Clustering con K-means - Catado de cafe



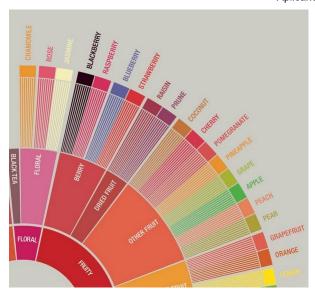
Se tiene un conjunto de datos con los resultados de diferentes catados de múltiples muestras de café.

Se desea realizar un agrupamiento de éstas muestras según sus métricas estadísticas. Entre ellas se encuentra la calificación promedio del catador certificado y niveles de sabor. Vainilla, floral, cereral, cocoa, alcohol, fermentado, tostado, oscuro, amargo, entre otros.

En este caso se hace uso del algorítmo KMeans, que se explica más adelante.

```
In [1]: # Imports
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.cluster import KMeans
import pandas as pd
%matplotlib inline
```

Importando Dataset y visualizando sus Características



Mostrar las primeras filas para una previsualización del orden de los datos

n [3]:	c	cafes.head()													
ut[3]:		Cafe	Dulce	Floral	Especias	Tostado	Frutal	Fermentado	Vegetal	Otro	Cocoa	Cereal	Vainilla	Picante	Calificacion promedio
	0	1	14.23	1.71	2.43	15.6	127	2.80	3.06	0.28	2.29	5.64	1.04	3.92	1065
	1	2	13.20	1.78	2.14	11.2	100	2.65	2.76	0.26	1.28	4.38	1.05	3.40	1050
	2	3	13.16	2.36	2.67	18.6	101	2.80	3.24	0.30	2.81	5.68	1.03	3.17	1185
	3	4	14.37	1.95	2.50	16.8	113	3.85	3.49	0.24	2.18	7.80	0.86	3.45	1480
	4	5	13.24	2.59	2.87	21.0	118	2.80	2.69	0.39	1.82	4.32	1.04	2.93	735

Se puede ver que la columna "Cafe" es el índice numérico de la muestra, pero que ya se ha enumerado con el método de lectura, por ello, se procede a eliminarla.

cafes = cafes.drop(['Cafe'],axis=1)
cafes.head() Dulce Floral Especias Tostado Frutal Fermentado Vegetal Otro Cocoa Cereal Vainilla Picante Calificacion promedio 2.14 11.2 100 2.65 2.76 0.26 1.28 4.38 18.6 3.24 0.30 2.50 16.8 113 3.85 3.49 0.24 2.18 7.80 1480 21.0 118 2.80 2.69 0.39 1.82

Se obtienen las variables estadísticas de los datos por columna.

 Cafes: cafescribe()
 Cafes: describe()
 Cafes: describe()
 Cafes: describe()
 Floral Especias
 Tostado Frutal Fermentado Prutal Fermentado Prut

Se normalizan los datos en un rango adecuado y se vuelven a obtener sus métricas

count	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000
mean	0.518584	0.315484	0.538244	0.458502	0.323278	0.453487	0.356386	0.437460	0.372523	0.322363	0.388170	0.491460	0.334446
std	0.213639	0.220780	0.146708	0.172142	0.155244	0.215811	0.210730	0.234818	0.180555	0.197806	0.185831	0.260070	0.224613
min	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000
25%	0.350658	0.170455	0.454545	0.340206	0.195652	0.262931	0.182489	0.264151	0.264984	0.165529	0.245935	0.244505	0.158702
50%	0.531579	0.222332	0.534759	0.458763	0.304348	0.474138	0.378692	0.396226	0.361199	0.290956	0.394309	0.553114	0.282097
75%	0.696711	0.462945	0.640374	0.561856	0.402174	0.627586	0.534810	0.580189	0.485804	0.419795	0.520325	0.695971	0.504280
max	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000

Se puede observar que ahora los datos tienen valores entre cero y uno, max y min.

Ahora con este preprocesamiento se tienen datos ordenados, numéricos y normalizados, listos para un agrupamiento óptimo.

El método de KMeans presenta gran efectividad y velocidad para datos no tan amplios, sin embargo, su principal debilidad es la selección de parámetros de entrada, entiéndase número de clusters a realizar. Como este valor no se conoce, se debe usar algún método para óptimizar su implementación, en este caso se utilizará el método del codo de Jambú para encontrar un número de clusters óptimo:

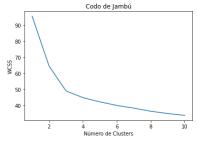
Obtención del gráfico del Codo de Jambú

Se desean que los clusteres sean lo más separados entre sí y que sus elementos sean lo más cercanos entre sí, para ello se utiliza la medida WCSS: suma de los cuadrados de las distancias de cada punto de datos, en todos los grupos a sus respectivos centroides, es decir, es una medida de similitud. La idea es minimizar esta suma. Para ello se obtiene la inercia de cada clustering realizado con KMeans para un cierto número de grupos desde 1 hasta uno deseado (n+1 en este caso), estos valores obtenidos en cada iteración se almacena en WCSS, donde luego se imprimen en una gráfica para su análisis.

```
In [7]: num_clusters = 10
wcss = []
for i in range(1,num_clusters=1,max_iter=300)
kmeans_model = KMeans(n_clusters=i,max_iter=300)
kmeans_model.fit(cafes_normalizado)
wcss.append(kmeans_model.inertia_)

## Ahora se grafican los resultados:

plt.plot(range(1,num_clusters+1),wcss)
plt.title("Codo de Jambú")
plt.xlabel("Mumero de Clusters")
plt.ylabel("WCSS")
plt.show()
```



