Uvod u Bioinformatiku, Julski rok

 $Industrija \ 4.0$ Školska godina 2022/2023

Uputstvo:

Na Desktop-uu se nalazi folder sa nazivom BIO. JUL u kome se nalaze nepotpuni kodovi rešenja zadataka koje treba dopuniti kako bi traženi algoritmi bili implementirani. Folder preimenovati u format bio_ispitniRok_Prezime_Ime_BrIndeksa (npr. bio_sept1_Peric_Pera_4005-2021) i sve kodove čuvati u preimenovanom folderu dopunjujući nepotpune kodove. NAPOMENA: Kodovi koji se ne kompajliraju (imaju sintaksne greške) automatski nose 0 poena.

1. [12.5p] Napisati kod Faster Frequent Words algoritma koji na efikasan način pronalazi skup najzastupljenijih podniski dužine k u datoj sekvenci text.

Primer:

2. [12.5p] Napisati kod algoritma Leaderboard Cyclopeptide Sequencing koji pronalazi (ciklo)peptid čiji je ciklični spektar najsaglasniji sa datim spektrom target_spectrum, pri čemu se prilikom pretrage u svakoj iteraciji lista peptida-kandidata krati sa granicom za odsecanje N.

Primer

```
target_spectrum = [0, 99, 113, 114, 128, 227, 257, 299, 355, 356, 370, 371, 484]
N = 10
Izlaz: 'QNLE'
```

3. [12.5p] Napisati kod algoritma Needleman-Wunsch koji pronalazi optimalno globalno poravnanje za date dve sekvence, pri čemu je skor uparivanja istih karaktera jednak 2, skor uparivanja različitih karaktera -1, a poravnanje karaktera sa prazninom -2.

Primer:

4. [12.5p] Napisati kod UPGMA algoritma koji konstruiše ultrametrično evolutivno stablo za matricu rastojanja D dimenzije $n \times n$.

Primer:

```
D = [[0, 3, 4, 3],
     [3, 0, 4, 5],
     [4, 4, 0, 2],
     [3, 5, 2, 0]]
n = 4
Izlaz:
        Root = [0, 3, 1, 2]: 9.3333333333333333
        Neighbors: []
        Neighbors: []
        Neighbors: []
        Neighbors: []
        [1, 2]:6.0
        Neighbors: [('[1]:0', 6.0), ('[2]:0', 6.0)]
        [3, 1, 2]:6.5
        Neighbors: [('[3]:0', 6.5), ('[1, 2]:6.0', 0.5)]
        [0, 3, 1, 2]:9.3333333333333333
        Neighbors: [('[0]:0', 9.33333333333334), ('[3, 1, 2]:6.5', 2.833333333333333)]
```