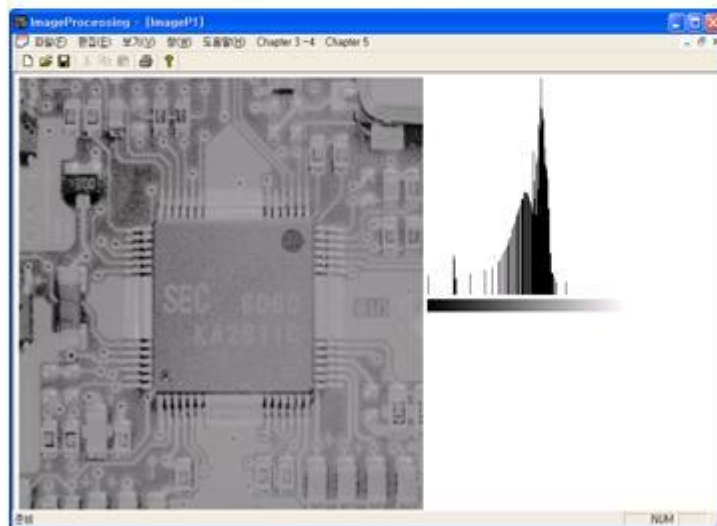
## [실습하기 5-5] 히스토그램 명세화 프로그램



semiconductor512 영상의 히스토그램



flower512 영상의 히스토그램



flower512 영상의 히스토그램으로 명세화된 semiconductor512 영상과 히스토그램

## RGB 컬러 영상의 히스토그램

- 각 채널에서 히스토그램을 생성.
- R, G, B 채널에는 채널별로 각각 히스토그램이 있음.

## 디지털 영상에서 산술연산: 히스토그램의 기동을 왼쪽, 오른쪽으로 이동시키거나 기동의 폭을 조절함

- 덧셈연산: 히스토그램의 기동을 오른쪽으로 이동시킴.
- 뺄셈연산: 히스토그램의 기동을 왼쪽으로 이동시킴.
- 곱셈연산: 수행한 영상의 히스토그램은 기동의 분포가 넓음
- 나눗셈연산: 최대 명도 값과 최소 명도 값의 차이가 작아져 명암 대비가 감소하고 히스토그램의 분포도 좁음.

## 히스토그램 스트레칭

- 명암 대비를 향상시키는 연산으로, 낮은 명암 대비를 보이는 영상의 품질을 향상시키는 기법
- 명암 대비 스트레칭이라고도 함.
- 히스토그램 스트레칭을 수행한 디지털 영상은 모든 범위의 화소 값을 포함하며, 히스토그램은 이상적인 형태인 전 구간에 걸쳐 분포가 균일

## 엔드-인(end-in) 탐색 기법

- 히스토그램이 전 구간에 분포하지만 특정 부분에 집중되며, 최저와 최고의 명도 값 부근은 아주 빈약한 영상의 품질을 향상시킬 수 있음.
- 일정한 양의 화소를 흰색 또는 검정색을 갖도록 지정하여 히스토그램의 분포를 좀 더 균일하게 함

## 히스토그램 평활화 기법

- 명암 분포가 빈약한 영상을 분포가 균일한 영상으로 만듦.
- 즉, 개략적인 모습은 원 영상 히스토그램과 유사하게 하면서 명암도의 분포를 좀 더 균일화하는 작업
- 특정 모양의 히스토그램을 생성된 디지털 영상의 히스토그램에 포함하여 영상의 일부 영역의 명암 대비(콘트라스트)를 개선시키는 기술

## 히스토그램 명세화 과정

- 기본적으로 입력 영상을 원하는 히스토그램으로 평활화하고 역 히스토그램 평활화를 수행
- 그런 뒤 룩업테이블(lookup table)을 생성하고 평활화된 원 영상을 역 변환하여 원하는 히스토그램을 얻음.



**Thank you**

---