### 군집분석

- 각 개체의 유사성을 측정하여 유사성이 높은 대상 집단을 분류 (비지도 학습)
- 계층적 군집분석은 데이터들을 계층적인 트리 구조로 그룹화
- 비계층적 군집분석은 데이터를 미리 정해진 클러스터 수에 맞춰 직접 할당하는 방법

### ∨ 1) 계층적 군집분석

#### 군집 수를 사전에 지정할 필요가 없음

- 최단 연결법: 최단연결법은 두 군집 간의 가장 가까운 데이터 사이의 거리를 기준으로 군집을 합병
- 최장 연결법: 두 군집 간의 가장 먼 데이터 사이의 거리를 기준으로 군집을 합병
- 평균 연결법 : 두 군집 간의 모든 데이터 쌍 사이의 거리를 계산하고 이 거리들의 평균을 통해 군집 합병
- 와드 연결법: 군집의 제곱합을 최소화하는 방식으로 군집 합병

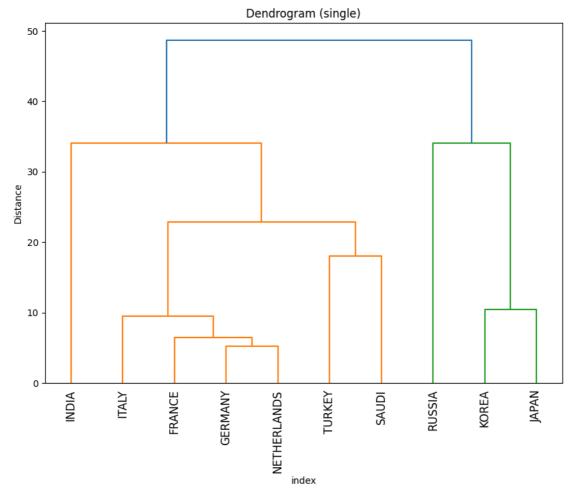
```
import pandas as pd
df = pd.read_csv('./country.csv')
df.head()

from scipy.cluster.hierarchy import dendrogram, linkage

single = linkage(df[['latitude','longitude']], method = 'single')

#덴드로그램 그리기
import matplotlib.pyplot as plt
plt.figure(figsize = (10,7))
dendrogram(single, labels= df['country'].tolist(), leaf_rotation = 90)
plt.title('Dendrogram (single)')
plt.xlabel("index")
plt.ylabel('Distance')
plt.show()
```



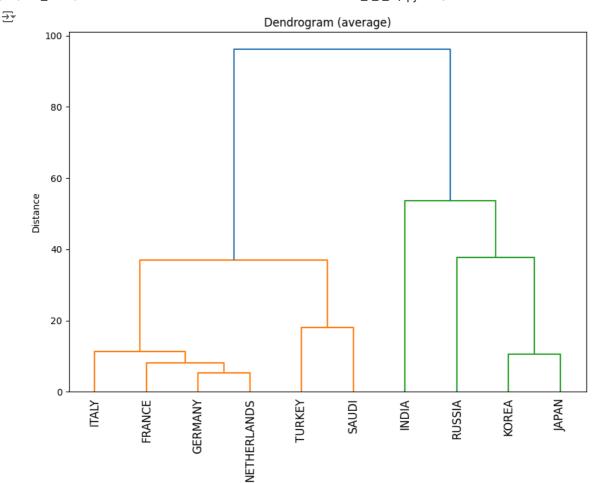


```
import pandas as pd
df = pd.read_csv('./country.csv')
df.head()
from scipy.cluster.hierarchy import dendrogram, linkage
single = linkage(df[['latitude','longitude']], method = 'complete')
#덴드로그램 그리기
import matplotlib.pyplot as plt
plt.figure(figsize = (10,7))
dendrogram(single, labels= df['country'].tolist(), leaf_rotation = 90)
plt.title('Dendrogram (complete)')
plt.xlabel("index")
plt.ylabel('Distance')
plt.show()
```



