



Министерство науки и высшего образования Российской Федерации  
Федеральное государственное бюджетное  
образовательное учреждение высшего образования  
«Московский государственный технический университет имени Н.Э. Баумана  
(национальный исследовательский университет)»  
(МГТУ им. Н.Э. Баумана)

**ФАКУЛЬТЕТ** Информатика и системы управления

**КАФЕДРА** Системы обработки информации и управления (ИУ5)

## **ОТЧЕТ по лабораторной работе**

**«Разведочный анализ данных. Исследование и визуализация данных»**

**ДИСЦИПЛИНА: «Технологии машинного обучения»**

Выполнил: студент гр. ИУ5-62Б \_\_\_\_\_ ( Михеев Н.А. )  
(Подпись) (Ф.И.О.)

Проверил: \_\_\_\_\_ ( Гапанюк Ю.Е. )  
(Подпись) (Ф.И.О.)

2020 г.

## ▼ Лабораторная работа №1

### ▼ 1) Текстовое описание набора данных

В качестве набора данных мы будем использовать набор данных Diabets dataset <https://sci-datasets> Для каждого из  $n = 442$  больных сахарным диабетом были получены десять исход массы тела, среднее артериальное давление и шесть измерений сыворотки крови, а также количественная мера прогрессирования заболевания через год после исходного уровня.

```
import numpy as np
import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
%matplotlib inline
sns.set(style="ticks")

data = pd.read_csv('data/diabetes.tab.txt', sep="\t")
```

### ▼ 2) Основные характеристики датасета

```
# Первые 5 строк датасета
data.head()
```

	AGE	SEX	BMI	BP	S1	S2	S3	S4	S5	S6	Y
0	59	2	32.1	101.0	157	93.2	38.0	4.0	4.8598	87	151
1	48	1	21.6	87.0	183	103.2	70.0	3.0	3.8918	69	75
2	72	2	30.5	93.0	156	93.6	41.0	4.0	4.6728	85	141
3	24	1	25.3	84.0	198	131.4	40.0	5.0	4.8903	89	206
4	50	1	23.0	101.0	192	125.4	52.0	4.0	4.2905	80	135

```
# Размер датасета - 442 строки, 11 колонок
data.shape
```

 (442, 11)

```
total_count = data.shape[0]
print('Всего строк: {}'.format(total_count))
```

 Всего строк: 442

```
# Список колонок
data.columns
```

```
Index(['AGE', 'SEX', 'BMI', 'BP', 'S1', 'S2', 'S3', 'S4', 'S5', 'S6', 'Y'], dt
```

```
# Список колонок с типами данных
data.dtypes
```

```
AGE      int64
SEX      int64
BMI      float64
BP       float64
S1       int64
S2       float64
S3       float64
S4       float64
S5       float64
S6       int64
Y        int64
dtype: object
```

```
# Проверим наличие пустых значений
# Цикл по колонкам датасета
for col in data.columns:
    # Количество пустых значений - все значения заполнены
    temp_null_count = data[data[col].isnull()].shape[0]
    print('{} - {}'.format(col, temp_null_count))
```

```
AGE - 0
SEX - 0
BMI - 0
BP - 0
S1 - 0
S2 - 0
S3 - 0
S4 - 0
S5 - 0
S6 - 0
Y - 0
```


```
# Основные статистические характеристики набора данных
data.describe()
```



	AGE	SEX	BMI	BP	S1	S2	S
count	442.000000	442.000000	442.000000	442.000000	442.000000	442.000000	442.000000
mean	48.518100	1.468326	26.375792	94.647014	189.140271	115.439140	49.78846
std	13.109028	0.499561	4.418122	13.831283	34.608052	30.413081	12.93420

<b>min</b>	19.000000	1.000000	18.000000	62.000000	97.000000	41.600000	22.00000
<b>25%</b>	38.250000	1.000000	23.200000	84.000000	164.250000	96.050000	40.25000

```
# Определим уникальные значения для целевого признака
data['SEX'].unique()
```


 array([2, 1], dtype=int64)

