## Uvod u Bioinformatiku, Junski rok

 $Industrija \ 4.0$  Školska godina 2022/2023

## Uputstvo:

Na Desktop-uu se nalazi folder sa nazivom BIO. JUN u kome se nalaze nepotpuni kodovi rešenja zadataka koje treba dopuniti kako bi traženi algoritmi bili implementirani. Folder preimenovati u format bio\_ispitniRok\_Prezime\_Ime\_BrIndeksa (npr. bio\_jun\_Peric\_Pera\_4005-2021) i sve kodove čuvati u preimenovanom folderu dopunjujući nepotpune kodove.

1. [12.5p] Napisati kod *Median String* algoritma koji pronalazi kanonski motiv za dati skup sekvenci dna\_sequences određivanjem niske medijane tj. k-grama za koji postoje u svim sekvencama k-grami (instance kanonskog motiva) koji u odnosu na njega imaju minimalno ukupno odstupanje.

Primer:

2. [12.5p] Napisati kod algoritma *Longest Common Subsequence* koji pronalazi najdužu zajedničku podsekvencu za niske seq1 i seq2. Treba vratiti i skor pronađene najduže podsekvence, tj. broj njenih tačnih poklapanja (*matches*) sa odgovarajućim podsekvencama niski seq1 i seq2.

Primer:

3. [12.5p] Napisati kod algoritma  $Aditivne\ filogenije$  koji konstruiše nekorensko filogenetsko stablo koje odgovara matrici rastojanja D dimenzije n  $\times$  n.

Primer:

```
D = [[0, 13, 21, 22],
        [13, 0, 12, 13],
        [21, 12, 0, 13],
        [22, 13, 13, 0]]
n = 4

Izlaz: {0 : [('1+0', 11.0)], 1 : [('1+0', 2.0)], '1+0' : [(1, 2.0), (0, 11.0), ('2+1+0', 4.0)],
        2 : [('2+1+0', 6.0)], '2+1+0' : [(2, 6.0), ('1+0', 4.0), (3, 7.0)], 3 : [('2+1+0', 7.0)]}
```

4. [12.5p] Napisati kod koji korišćenjem strukture *prefiksnog stabla* vrši pretraživanje (uparivanje) šablona iz liste patterns unutar date niske sequence.

Primer:

```
patterns = ['ACCG', 'CTCT', 'GGA', 'TATA', 'ATG']
sequence = 'ATATGCTCTTGCTAGATGTGCTATA'

Izlaz: [('ATG', 2), ('CTCT', 5), ('ATG', 15), ('TATA', 21)]
```