# Dendrogram (complete) 140 120 100 80 60 40 20 0 RUSSIA KOREA TURKEY JAPAN ITALY GERMANY INDIA SAUDI FRANCE **NETHERLANDS** index

```
import pandas as pd
df = pd.read_csv('./country.csv')
df.head()
from scipy.cluster.hierarchy import dendrogram, linkage
single = linkage(df[['latitude','longitude']], method = 'average')
#덴드로그램 그리기
import matplotlib.pyplot as plt
plt.figure(figsize = (10,7))
dendrogram(single, labels= df['country'].tolist(), leaf_rotation = 90)
plt.title('Dendrogram (average)')
plt.xlabel("index")
plt.ylabel('Distance')
plt.show()
```



index

```
import pandas as pd
df = pd.read_csv('./country.csv')
df.head()
from scipy.cluster.hierarchy import dendrogram, linkage
single = linkage(df[['latitude','longitude']], method = 'ward')
#덴드로그램 그리기
import matplotlib.pyplot as plt
plt.figure(figsize = (10,7))
dendrogram(single, labels= df['country'].tolist(), leaf_rotation = 90)
plt.title('Dendrogram (ward)')
plt.xlabel("index")
plt.ylabel('Distance')
plt.show()
```



# Dendrogram (ward) 200 175 150 125 Distance 00 75 50 25 0 RUSSIA FRANCE KOREA JAPAN ITALY GERMANY NETHERLANDS INDIA TURKEY SAUDI index

```
from scipy.cluster.hierarchy import fcluster
max = 20
clusters = fcluster(single, max, criterion = 'distance')

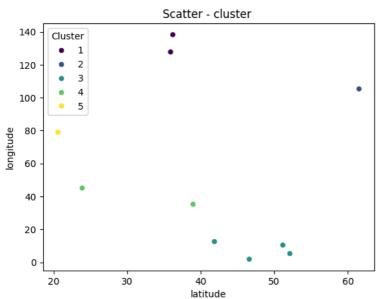
df['Cluster'] = clusters

print(df)

import seaborn as sns
sns.scatterplot(data = df, x = 'latitude', y='longitude', hue = 'Cluster', palette = 'viridis')
plt.title("Scatter - cluster ")
plt.show()
```

**₹** 

```
country latitude longitude Cluster
        KOREA
              35.90780
                          127.7669
        JAPAN 36.20480
                         138.2529
2
      GERMANY 51.16570
                          10.4515
3
       FRANCE
              46.60340
                           1.8883
                                         3
       RUSSIA 61.52400
                          105.3188
4
5
                                         5
        INDIA 20.59370
                          78.9629
6
        ITALY 41.87190
                           12.5674
                                         3
        TURKEY
              38.96370
                          35.2433
8
  NETHERLANDS 52.12326
                           5.2913
                                         3
        SAUDI 23.88590
                          45.0792
                                         4
```

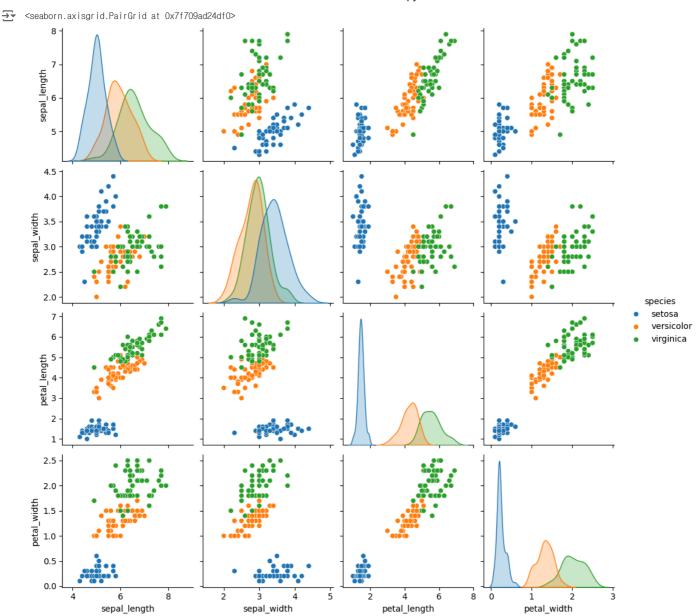


# ∨ 2) 비계층적 군집분석

초기 군집 설정 후 데이터를 반복적으로 재배치하여 군집 형성

- kmeans 군집분석 :
  - k개의 군집 중심을 무작위로 선택 후, 각 데이터를 가장 가까운 군집 중심에 할당
  - 。 각 군집의 중심을 재계산하여 중심의 변화가 없으면 멈춤

```
import seaborn as sns
iris = sns.load_dataset('iris')
sns.pairplot(iris, hue = 'species')
```



```
X = iris.drop('species',axis = 1)
from sklearn.cluster import KMeans
km = KMeans(n_clusters = 2, random_state = 10)
km.fit(X)
```

