代·	물 007	学	号	1203121619
分类·	号 1-1(分类 号)	密	级	公开

题	(中、	英文)	目_		表于压缩	后缀数组	1的短读	比对算法	
			_						
			_	A S	hort Re	ad Aligm	ent Alg	orithm with	
			_		Con	npressed	Suffix A	Array	
作	者	姓	名	李双江	指导教	师姓名、	职务	霍红卫	
学	科	门	类	工科	学科、	专业	计算	机软件与理论	
提到	交论	文日	期			二()一四	7年十月		

Contributers: HaoChen write the statement page Olorin183795 bug report yzg3307 bug report Author by Xue-Jilong (xuejilong@gmail.com) and Justin-Wong (bigeagle@xdlinux.info) Typeset by \LaTeX and \LaTeX and provide for Bachelor Thesis of Xidian University. The first page will not appear in your final thesis paper. Take it easy for this copyright footnote. :-)

西安电子科技大学

学位论文独创性(或创新性)声明

秉承学校严谨的学分和优良的科学道德,本人声明所呈交的论文是我个人在导师指导下进行的研究工作及取得的研究成果。尽我所知,除了文中特别加以标注和致谢中所罗列的内容以外,论文中不包含其他人已经发表或撰写过的研究成果;也不包含为获得西安电子科技大学或其它教育机构的学位或证书而使用过的材料。与我一同工作的同志对本研究所做的任何贡献均已在论文中做了明确的说明并表示了谢意。

申请学位论文与资料若有不实之处,本人承担一切相关的法律责任。

本人签名:	日期
-------	----

西安电子科技大学 关于论文使用授权的说明

本人完全了解西安电子科技大学有关保留和使用学位论文的规定,即:研究 生在校攻读学位期间论文工作的知识产权单位属西安电子科技大学。学校有权保 留送交论文的复印件,允许查阅和借阅论文;学校可以公布论文的全部或部分内 容,可以允许采用影印、缩印或其它复制手段保存论文。同时本人保证,毕业后 结合学位论文研究课题再撰写的文章一律署名单位为西安电子科技大学。(保密 的论文在解密后遵守此规定)

本学位论文属于保密,在___年解密后适用本授权书。

本人签名:	日期
导师签名:	日期

摘 要

本文介绍了西电版的LYTEX 本科毕业设计论文模板,该模板是基于 CTEX 中文宏包开发,指在为西安电子科技大学的本科毕业生提供一个简单、专业、有效的排版工具,且该版本不打算加入研究生毕业论文和博士生毕业论文,因为定制模板也是一个很复杂的事情,如果有可能的话,后期可能继续单独写研究生和博士生的LYTEX 模板。作者本着为西电同学服务的原则开发,并不承担一切有关责任与义务,如维护、更新等,但欢迎提交 BUG。祝西安电子科技大学的同学前程似锦。

西安电子科技大学是以信息与电子学科为主,工、理、管、文多学科协调发展的全国重点大学,直属教育部,是国家"211工程"立项建设的重点高校之一,是全国 56 所设有研究生院的高校之一,37 所示范性软件学院的高校之一,也是全国 20 所获批设立集成电路人才培养基地的高校之一。

1931 年诞生于江西瑞金的中央军委无线电学校,是毛泽东等老一辈革命家亲手创建的第一所工程技术学校。1958 年学校迁址西安,1966 年转为地方建制,1988 年定为现名。建校 79 年来,学校始终得到了党和国家的高度重视,是我国"一五"重点建设的项目之一,也是 1959 年中央首批批准的全国 20 所重点大学之一。20 世纪 60 年代,学校就以"西军电"之称蜚声海内外。毛泽东同志曾先后两次为学校题词:"全心全意为人民服务"、"艰苦朴素"。学校现建设有南北两个校区,总占地面积 4000 亩,校舍建筑面积 130 多万平方米,图书馆藏书近 420 万册[5]。

校现有各类在校生 3 万余人,其中博士研究生 1700 余人,硕士研究生 8100 余人,设有通信工程学院、电子工程学院、计算机学院、机电工程学院、技术物理学院、经济管理学院、理学院、人文学院、示范性软件学院、微电子学院、国际教育学院、生命科学技术学院、网络与继续教育学院以及长安学院等 14 个学院。