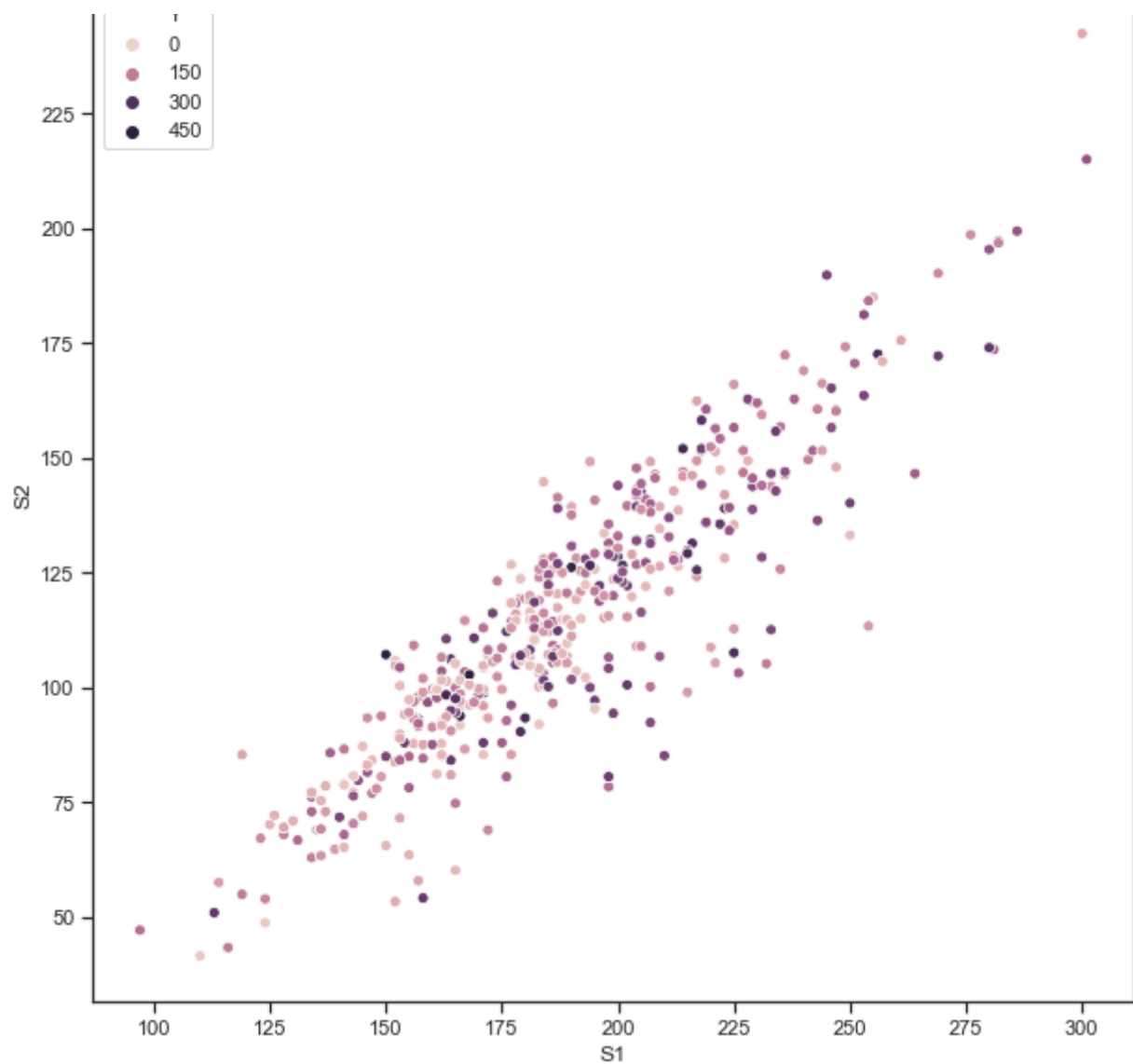
### ▼ 3) Визуальное исследование датасета

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,10))
sns.scatterplot(ax=ax, x='S1', y='S2', data=data)
```



