

Introducción a Data Science

Verónica Ruiz Méndez vruiz@afi.es

19 y 20 de abril de 2022 Afi Escuela de Finanzas



Índice

- 1. Introducción
- 2. Data Science vs Big Data
- 3. Nuevos perfiles
- 4. ¿Qué es Python?
- Proceso de Extracción del Conocimiento
- 6. Preprocesamiento de datos
- 7. Modelos de Machine Learning
- 8. Metodología





Introducción

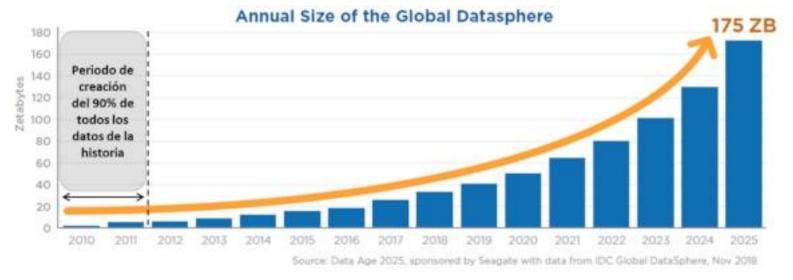


Introducción

Algunos datos...

El 90% de los datos existentes se han creado en los últimos años (IBM).

- Existen 4,6 billones de teléfonos móviles en el mundo.
- Facebook procesa 10 terabytes de datos cada día.
- Google procesa más de 25 petabytes de datos en un solo día.
- Twitter procesa más de 7 terabytes de datos cada día.



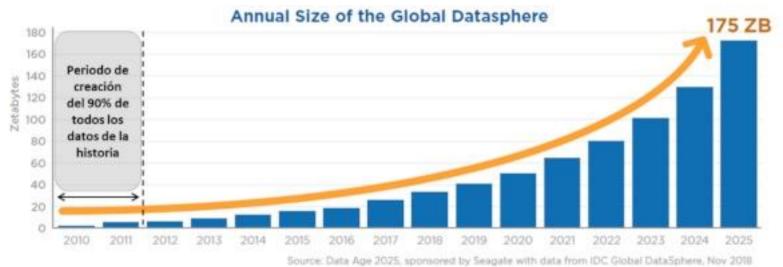


Introducción

Algunos datos...

El 90% de los datos existentes se han creado en los últimos años (IBM).

- Existen 4,6 billones de teléfonos móviles en el mundo.
- Facebook procesa 10 terabytes de datos cada día.
- Google procesa más de 25 petabytes de datos en un solo día.
- Twitter procesa más de 7 terabytes de datos cada día.



Gantz, J; Rydning, J;; Reinsel, D. (2019) "The digitizacion of the Word. From Edge to Core"





Data Science y Big Data



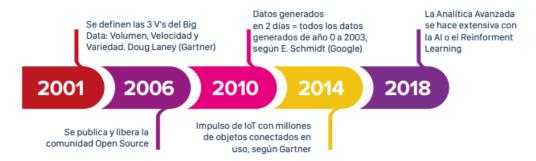
Big Data

Big Data son un conjunto de tecnologías orientadas al almacenamiento y procesamiento de datos. Datos que son tan grandes, rápidos o complejos que es **difícil** o imposible procesarlos con los métodos tradicionales.

3 Vs Douglas Laney: Volumen, Variedad y Velocidad.

Estas tecnologías que permiten procesar grandes volúmenes de datos, de distintas tipologías (imágenes, textos, audios, ...) y que se generan a distinta velocidad. Siempre con la intención de generar valor a partir de todos estos datos.

GRANDES HITOS DEL BIG DATA



Laney, D. (2001) "3D data management: Controlling data volumen, variety and velocity".

Lahoz, J. (2019): "Big Data, Concepto y Evolución".