关键词: 西电,论文,毕业设计,模板

ABSTRACT

This page is English abstract test. English is a West Germanic language that arose in the Anglo-Saxon kingdoms of England and spread into what was to become south-east Scotland under the influence of the Anglian medieval kingdom of Northumbria. Following the economic, political, military, scientific, cultural, and colonial influence of Great Britain and the United Kingdom from the 18th century, via the British Empire, and of the United States since the mid-20th century, it has been widely dispersed around the world, become the leading language of international discourse, and has acquired use as lingua franca in many regions. It is widely learned as a second language and used as an official language of the European Union and many Commonwealth countries.

This page is English abstract test. English is a West Germanic language that arose in the Anglo-Saxon kingdoms of England and spread into what was to become south-east Scotland under the influence of the Anglian medieval kingdom of Northumbria. Following the economic, political, military, scientific, cultural, and colonial influence of Great Britain and the United Kingdom from the 18th century, via the British Empire, and of the United States since the mid-20th century, it has been widely dispersed around the world, become the leading language of international discourse, and has acquired use as lingua franca in many regions. It is widely learned as a second language and used as an official language of the European Union and many Commonwealth countries.

This page is English abstract test. English is a West Germanic language that arose in the Anglo-Saxon kingdoms of England and spread into what was to become south-east Scotland under the influence of the Anglian medieval kingdom of Northumbria.

Keywords: Xidian, University, Thesis, Template

i

目 录

第一章	绪论	1
1.1	研究意义和背景介绍	1
1.2	国内外研究现状	2
1.3	本文的主要内容及组织结构	2
第二章	数学公式	5
2.1	基本知识	5
2.2	常用数学公式	5
2.3	定理和定义	6
第三章	表格图形	7
3.1	表格	7
3.2	图形	7
	3.2.1 图形位于页面中	8
	3.2.2 图形位于页面上	8
	3.2.3 图形位于页面下	9
第四章	总结与展望	11
	4.0.4 总结 · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	11
	4.0.5 进一步工作	11
附录 A	本科生毕业设计论文撰写规范 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	13
A.1	毕业设计 (论文) 的总体要求	13
A.2	毕业设计 (论文) 的编写格式	13
A.3	毕业设计 (论文) 的前置部分	13
	A.3.1 封面及打印格式 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	13
	A.3.2 中英文摘要及关键词	14
A.4	目录	14
A.5	毕业设计(论文)的主体部分	14
	A.5.1 绪论 ······	14
	A.5.2 正文······	14

		A.5.3	结	论					 		 		 	 	 	15
		A.5.4	致	谢					 		 		 	 	 	15
		A.5.5	参	考文南	犬				 		 	• • •	 	 	 	15
	A.6	毕业设	: 计	(论文	()	的附	录音	邓分	 		 		 	 	 	15
	A.7	毕业设	:计	(论文	()	的打	印规	心格	 		 		 	 	 	16
	A.8	毕业设	计	(论文	()	的装	订访	说明	 		 		 	 	 	16
致	ij)						· • • •	 	· • • •	 	• • • •	 	 	 	19
参	考文的	计							 		 		 	 	 	21

1

第一章 绪论

1.1 研究意义和背景介绍

DNA(脱氧核糖核酸) 是生物遗传信息的载体,其双螺旋结构的两个链互相补充,构成稳定结构。其中每个链都含有完备的遗传信息,这些遗传信息体现在构成 DNA 链的四种碱基——腺嘌呤(A),胸腺嘧啶(T),鸟嘌呤(C)和胞嘧啶(G)的排列顺序上。在现代生物学研究中,为分析 DNA 的遗传表达等特性,需要特定对物种 DNA 进行测序。早期的 sanger 测序作为第一代测序手段在人类基因组计划中起到了巨大的作用。