```
<matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0xe70c610>
fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,10))
sns.scatterplot(ax=ax, x='S1', y='S2', data=data, hue='Y')
```

 <matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0xfd81e70>



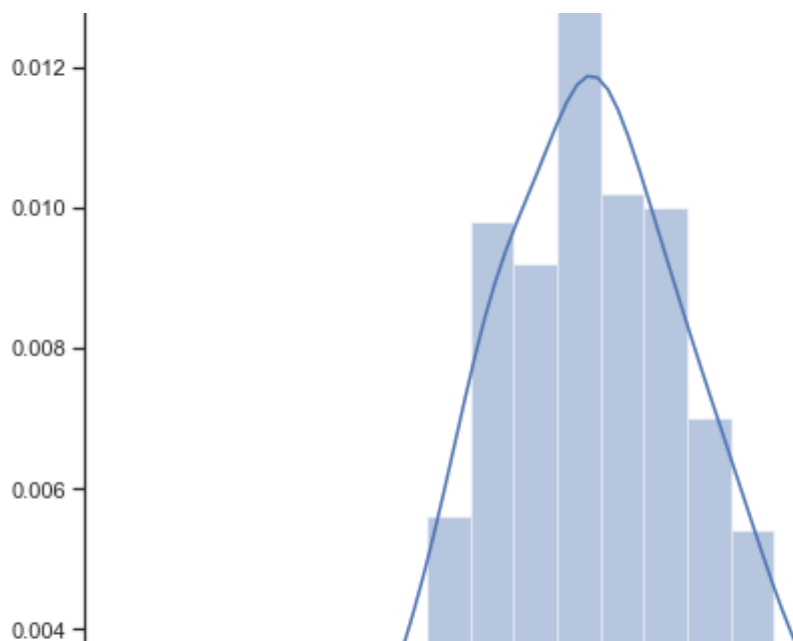
## ▼ Гистограмма

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,10))
sns.distplot(data['S1'])
```



<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0xfd816b0>





## ► Jointplot

Комбинация гистограмм и диаграмм рассеивания.