KMeans

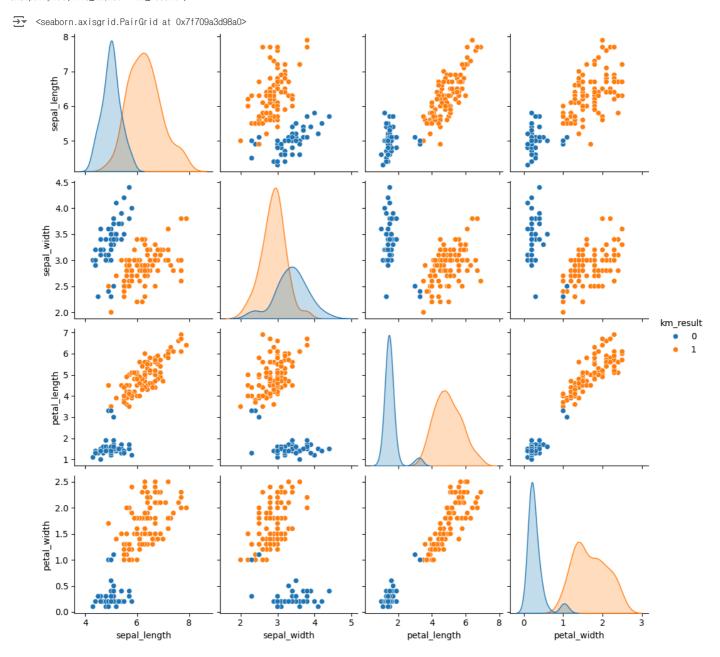
KMeans(n\_clusters=2, random\_state=10)

```
iris_km = X.copy()
iris_km['km_result'] = km.labels_
iris_km
```

<b>→</b>		sepal_length	sepal_width	petal_length	petal_width	km_result
	0	5.1	3.5	1.4	0.2	0
	1	4.9	3.0	1.4	0.2	0
	2	4.7	3.2	1.3	0.2	0
	3	4.6	3.1	1.5	0.2	0
	4	5.0	3.6	1.4	0.2	0
	145	6.7	3.0	5.2	2.3	1
	146	6.3	2.5	5.0	1.9	1
	147	6.5	3.0	5.2	2.0	1
	148	6.2	3.4	5.4	2.3	1
	149	5.9	3.0	5.1	1.8	1

150 rows × 5 columns

sns.pairplot(iris\_km,hue= 'km\_result')



#### 24. 5. 28. 오전 12:48

```
# 엘보우 기법 (최적 클러스터 개수 결정)
import matplotlib.pyplot as plt
def elbox(X):
 sse = []
 for i in range(1,5):
   km = KMeans(n_clusters= i, random_state = 1)
   km.fit(X)
   sse.append(km.inertia_)
 plt.plot(range(1,5), sse, marker = 'o')
 plt.xlabel('cluster number')
 plt.ylabel('SSE')
 plt.show()
```

elbox(X)

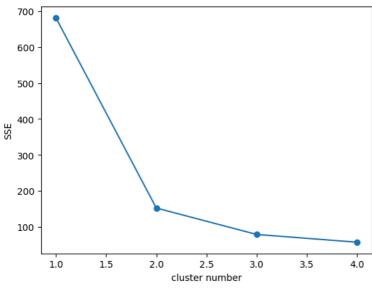


🛬 /usr/local/lib/python3.10/dist-packages/sklearn/cluster/\_kmeans.py:870: FutureWarning: The default value of `n\_init` will change from 10 to 'auto warnings.warn(

/usr/local/lib/python3.10/dist-packages/sklearn/cluster/\_kmeans.py:870: FutureWarning: The default value of `n\_init` will change from 10 to 'auto warnings.warn(