随着生物学,医学等相关科学的发展,新的 DNA 测序技术不断涌现,其中,以 Illumina/Solexa 为代表的 NGS(NEXT-GENERATION SEQUENCING DAT) 技术以其低廉的测序成本和便捷快速的特点成为当前的主流 DNA 测序技术。基于这一新技术实现的测序机器每台工作一天就能产生数十亿的短读序列 (short reads)^[12]。NGS 测序技术一般应用于两类测试场景,重测序 (Resequencing) 和从头测序 (de novo sequencing),这也对应着产生了 DNA 分析领域的两个最核心的研究问题:比对 (alignment) 和重组 (assembly)。若测序的目标物种的基因序列之前还从未被测序过,那么从头测序就是研究的第一步,这需要关注把短读以最优方式连接起来。若测序目标物种已经完成了测序,那么重测序关注的问题是如何把短读序列映射到已知的同物种基因组上,从而分析同源生物的个体基因差异,这个过程就是本文关注短读比对 (short read alignment)。由于每一次测序实验都会得到大量的短读 (short reads) 序列 (5 亿到 20 亿个),同时生物个体基因之间的差异会导致基因序列存在差异,短读映射面临着基因的近似比对和快速高效比对两个难题。本文即提出一种基于压缩后缀数组索引算法的快速高效比对算法来解决这两个问题。

重测序得到的短读序列中每一个短读一般不超过 1000 个碱基 (大多数情况下都是 20 到 100 个碱基的长度),但一次测序实验中短读数量都会超过一千万个。参考序列是已经经过准确测序,重组后的已知基因组序列,比如人类基因组序列就是合并出来的总长达 2.8G 的 DNA 序列。出于医疗,身份鉴别等原因会对某个具体的人进行再次 DNA 测序,这就是 DNA 重测序,此时测序得到的大量短读序列分析的第一步就是把这些短读映射到参考序列上,对人类而言,大多都是映射到人类基因组序列上,也可以映射到一个人工合成的参考序列上。映射的过程是对每一个短读在参考序列上查找的过程,即要在参考序列上找到一个合适的位置,使得从这个位置开始,短读是参考序列的一个子串。

综上所述,短读序列的比对问题可以抽象为一个模式查找问题:给定一个共有m个模式的模式集合 $P = \{P_1, P_2 \dots P_m\}$,每个模式的长度已知分别为 $l_1, l_2 \dots l_m$,已知一个长为n的参考序列T,求得一个集合 $S = \{s_1, s_2 \dots s_n\}$ 使得

 $P_i = T[s_i \dots s_i + l_i - 1]$ 。这个查找的过程即为短读到参考序列的比对映射。其中参考序列 T 和短读序列 P_i 都是由 DNA 测序中常用的碱基字符 $\{A, T, C, G, N\}$ 构成的。

1.2 国内外研究现状

为实现快速且准确的短读序列映射,近年来出现了很多比对算法。所有这些算法都可以分为两类,一类是通过对短读序列使用散列表等方法建立短读序列的索引,之后遍历整个参考序列。另一类是为参考序列建立索引,之后再对每个短读进行独立的比对。

第一类比对算法的代表是 MAQ, ZOOM, SHRiMP 等。MAQ^[6] 基于散列技术,结合短读中每一个核苷酸的测序质量分数,实现了无空位 (ungapped) 比对。ZOOM^[10] 使用了 space seeds 技术,提高了比对的精确率。而 SHRiMP^[13] 则结合 space seeds"和 smith-water 算法得到了更高的精确率。

第二类算法为参考序列建立索引,通过索引后的数据可以实现快速的比对。 如 SOAP,WHAM,BFAST 等。SOAP[7] 使用 seeds 技术和一个散列查询表加速比对, 且可以处理较少的空位比对。WHAM^[9] 对参考序列建立散列表,先通过散列表 查找潜在的比对位置,再进一步比对确定最终结果。BFAST 则通过为参考序列 建立多个索引来提高精确度。这几种方法使用的索引方法都需要很大的内存空 间,所以比对时空间需求很大,尤其是在用类基因组这样的较大序列作为参考序 列时。在第二类方法中以 SOAP2, Bowtie, BWA 为代表的基于 BWT[1] 来创建参考 序列索引的方法具有很大的空间优势。Bowtie^[3] 使用 BW 变换 (Burrows-Wheeler transform) 建立索引,采用回溯递归的搜索方法,再结合双端搜索实现了高速, 空间高效的比对,是目前最快的比对软件之一,但缺陷是不能实现空位 (gap) 比 对。BWA^[4] 也是基于 BWT 的一种比对算法,比对速度较 Bowtie 慢,但可实现空 位比对。SOAP2^[8] 使用了 bidirectional BWT 来建立参考序列的索引,比对速度和 Bowtie 相当。基于 BWT 的这些方法都使用了后向搜索方法[11] 来加速查询。后向 搜索可以在 O(m) 时间内实现长为 m 的字符串的计数查询,以及 $O(m \log n)$ 时间 复杂度的 query 查询。利用后向搜索的性质, Bowtie 实现了基于回溯法的非精确 匹配算法,而 BWA 则采用前缀树搜索的方法实现非精确匹配。在实现非精确匹 配的基础上,加上一些打分机制,既实现了短读序列到参考序列的匹配。