Se observa que le número de clusteres óptimo es 3, para este método y este dataset. Ahora se procede a utilizar el método Kmeans con este parametro. Igual que anteriormente, se crea el modelo de clustering y luego se anlica con fit

```
In [8]: agrupamiento = KMeans(n_clusters=3, max_iter=300)
agrupamiento.fit(cafes_normalizado)
```

Out[8]: KMeans(n_clusters=3)

Este método crea un atributo label_ dentro del modelo clustering generado. Se agrega esta calificacion al archivo original del Dataset. Finalmente los datos procesados obtenidos se muestran:

```
In [9]: cafes['KMeans_clusters'] = agrupamiento.labels_
cafes.head()

Out[9]: Dulce Floral Especias Tostado Frutal Fermentado Vegetal Otro Cocoa Cereal Vainilla Picante Calificacion promedio KMeans_clusters

0 14.23 1.71 2.43 15.6 127 2.80 3.06 0.28 2.29 5.64 1.04 3.92 1065 2

1 1320 178 214 112 100 2.65 2.76 0.26 128 438 105 3.40 1050 2.2
```

^	14.23	1.71	2.43	15.6	127	2.80	2.00	0.28	2.20	5.64	1.04	3.92	1065	2
U	14.23	1.71	2.43	15.0	127	2.00	3.00	0.20	2.29	5.04	1.04	5.92	1005	-
1	13.20	1.78	2.14	11.2	100	2.65	2.76	0.26	1.28	4.38	1.05	3.40	1050	2
2	13.16	2.36	2.67	18.6	101	2.80	3.24	0.30	2.81	5.68	1.03	3.17	1185	2
3	14.37	1.95	2.50	16.8	113	3.85	3.49	0.24	2.18	7.80	0.86	3.45	1480	2
4	13.24	2.59	2.87	21.0	118	2.80	2.69	0.39	1.82	4.32	1.04	2.93	735	2

Visualización de los clusters Generados

Los datos tienen múltiples variables que los caracterizan, en este caso se desea visualizar un gráfico lo mayor resumido posible, y en la naturaleza humana se alcanzan a visualizar hasta tres dimensiones.

Para efectos didácticos, se mostraran en dos dimensiones ¿Cuales? se seleccionan las variables que mejor caractericen a todos los datos, para ello se hace uso del Análisis de Componentes Principales (PCA) para reducir el número de variables a analizar, en este caso a visualizar. Se hace uso del paquete descomposition de sklearn y se crea un dataframe a partir de estos componentes para graficarlo.

```
from sklearn.decomposition import PCA

pca = PCA(n_components=2)  # Dos componentes principales
pca_cafes = pca.fit_transform(cafes_normalizado)
pca_cafes_de = pd.Dataframe(data= pca_cafes_d, columns=['Componente_1', 'Componente_2'])
pca_names_cafes = pd.concat([pca_cafes_df, cafes[['KMeans_clusters']]], axis=1)

# veamos el resultado de los datos procesados:
pca_names_cafes
```

Out[10]:	Componente_1	Componente_2	KMeans_clusters
	-0.706336	-0.253193	2
	-0.484977	-0.008823	2
2	-0.521172	-0.189187	2
3	-0.821644	-0.580906	2
4	-0.202546	-0.059467	2
			•••
173	0.739510	-0.471901	1
174	0.581781	-0.348366	1
175	0.626313	-0.546857	1
170	0.572991	-0.425516	1

```
        Componente_1
        Componente_2
        KMeans_clusters

        177
        0.701764
        -0.513505
        1
```

178 rows × 3 columns

Graficar el dataframe procesado

Ahora se configura la figura plot a mostrar con estos datos obtenidos

```
In [11]: # Configurando La figura pLot
fig = plt.figure(figsize= (7,7))
grafico = fig.add_subplot(1,1,1)
grafico.set_vlabel('Componente 1',fontsize = 12 )
grafico.set_vlabel('Componente 2',fontsize = 12 )
grafico.set_title('Componente Principales - Clustering Kmeans',fontsize = 20 )
grafico.set_title('Componente Sprincipales - Clustering Kmeans',fontsize = 20 )
Colores = np.array(["blue", "orange", "green"])
grafico.scatter(x=pca_names_cafes.Componente_1, y=pca_names_cafes.Componente_2, c=Colores[pca_names_cafes.KMeans_clusters], s=40) #Llamado al método de figura de puntos de dispersión.
# Graficar
```

Componentes Principales - Clustering Kmeans 0.8 0.6 0.4 -0.2 -0.4 -0.6 -0.75 -0.50 -0.25 0.00 0.00 0.0

Guardar los datos generados

Se procede a guardar el dataframe en formato csv:

```
In [12]:
# Se crea un archivo csv en La carpeta Results
cafes.to_csv('../Results/cafe-kmeans.csv')
```

Ejercicios/ Experimentos propuestos

- 1. Elija un valor aleatorio para el número de clusters a implementar, suponiendo que no conoce el resultado del método Codo de Jambú. ¿Cómo cambia el resultado? ¿Qu+e se nota?
- 2. ¿Qué sucede al aumentar o disminuir el número de clusters a implementar en la llamada a KMeans? ¿Por qué?
- 3. ¿Qué sucede con los clusters al aumentar o disminuir significativamente el número de iteraciones máximo (seteado en 300) al usar el metodo del Codo de Jambú y en la llamada a KMeans? ¿Por qué?
- 4. Explique las ventajas y desventajas que tiene el algoritmo KMeans. Puede investigar diferentes fuentes.
- 5. Aumente el número de PCA a 3 componentes y grafíquelo en 3 Dimensiones. ¿Qué es lo que cambió y qué se está añadiendo?