↳ 3 cells hidden

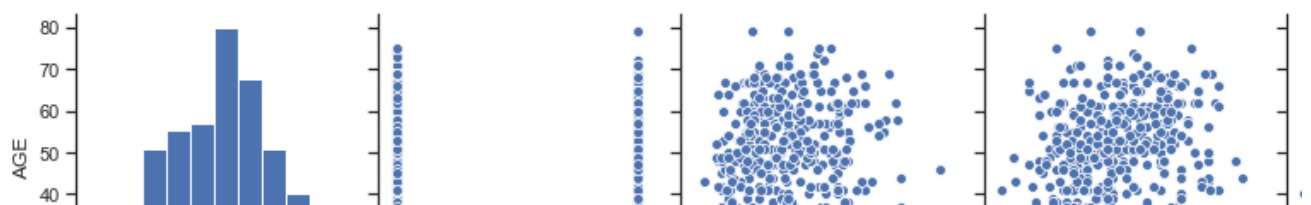


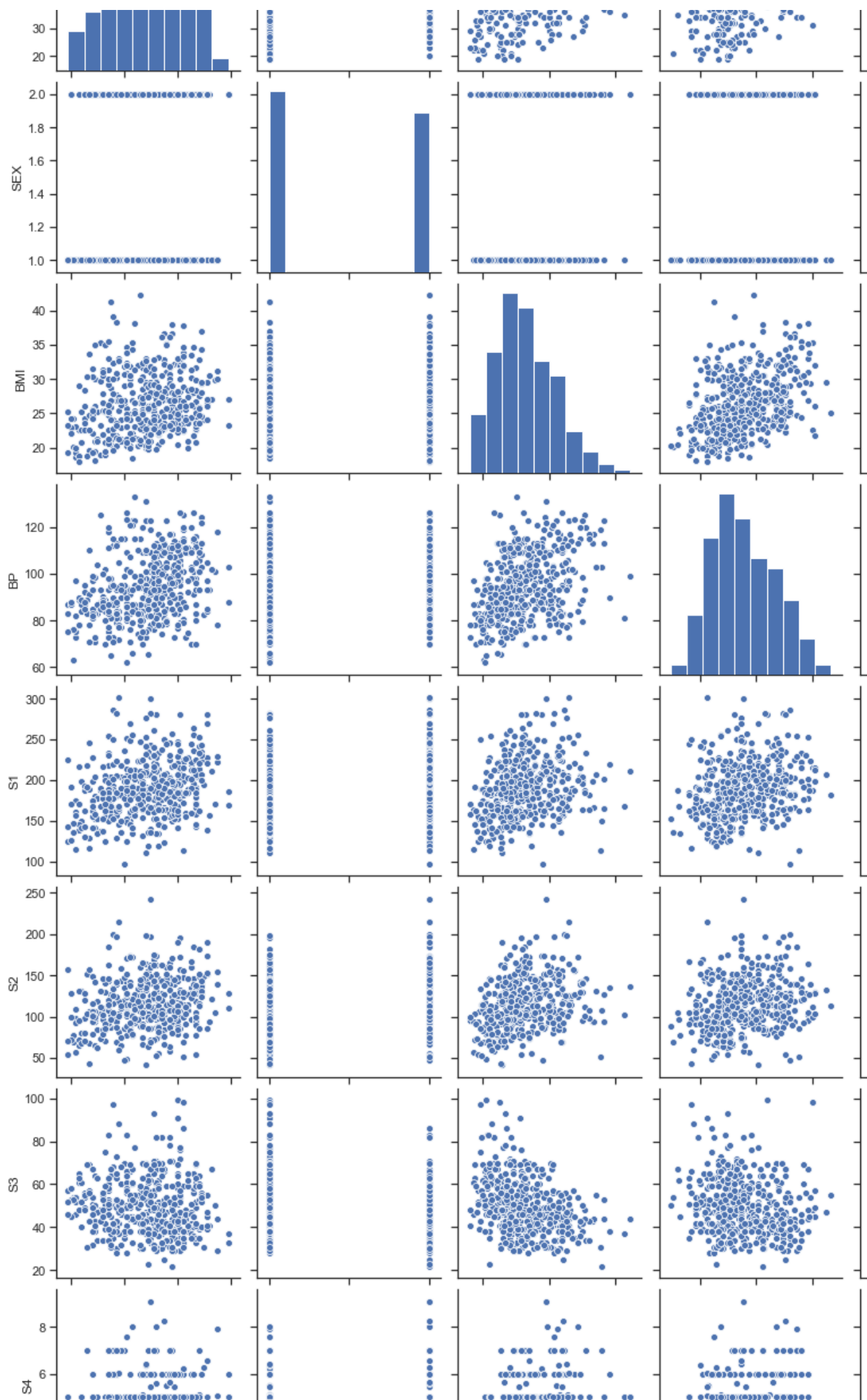
## ▼ "Парные диаграммы"