1.3 本文的主要内容及组织结构

本文提出一种采用压缩后缀数组 (COmpressed Suffix Array,CSA) 建立索引^[2], 实现短读比对的算法:CSAA(csa alienment)。这一算法采用的是 CSA 的后向搜索特性,同时还使用了优先队列来保存所有可能的匹配位置,并为每个可能的匹配位置打分,在匹配过程中,通过分支限界抛弃所有低分搜索方向,降低搜索空间,

同时保证匹配结果最优。按照上一节中对短读比对算法的分类,该算法属于对参考序列进行索引的比对算法。

第二章 数学公式

准备好了,接下来我们就要领略到 TeX 强大之所在:数学符号和公式的排版。本章所介绍的内容基本可以满足大部分人的需要。即便如此,也只是对此项功能的概括性的描述。如果不能在此章中找到你所需要的排版学公式的方法,那么你可以在其它宏集中找到答案[?]。

2.1 基本知识

LATEX 使用一种特殊的模式来排版数学符号和公式 (mathematics)。段落中的数学表达式应该置于 \(和 \), \$ 和 \$ 或者 \beginmath 和 \endmath 之间。如, $c^2 = a^2 + b^2$ 这就是一个很简单的例子。

对于较大的数学式子,最好的方法是使用显示式样来排版:将它们放于 \[和\] 或 \ begindisplaymath 和 \ enddisplaymath 之间。这样排版出的公式是没有编号的。如果你希望 \LaTeX 其添加编号的话,可以使用 equation 环境来达到这一目的。这是第一个例子,

$$e = mc^2$$

下面是第二种带编号的例子,

$$\lim_{n \to \infty} \sum_{k=1}^{n} \frac{1}{k^2} = \frac{\pi^2}{6} \tag{2-1}$$

从式 (2-1) 可以看出,在 LATEX 中编辑数学公式是多么美好的一件事啊,引用也如此方便,根本不用你操心,只管想问题就好了,最重要的是美观。

数学家们通常对使用什么样的符号非常挑剔:习惯上使用"空心粗体"(blackboard bold)来表示实数集合。这种字体可用 amsfonts 或 amssymb 宏包中的命命令\mathbb 来得到。例如:

$$x^2 > 0$$
 for all $x \in \mathbb{R}$ (2-2)

2.2 常用数学公式

在这一节中将介绍排版数学符号和公式的最重要的命令。数学模式中的命令 仅对其后面第一个字符起作用。所以,如果你希望某一命令作用于多个字符的话, 那么你就必须将它们放置于括号中。平方根(square root)的输入演示:

$$\sqrt{c} = \sqrt{x^2 + \sqrt[3]{y}} \tag{2-3}$$

向量(Vectors)通常用上方有小箭头(arrow symbols)的变量表示。这可由 vec 得到。另两个命令 overrightarrow 和 overleftarrow 在定义从 \mathbf{A} 到 \mathbf{B} 的向量时非常有用。如 \vec{a} 和 \overrightarrow{AB} 是两个向量。