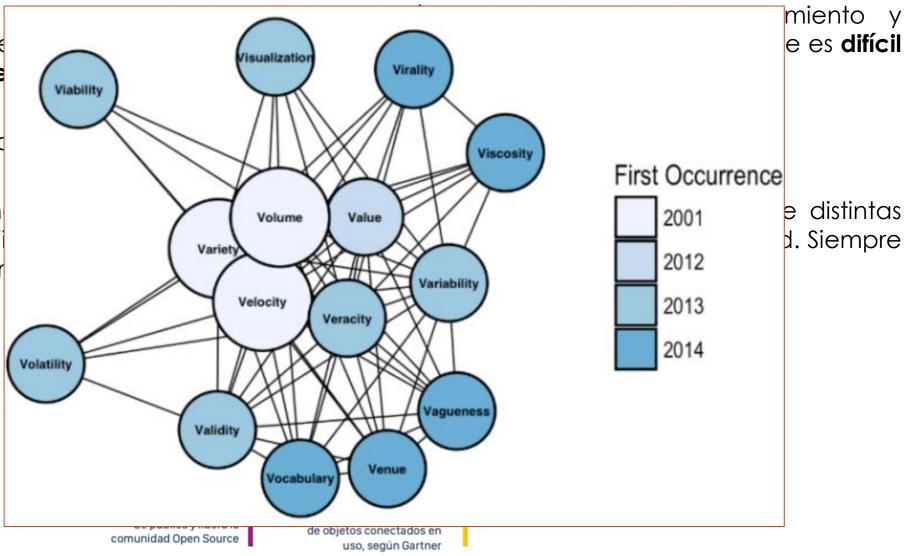


Big Data

Big Data procesamie o imposible

3 Vs Dougle

Estas tecn tipologías (i con la inter

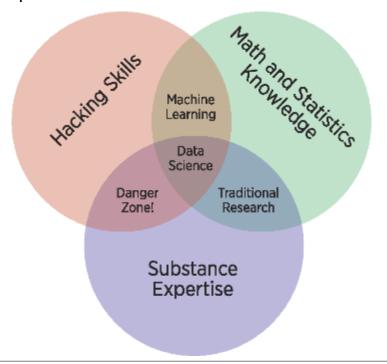




Data Science

Data Science es una disciplina científica centrada en el análisis de grandes fuentes de datos para **extraer información**, comprender la realidad y **descubrir patrones** para tomar decisiones.

El término Data Science ha estado presente en los últimos 30 años; sin embargo, no es hasta la **década de los 70** cuando empezó a usarse para métodos de **preprocesamiento de datos**. En **2001**, la ciencia de datos se separa del Big Data y se proclama como disciplina independiente.







Nuevos perfiles



Nuevos perfiles



DATA SCIENTISTS

Miembro clave del equipo de ciencia de datos. Extraen conocimiento e información valiosa de los datos. Visión general del proceso de extremo a extremo y pueden resolver problemas de ciencias de datos, la construcción de modelos analíticos y algoritmos. Combinan diversas habilidades relacionadas con las matemáticas, estadística, programación y visualización y deben tener habilidades comunicativas para explicar los resultados obtenidos.



DATA ENGINEER

Proporciona los nuevos datos de una manera accesible y apropiada a los usuarios y Data Scientists. Especializado en **infraestructura Big Data**. Desarrolla y explota **técnicas**, **procesos**, **herramientas** y **métodos** que deben servir para el desarrollo de aplicaciones Big Data. Gran conocimiento de **bases de datos**, **arquitecturas de clusters**, lenguaje de programación y sistemas de procesamiento de datos.



BUSINESS DATA ANALYTICS

Participa en las iniciativas y proyectos de análisis de datos. Es la persona que recoge las necesidades de los usuarios de negocio para los Data Scientist y presenta los resultados.





Historia de Python

- Creado en 1990 por Guido van Rossum (actualmente en Microsoft).
- El nombre está basado en los humoristas británicos Monty Python.
- A partir del año 2001, pasa a ser administrado por Python Software Foundation, una compañía sin ánimo de lucro con un funcionamiento similar al de Apache Software Foundation.







- Es un lenguaje de programación de alto nivel.
- Es un lenguaje de programación de propósito general.
- Es un lenguaje de programación open source.



¿Qué es Open Source?



¿Qué es Open Source?

- Normalmente el código fuente y los derechos son exclusivos para quienes poseen los derechos de autor.
- Open Source es aquel software que tiene tanto el código fuente como los derechos sin ninguna restricción.
 - Cualquiera puede acceder al código fuente y modificarlo si lo desea (para su propio uso)
 - El uso no está restringido para ningún uso y/o usuario.
- La FSF (Free Software Foundation) establece cuatro libertades para considerar un software Open Source:
 - Libertad para usar el software como se desee y con cualquier propósito.
 - Libertad para analizar el funcionamiento del software y poder cambiarlo para lo que se desee.
 - Libertad para distribuir copias.
 - Libertad para modificar y distribuir copias de versiones modificadas a terceros.

"With software there are only two possibilites: either the users control the programme or the programme controls the users." Richard Stallman



- Es un lenguaje de programación de alto nivel.
- Es un lenguaje de programación de propósito general.
- Es un lenguaje de programación open source.
- Es un lenguaje de programación orientado a objetos.
- Es un lenguaje de programación dinámicamente tipado y fuertemente tipado.
- Es un lenguaje de programación conciso.
- Es un lenguaje de programación con una comunidad muy activa.
- Es un lenguaje de programación con infinidad de módulos orientado a muy diferentes dominios (tratamiento de imágenes, videojuegos, bases de datos, análisis de datos, etc.).