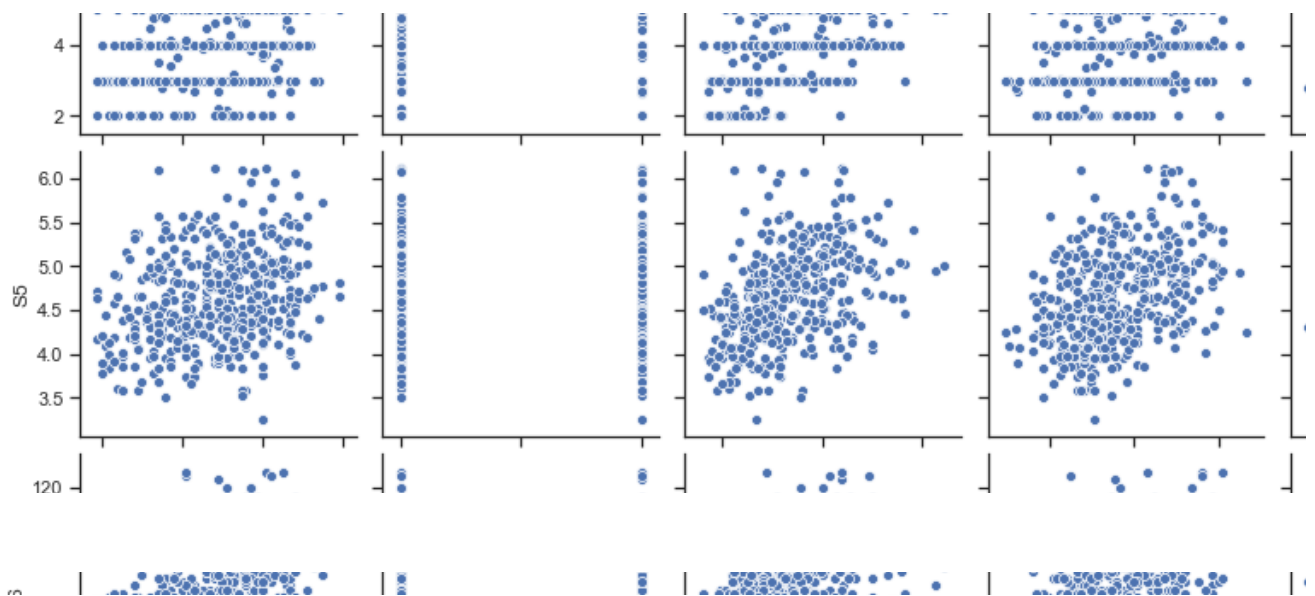
```
sns.pairplot(data)
```



<seaborn.axisgrid.PairGrid at 0x207eb810>







### ► Ящик с усами

Отображает одномерное распределение вероятности.



### ► Violin plot

Похоже на предыдущую диаграмму, но по краям отображаются распределения плотности



## ▼ 4) Информация о корреляции признаков

```
data.corr()
```



	AGE	SEX	BMI	BP	S1	S2	S3	S4
AGE	1.000000	0.173737	0.185085	0.335428	0.260061	0.219243	-0.075181	0.203841
SEX	0.173737	1.000000	0.088161	0.241010	0.035277	0.142637	-0.379090	0.332115
BMI	0.185085	0.088161	1.000000	0.395411	0.249777	0.261170	-0.366811	0.413807



BP 0.335428 0.241010 0.395411 1.000000 0.242464 0.185548 -0.178762 0.257650

```
data.corr(method='pearson')
```



	AGE	SEX	BMI	BP	S1	S2	S3	S4
AGE	1.000000	0.173737	0.185085	0.335428	0.260061	0.219243	-0.075181	0.203841
SEX	0.173737	1.000000	0.088161	0.241010	0.035277	0.142637	-0.379090	0.332115
BMI	0.185085	0.088161	1.000000	0.395411	0.249777	0.261170	-0.366811	0.413807
BP	0.335428	0.241010	0.395411	1.000000	0.242464	0.185548	-0.178762	0.257650
S1	0.260061	0.035277	0.249777	0.242464	1.000000	0.896663	0.051519	0.542207
S2	0.219243	0.142637	0.261170	0.185548	0.896663	1.000000	-0.196455	0.659817
S3	-0.075181	-0.379090	-0.366811	-0.178762	0.051519	-0.196455	1.000000	-0.738493
S4	0.203841	0.332115	0.413807	0.257650	0.542207	0.659817	-0.738493	1.000000
S5	0.270774	0.149916	0.446157	0.393480	0.515503	0.318357	-0.398577	0.617859
S6	0.301731	0.208133	0.388680	0.390430	0.325717	0.290600	-0.273697	0.417212
Y	0.187889	0.043062	0.586450	0.441482	0.212022	0.174054	-0.394789	0.430453

```
data.corr(method='kendall')
```