函数名通常用罗马字体正体排版,而不是像变量名一样用意大利体排版。因此,LATeX 提供命令来排版最重要的一些函数名,如下式:

$$\lim_{x \to 0} \frac{\sin x}{x} = 1 \tag{2-4}$$

积分运算符 (integral operator) 用 int 来生成。求和运算符 (sum operator) 由 sum 生成。乘积运算符 (product operator) 由 prod 生成。上限和下限用[^]和_来生成,类似于上标和下标。参见式(2-5)。

$$f(x) = \int_0^{2\pi} \sum x^2 + \prod_{1}^n x^3 dx \tag{2-5}$$

多行公式:

$$\pi = 3.14159265358979323\dots \tag{2-6}$$

$$e = 2.718281828\dots (2-7)$$

2.3 定理和定义

写数学文档时有可能需要一种方式来排版"引理"、"定义"、"公理"以及类似的结构。LATeX 为此提供了下述命令: name 是短关键字,用于标识"定理"。text定义"定理"的真实名称,会在最终文件中打印出来。方括号中的选项是任意的,可以用于指定"定理"中使用的标号。counter可以指定先前声明的"定理"的name。然后新"定理"会按同样的顺序编号。section 指定"定理"编号所在的章节层次。

定理 2.1. 这是本包定义的第一个定理。可以用来测试。这是本包定义的第一个定理。可以用来测试。这是本包定义的第一个定理。可以用来测试。这是本包定义的第一个定理。可以用来测试。

定理 2.2. 这是本包定义的第二个定理。可以用来测试。这是本包定义的第二个定理。可以用来测试。

$$\lim_{n \to \infty} \sum_{k=1}^{n} \frac{1}{k^2} = \frac{\pi^2}{6} \tag{2-8}$$

这是本包定义的第二个定理。可以用来测试。这是本包定义的第二个定理。可以用来测试。

算法 2.1. 这是本包定义的第一个算法。可以用来测试。这是本包定义的第一个算法。可以用来测试。这是本包定义的第一个算法。可以用来测试。这是本包定义的第一个算法。可以用来测试。这是本包定义的第一个算法。可以用来测试。这是本包定义的第一个算法。可以用来测试。

第三章 表格图形

3.1 表格

与 word 不同, LeTeX 通过一定的语法规则将表格写成纯文本形式。基本规则包括:表格从上到下,每一行从左到右,单元格内容使用 & 分隔,用 \\换行。最基本的表格环境是 tabular 环境。下面是一个简单的表格代码和实际效果:

姓名	年龄
张三	32
李四	12
王五	24

学术论文普遍使用三线表。三线表的特点主要是:整个表格通常只有三条横线,首尾两条横线较粗,中间一条较细,一般不使用竖线。LaTeX 处理三线表相当简单方便。用到的宏包主要是 booktabs。下面是普通三线表的代码和效果:

表 3.1 示例表格							
姓名	年龄	地址					
张三	32	中华人民共和国					
李四	12	中华人民共和国					
王五	24	中华人民共和国					

有时三线表需要固定某列的列宽,或者指定整个表格的总宽度,指定某几列自动伸缩。使用 tabularx 宏包可以实现自动伸缩列宽。下面是一个简单的例子。与普通的 tabular 环境不同之处在于:(1)需要指定整个表格的总宽度;(2)需要用X 指定至少一列为自动伸缩列。见表3.2。

好了,表格的介绍就到此为止,关于表格的学习还有很大的学问,可以找专门的教程去学校,这里只是一个介绍。

3.2 图形

LaTeX 中一般只直接支持插入 eps(Encapsulated PostScript) 格式的图形文件, 因此在图片插入 latex 文档之前应先设法得到图片的 eps 格式的文件. 在 LaTeX 文档中插入图片都是通过使用一些 latex 图形处理宏命令来实现的, 有很多宏命令都支持在在 LaTeX 文档中插入 eps 格式的图形文件。

次 3.2 2000 和 2001 1 日前 是 並		<i>/</i> /
	2000	2004
钢铁	3.1	5.2
化学制品	2.1	2.7
办公设备及电信设备	4.5	15.2
汽车产品	0.3	0.7
纺织品	10.4	17.2
服装	18.3	24

表 3.2 2000 和 2004 年中国制造业产品的出口份额

3.2.1 图形位于页面中

命令其中的"高度"和"宽度"是指希望图片打印的高度和宽度,必须给出单位,可用厘米 (cm) 或英寸 (in). 高度和宽度也可用上述格式同时给出,这样可以改变原图的长宽比例. 上述命令中的图片文件名是指欲插入的图片文件的文件名,图片必需是 eps 格式的. 用 graphicx 包的 includegraphics 宏命令插入图片时还可以使图片旋转。