/usr/local/lib/python3.10/dist-packages/sklearn/cluster/\_kmeans.py:870: FutureWarning: The default value of `n\_init` will change from 10 to 'auto warnings.warn(

/usr/local/lib/python3.10/dist-packages/sklearn/cluster/\_kmeans.py:870: FutureWarning: The default value of `n\_init` will change from 10 to 'auto



# 군집의 특성 확인 iris\_km.groupby('km\_result').mean()



sepal\_length sepal\_width petal\_length petal\_width

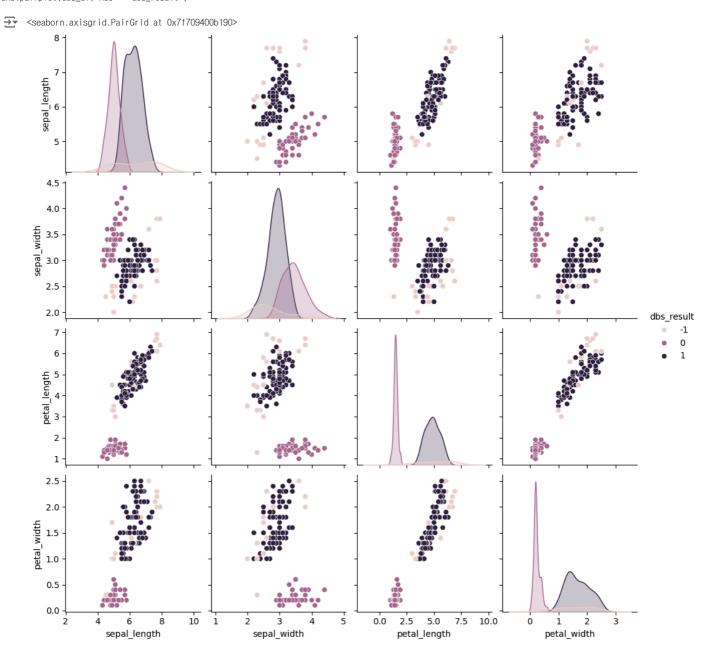
km_result					
0	5.005660	3.369811	1.560377	0.290566	
1	6.301031	2.886598	4.958763	1.695876	

### ~ 3) 밀도기반 클러스터

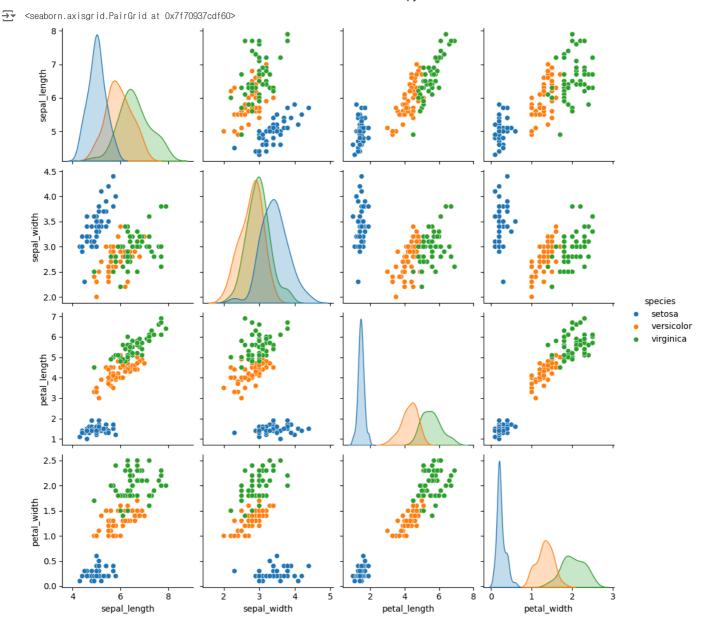
- DBSCAN
- 데이터 포인트를 밀도에 따라 클러스터로 그룹화하고, 밀도가 낮은 포인트는 노이즈로 취급
- 클러스터 수를 미리 지정할 필요가 없으며 노이즈 데이터 포인트를 잘 감지
- 그러나 고차원 데이터에서는 성능이 저하될 수 있음

```
from sklearn.cluster import DBSCAN
dbscan = DBSCAN(eps = 0.5, min_samples = 5).fit(X)
dbscan.labels
1, 1, -1, 1, 1, 1, 1, -1, 1, 1, 1, 1, -1, 1, 1,
```

```
dbs_df = X.copy()
dbs_df['dbs_result'] = dbscan.labels_
sns.pairplot(dbs_df, hue = 'dbs_result')
```