	AGE	SEX	BMI	BP	S1	S2	S3	S4
AGE	1.000000	0.146580	0.136535	0.242111	0.182220	0.153612	-0.073846	0.160898
SEX	0.146580	1.000000	0.080424	0.215733	0.022809	0.110208	-0.326188	0.297335
BMI	0.136535	0.080424	1.000000	0.281770	0.194171	0.198583	-0.249831	0.335625
BP	0.242111	0.215733	0.281770	1.000000	0.188067	0.140253	-0.131014	0.205948
S1	0.182220	0.022809	0.194171	0.188067	1.000000	0.717229	0.010695	0.393367
S2	0.153612	0.110208	0.198583	0.140253	0.717229	1.000000	-0.133332	0.503579
S3	-0.073846	-0.326188	-0.249831	-0.131014	0.010695	-0.133332	1.000000	-0.638633
S4	0.160898	0.297335	0.335625	0.205948	0.393367	0.503579	-0.638633	1.000000
S5	0.180544	0.143172	0.344720	0.268863	0.356268	0.242250	-0.311775	0.485410
S6	0.201784	0.168199	0.266373	0.264566	0.227139	0.194082	-0.200545	0.307397
Y	0.130709	0.030630	0.391195	0.289352	0.154016	0.129665	-0.278884	0.324734

```
data.corr(method='spearman')
```



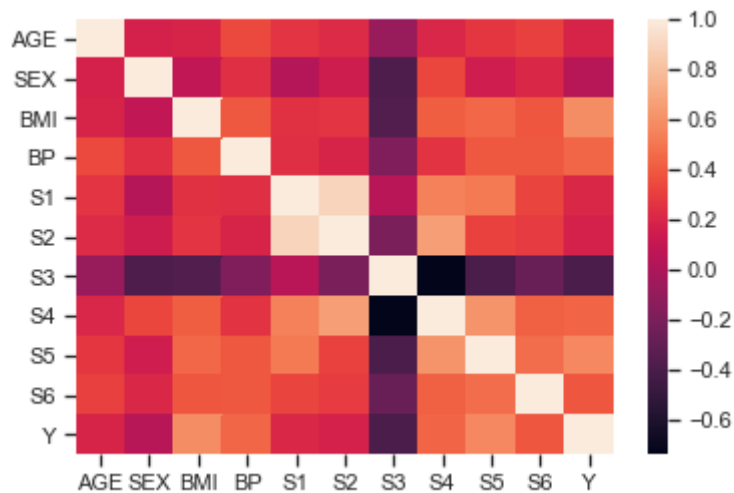
	AGE	SEX	BMI	BP	S1	S2	S3	S4
AGE	1.000000	0.177463	0.200554	0.350859	0.262524	0.221711	-0.106973	0.221017
SEX	0.177463	1.000000	0.098079	0.261508	0.027790	0.134695	-0.394584	0.337524

SEX	0.0271700	1.0000000	0.0000000	0.0000000	0.0000000	0.0000000	0.0000000	0.0000000	0.0000000
BMI	0.200554	0.098079	1.000000	0.397985	0.287829	0.295494	-0.371172	0.459068	0.280799
BP	0.350859	0.261508	0.397985	1.000000	0.275224	0.205638	-0.191033	0.280799	0.280799
S1	0.262524	0.027790	0.287829	0.275224	1.000000	0.878793	0.015308	0.520674	0.520674
S2	0.221711	0.134695	0.295494	0.205638	0.878793	1.000000	-0.197435	0.652283	0.652283
S3	-0.106973	-0.394584	-0.371172	-0.191033	0.015308	-0.197435	1.000000	-0.789694	-0.789694
S4	0.221017	0.337524	0.459068	0.280799	0.520674	0.652283	-0.789694	1.000000	1.000000
S5	0.265176	0.174625	0.491609	0.396071	0.512864	0.349947	-0.450420	0.640390	0.640390
S6	0.296235	0.203277	0.384664	0.381219	0.332173	0.286483	-0.290863	0.413700	0.413700
Y	0.197822	0.037401	0.561382	0.416241	0.232429	0.195834	-0.410022	0.448931	0.448931

```
sns.heatmap(data.corr())
```



```
<matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x31bc55d0>
```