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。好了,开始。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。好了,开始。

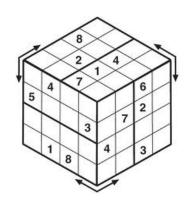


图 3.1 这是一个图片测试例子(中)

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。好了,结束。

3.2.2 图形位于页面上

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。好了,结束。该

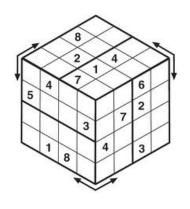


图 3.2 这是一个图片测试例子(上)

页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。好了,结束。

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。

3.2.3 图形位于页面下

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。

该页是专门用来测试插入图片的方法、这个方法有很多种、需要自己花点时

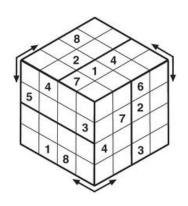


图 3.3 这是一个图片测试例子(下)

间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来 测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就 像表格一样,下面这只是一个简单的例子。

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。

该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。该页是专门用来测试插入图片的方法,这个方法有很多种,需要自己花点时间来研究学习下,就像表格一样,下面这只是一个简单的例子。

第四章 总结与展望

- 4.0.4 总结
- 4.0.5 进一步工作

附录 A 西安电子科技大学本科生毕业设计论文撰写规范

A.1 毕业设计(论文)的总体要求

撰写论文应简明扼要,一般不少于 15000 字 (外语专业可适当减少,但不得少于 10000 单词,且须全部用外语书写)。

A.2 毕业设计(论文)的编写格式

每一章、节的格式和版面要求整齐划一、层次清楚。其中:

- 论文用纸: 统一用 A4 纸, 与论文封皮, 任务书, 工作计划, 成绩考核表一致。
- 章的标题:如:"摘要"、"目录"、"第一章"、"附录"等,黑体,三号,居中排列。
- 节的标题:如:"2.1 认证方案"、"9.5 小结"等,宋体,四号,居中排列。
- 正文: 中文为宋体, 英文为 "Times News Roman", 小四号。正文中的图名和表名, 宋体, 五号。
- 页眉: 宋体五号,居中排列。左面页眉为论文题目,右面页眉为章次和章标题。页眉底划线的宽度为 0.75 磅。
- 页码: 宋体小五号, 排在页眉行的最外侧, 不加任何修饰。

A.3 毕业设计(论文)的前置部分

毕业设计(论文)的前置部分包括封面、中英文摘要、目录等。

A.3.1 封面及打印格式

- 学号:按照学校的统一编号,在右上角正确打印自己的学号,宋体,小四号,加粗。
- 题目: 题目应和任务书的题目一致, 黑体, 三号。
- 学院、专业、班级、学生姓名和导师姓名职称等内容, 宋体, 小三号, 居中排列。

A.3.2 中英文摘要及关键词

摘要是关于论文的内容不加注释和评论的简短陈述,具有独立性和自含性。 它主要是简要说明研究工作的目的、方法、结果和结论,重点说明本论文的成果 和新见解。关键词是为了文献标引工作从论文中选取出来用以表示全文主题内容 信息的术语。

- 1. 中文摘要, 宋体小四号, 一般为 300 字; 英文摘要, "Times News Roman"字体, 小四号, 一般为 300 个实词。摘要中不宜出现公式、非公用的符号、术语等。
- 2. 每篇论文选取 3~5 个关键词,中文为黑体小四号,英文为 "Times News Roman"字体加粗,小四号。关键词排列在摘要的左下方一行,起始格式为: "关键词:"和 "Keyword:"。具体的各个关键词以均匀间隔排列,之间不加任何分隔符号。

A.4 目录

按照论文的章、节、附录等前后顺序,编写序号、名称和页码。目录页排在中英文摘要之后,主体部分必须另页右面开始,全文以右页为单页页码。

A.5 毕业设计(论文)的主体部分

毕业设计(论文)的主体部分包括引言(绪论)、正文、结论、结束语、致谢、 参考文献。

A.5.1 绪论

作为论文的开端,简要说明作者所做工作的目的、范围、国内外进展情况、前 人研究成果、本人的设想、研究方法等。

A.5.2 正文

为毕业设计(论文)的核心部分,包括理论分析、数据资料、实验方法、结果、本人的论点和结论等内容,还要附有各种有关的图表、照片、公式等。要求理论正确、逻辑清楚、层次分明、文字流畅、数据真实可靠,公式推导和计算结果无误,图表绘制要少而精。

