

LABORATORIO 1 BIOINFORMÁTICA

Ejercicio 2: (5 ptos):

¿Cómo pueden verse las primeras 10 líneas del archivo?

Para ver las 10 primeras líneas usamos el comando: `head -n 10 akkermansia.txt` y podremos ver exclusivamente las 10 primeras líneas.

¿Cuántos genomas de *Akkermansia muciniphila* hay?

Para poder ver el número de genomas de *akkermansia* usamos el comando `grep -c "akkermansia municipihila" akkermansia.txt`, ya que con el `-c` podemos contar cuantas veces aparece *akkermansia* en nuestro archivo.

En nuestro caso se trata de 1205 genomas de *akkermansia municipihila*.

¿Cuántos de *Akkermasia biwaensis*?

Usando el mismo comando, hemos encontrado un solo genoma de *akkermansia biwaensis*.