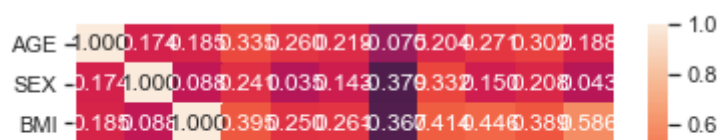


```
# Вывод значений в ячейках
```

```
sns.heatmap(data.corr(), annot=True, fmt='.3f')
```



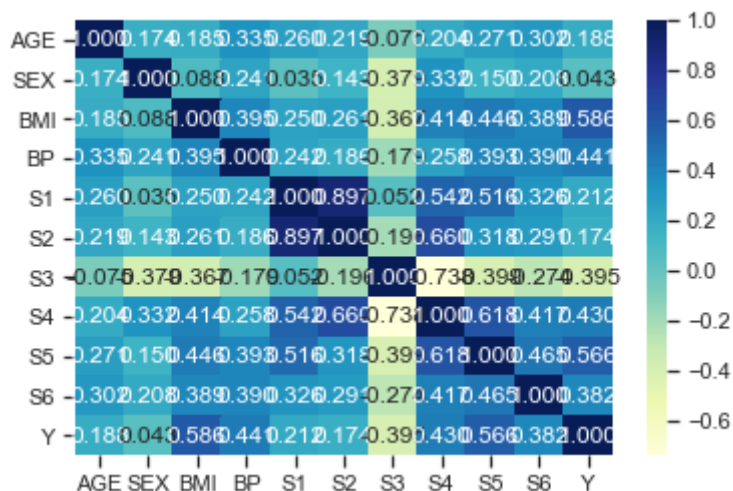
```
<matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x2ccbdf70>
```



```
# Изменение цветовой гаммы
```

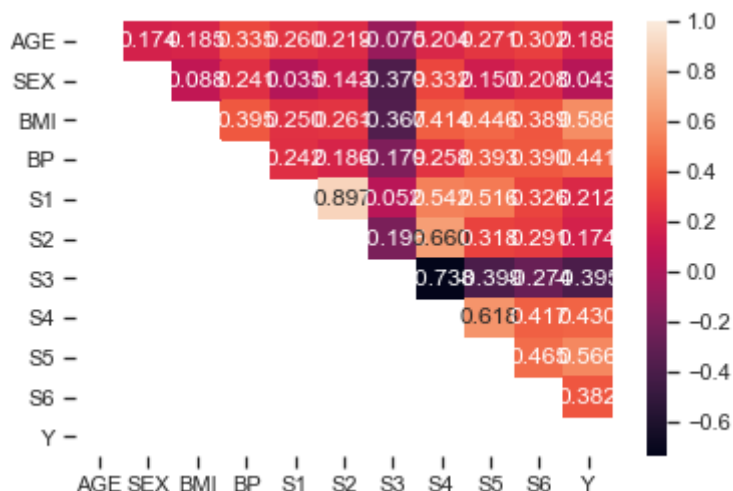
```
sns.heatmap(data.corr(), cmap='YlGnBu', annot=True, fmt='.3f')
```

<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x31c7b790>



```
# Треугольный вариант матрицы
mask = np.zeros_like(data.corr(), dtype=np.bool)
# чтобы оставить нижнюю часть матрицы
# mask[np.triu_indices_from(mask)] = True
# чтобы оставить верхнюю часть матрицы
mask[np.tril_indices_from(mask)] = True
sns.heatmap(data.corr(), mask=mask, annot=True, fmt='.3f')
```

<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x31ae5f10>



```
fig, ax = plt.subplots(1, 3, sharex='col', sharey='row', figsize=(15,5))
sns.heatmap(data.corr(method='pearson'), ax=ax[0], annot=True, fmt='.2f')
sns.heatmap(data.corr(method='kendall'), ax=ax[1], annot=True, fmt='.2f')
sns.heatmap(data.corr(method='spearman'), ax=ax[2], annot=True, fmt='.2f')
fig.suptitle('Корреляционные матрицы, построенные различными методами')
ax[0].title.set_text('Pearson')
ax[1].title.set_text('Kendall')
ax[2].title.set_text('Spearman')
```



Корреляционные матрицы, построенные различными методами