图 包括曲线图、示意图、流程图、框图等。图序号一律用阿拉伯数字分章依序编码,如:图 1.3、图 2.11。每一图应有简短确切的图名,连同图序号置于图的正下方。图中坐标上标注的符号和缩略词必须与正文中一致。

- 表 包括分类项目和数据,一般要求分类项目由左至右横排,数据从上到下竖列。 分类项目横排中必须标明符号或单位,竖列的数据栏中不宜出现"同上"、 "同左"等类似词语,一律填写具体的数字或文字。表序号一律用阿拉伯数 字分章依序编码,如:表 2.5、表 10.3。每一表应有简短确切的题名,连同 表序号置于表的正上方。
- 公式 正文中的公式、算式、方程式等必须编排序号,序号一律用阿拉伯数字分章 依序编码,如:式(3-32)、式(6-21)。对于较长的公式,另行居中横排,只可在符号处(如:+、-、*、/、<、>等)转行。公式序号标注于该式所在行(当有续行时,应标注于最后一行)的最右边。连续性的公式在"="处排列整齐。大于999的整数或多于三位的小数,一律用半个阿拉伯数字符的小间隔分开;小于1的数应将0置于小数点之前。

计量单位 单位名称和符号的书写方式一律采用国际通用符号。

A.5.3 结论

是对主体的最终结论,应准确、完整、精炼。阐述作者创造性工作在本研究 领域的地位和作用,对存在的问题和不足应给予客观的说明,也可提出进一步的 设想。

A.5.4 致谢

对协助完成论文研究工作的单位和个人表示感谢。

A.5.5 参考文献

在学位论文中引用参考文献时,引出处右上角用方括号标注阿拉伯数字编排的序号(必须与参考文献一致)。参考文献的排列格式分为:

专著类的文献 [序号] 作者. 专著名称. 版本. 出版地: 出版者, 出版年. 参考的页码。

期刊类的文献 作者. 文献名. 期刊名称. 年, 月, 卷 (期). 页码。

其中作者采用姓在前、名在后的形式。当作者超过三个时,只著录前三个人,其后加"等"字即可。

A.6 毕业设计(论文)的附录部分

附录是作为学位论文主体的补充,包括下列内容:

1. 正文中过于冗长的公式推导;

- 2. 为读者阅读方便所需要的辅助性的数学工作或带有重复性的图表;
- 3. 由于过分冗长而不宜在正文中出现的计算机程序清单;
- 4. 对于一般读者并非必要阅读,但对本专业同行有参考价值的资料。
- 5. 附录编于正文后,与正文连续编页码,每一附录均另页起。
- 6. 附录依次用大写正体 A, B, C……编序号, 黑体, 三号。如: 附录 A。
- 7. 附录中的图、表、式、参考文献等与正文分开,用阿拉伯数字另行编序号, 注意在数码前冠以附录的序码。如:图 A1;表 B2;式(C-3);文献[D5]。

A.7 毕业设计(论文)的打印规格

论文正文页面和版面的设置规格:论文正文双面打印,为了便于装订、复制,要求每页纸的四周留有足够的空白边缘。以 WORD97 为例:

页面设置数据为:上3厘米、下2厘米、内侧3厘米、外侧2厘米;装订线-1厘米;页眉-2厘米;页脚-1厘米。

版面设置数据为:文字的行间距-1.5倍;公式的行间距-1.5倍字符间距-标准;页码数据-对称页边距。

A.8 毕业设计(论文)的装订说明

毕业设计(论文)要求以A4纸的标准,按照下列顺序装订。外文资料翻译原文及译文另册装订,格式参照论文对应内容格式要求。

- 1. 封面
- 2. 任务书
- 3. 工作计划
- 4. 中期检查表
- 5. 成绩考核登记表
- 6. 中、外论文摘要
- 7. 目录
- 8. 引言
- 9. 论文