#원본 데이터 sns.pairplot(iris, hue = 'species')



## ∨ 4) 혼합 분포 군집

- 모형 기반 군집 : 데이터가 여러 가지 서로 다른 확률 분포에 의해 생성되었다고 가정하여 데이터를 군집화하는 방법
- 혼합 가우시안 분포: 데이터는 여러 개의 가우시안 분포로부터 생성된다고 가정.
- EM 알고리즘: 기대값 최대화(Expectation-Maximization) 알고리즘을 사용하여 각 가우시안 분포의 매개변수를 추정
  - Expectation (E 단계): 현재 추정된 매개변수로 각 데이터 포인트가 각 가우시안 분포에 속할 확률을 계산
  - Maximization (M 단계): E-step에서 계산된 확률을 사용하여 가우시안 분포의 매개변수를 다시 추정

#### iris.info()

<del>_</del>	<pre><class 'pandas.core.frame.dataframe'=""> RangeIndex: 150 entries, 0 to 149 Data columns (total 5 columns):</class></pre>					
	#	Column	Non-Null Count	Dtype		
	0	sepal_length	150 non-null	float64		
	1	sepal_width	150 non-null	float64		
	2	petal_length	150 non-null	float64		
	3	petal_width	150 non-null	float64		
	4	species	150 non-null	object		
	dtypes: float64(4), object(1)					
	memory usage: 6.0+ KB					

#### 24. 5. 28. 오전 12:48

df = iris.drop('species',axis = 1)
df

<del>_</del>		sepal_length	sepal_width	petal_length	petal_width
	0	5.1	3.5	1.4	0.2
	1	4.9	3.0	1.4	0.2
	2	4.7	3.2	1.3	0.2
	3	4.6	3.1	1.5	0.2
	4	5.0	3.6	1.4	0.2
	145	6.7	3.0	5.2	2.3
	146	6.3	2.5	5.0	1.9
	147	6.5	3.0	5.2	2.0
	148	6.2	3.4	5.4	2.3
	149	5.9	3.0	5.1	1.8

150 rows × 4 columns

from sklearn.preprocessing import StandardScaler
sc = StandardScaler()
scaled = sc.fit\_transform(df)

```
scaled
→ array([[-9.00681170e-01, 1.01900435e+00, -1.34022653e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-1.14301691e+00, -1.31979479e-01, -1.34022653e+00,
             -1.31544430e+00],
[-1.38535265e+00, 3.28414053e-01, -1.39706395e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-1.50652052e+00, 9.82172869e-02, -1.28338910e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-1.02184904e+00, 1.24920112e+00, -1.34022653e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-5.37177559e-01, 1.93979142e+00, -1.16971425e+00,
              -1.05217993e+00],
             [-1.50652052e+00, 7.88807586e-01, -1.34022653e+00,
             -1.18381211e+00],
[-1.02184904e+00, 7.88807586e-01, -1.28338910e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-1.74885626e+00, \ -3.62176246e-01, \ -1.34022653e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-1.14301691e+00, \quad 9.82172869e-02, \ -1.28338910e+00,
              -1.44707648e+00],
             [-5.37177559e-01, 1.47939788e+00, -1.28338910e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-1.26418478e+00, 7.88807586e-01, -1.22655167e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-1.26418478e+00, \ -1.31979479e-01, \ -1.34022653e+00,
              -1.44707648e+00],
             [-1.87002413e+00, -1.31979479e-01, -1.51073881e+00,
              -1.44707648e+00],
             [-5.25060772e-02, 2.16998818e+00, -1.45390138e+00,
              -1.31544430e+00],
             [-1.73673948e-01, 3.09077525e+00, -1.28338910e+00,
              -1.05217993e+00],
             [-5.37177559e-01, \quad 1.93979142e+00, \ -1.39706395e+00,
```