- 10. 结论
- 11. 结束语
- 12. 参考文献
- 13. 附录

致 谢 19

致 谢

毕业论文暂告收尾,这也意味着我在西安电子科技大学的四年的学习生活既将结束。回首既往,自己一生最宝贵的时光能于这样的校园之中,能在众多学富五车、才华横溢的老师们的熏陶下度过,实是荣幸之极。在这四年的时间里,我在学习上和思想上都受益非浅。这除了自身努力外,与各位老师、同学和朋友的关心、支持和鼓励是分不开的论文的写作是枯燥艰辛而又富有挑战的。

数学是理论界一直探讨的热门话题,老师的谆谆诱导、同学的出谋划策及家长的支持鼓励,是我坚持完成论文的动力源泉。在此,我特别要感谢我的导师xxx老师。从论文的选题、文献的采集、框架的设计、结构的布局到最终的论文定稿,从内容到格式,从标题到标点,她都费尽心血。没有xxx老师的辛勤栽培、孜孜教诲,就没有我论文的顺利完成。

感谢数学系的各位同学,与他们的交流使我受益颇多。最后要感谢我的家人以及我的朋友们对我的理解、支持、鼓励和帮助,正是因为有了他们,我所做的一切才更有意义;也正是因为有了他们,我才有了追求进步的勇气和信心。

时间的仓促及自身专业水平的不足,整篇论文肯定存在尚未发现的缺点和错误。恳请阅读此篇论文的老师、同学,多予指正,不胜感激!.....

谨把本文献给我最敬爱的父母亲以及所有关心我的人!

参考文献 21

参考文献

- [1] Paolo Ferragina and Giovanni Manzini. Indexing compressed text. *Journal of the ACM (JACM)*, 52(4):552–581, 2005.
- [2] Roberto Grossi and Jeffrey Scott Vitter. Compressed suffix arrays and suffix trees with applications to text indexing and string matching. *SIAM Journal on Computing*, 35(2):378–407, 2005.
- [3] Ben Langmead, Cole Trapnell, Mihai Pop, Steven L Salzberg, et al. Ultrafast and memory-efficient alignment of short dna sequences to the human genome. *Genome Biol*, 10(3):R25, 2009.
- [4] Heng Li and Richard Durbin. Fast and accurate short read alignment with burrows—wheeler transform. *Bioinformatics*, 25(14):1754–1760, 2009.
- [5] Heng Li, Bob Handsaker, Alec Wysoker, Tim Fennell, Jue Ruan, Nils Homer, Gabor Marth, Goncalo Abecasis, Richard Durbin, et al. The sequence alignment/map format and samtools. *Bioinformatics*, 25(16):2078–2079, 2009.
- [6] Heng Li, Jue Ruan, and Richard Durbin. Mapping short dna sequencing reads and calling variants using mapping quality scores. *Genome research*, 18(11):1851– 1858, 2008.
- [7] Ruiqiang Li, Yingrui Li, Karsten Kristiansen, and Jun Wang. Soap: short oligonucleotide alignment program. *Bioinformatics*, 24(5):713–714, 2008.
- [8] Ruiqiang Li, Chang Yu, Yingrui Li, Tak-Wah Lam, Siu-Ming Yiu, Karsten Kristiansen, and Jun Wang. Soap2: an improved ultrafast tool for short read alignment. *Bioinformatics*, 25(15):1966–1967, 2009.
- [9] Patel JM Li Y, Terrell A. Wham: a high-throughput sequence alignment method.
- [10] Hao Lin, Zefeng Zhang, Michael Q Zhang, Bin Ma, and Ming Li. Zoom! zillions of oligos mapped. *Bioinformatics*, 24(21):2431–2437, 2008.
- [11] Ross A Lippert. Space-efficient whole genome comparisons with burrows-wheeler transforms. *Journal of Computational Biology*, 12(4):407–415, 2005.
- [12] Michael L Metzker. Sequencing technologies—the next generation. *Nature Reviews Genetics*, 11(1):31–46, 2009.

[13] Stephen M Rumble, Phil Lacroute, Adrian V Dalca, Marc Fiume, Arend Sidow, and Michael Brudno. Shrimp: accurate mapping of short color-space reads. *PLoS computational biology*, 5(5):e1000386, 2009.