¿Cómo usar Python?

Distribución	Descripción	url_descarga
? python™	- Core de Python Incluye únicamente los paquetes básicos y el intérprete de la consola de comandos.	https://www.python.org/
ANACONDA	 Distribución más extendida y reconocida de las existentes. Incluye más de 300 módulos preinstalados desde análisis de datos, hasta desarrollo web pasando por librerías matemáticas. Incluye una consola gráfica para Python, iPython, Jupyter Notebooks, Spyder y VisualStudioCode. 	https://www.anaconda.com/prod ucts/individual
ENTHOUGHT	 Distribución más orientada al análisis científico, con paquetes matemáticos mucho más específicos. También muy centrada en la visualización de datos, incluyendo paquetes de visualización de datos avanzados. 	https://assets.enthought.com/dow nloads/



¿Cómo usar Python?

- Existen muchos IDEs (Integrated Development Environment) para Python.
- Cada uno de ellos está diseñado para dar soporte a una forma de trabajo en función del dominio (análisis de datos, desarrollo general, programación reproducible...) al que se orienten.

 Se pueden encontrar desde consolas básicas (tipo R o Matlab) hasta entornos completos de desarrollo y despliegue de aplicaciones y servicios (tipo Visual Studio, Eclipse, NetBeans, etc.).











Ventajas

- Python es un **lenguaje de alto nivel multipropósito**. También se utiliza en otros campos más allá del análisis de datos: desarrollo web, scripting ...
- Es un lenguaje más rápido en ejecución (respecto a otros más basados en estadística, por ejemplo R).
- Es muy fácil de aprender para los participantes: curva de aprendizaje menos dura.
- La sintaxis del lenguaje te ayuda a ser un mejor programados: código más condensado y legible.
- Más rápido en el manejo de grandes conjuntos de datos y puede cargar los archivos con facilidad.



Ejemplo en Python

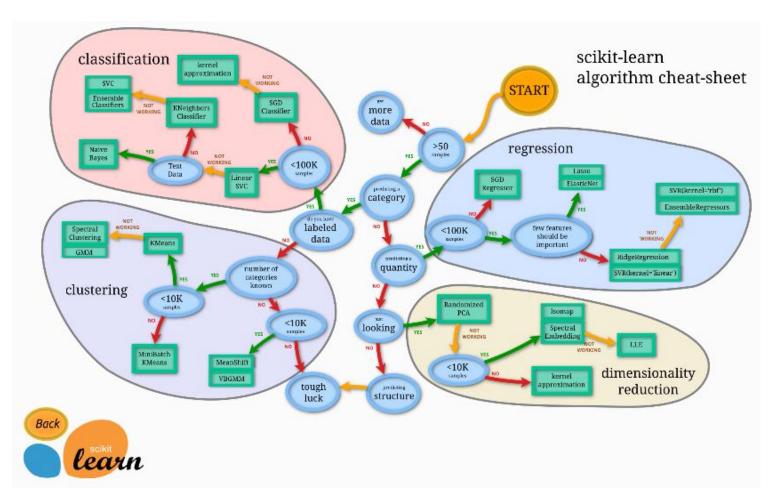


IntroduccionDS_BasicsPython.ipnyb



Scikit-learn

Librería de Python utilizada para aprendizaje automático.



https://scikit-learn.org/stable/tutorial/machine_learning_map/index.html

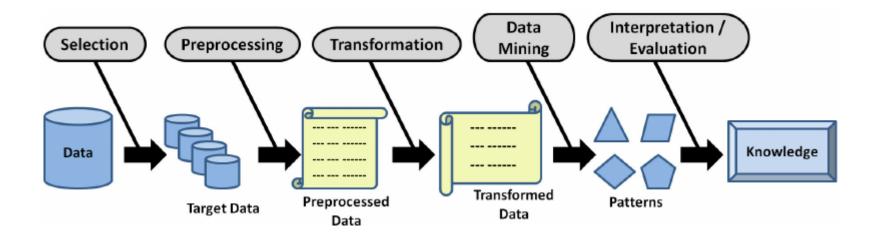






El **Proceso de Extracción del Conocimiento** (Knowledge Discovery in Databases, KDD) es:

- El proceso no trivial de identificar patrones válidos, novedosos, potencialmente útiles e inteligibles en datos.
- Un análisis exploratorio más o menos automático de bases de datos grandes.

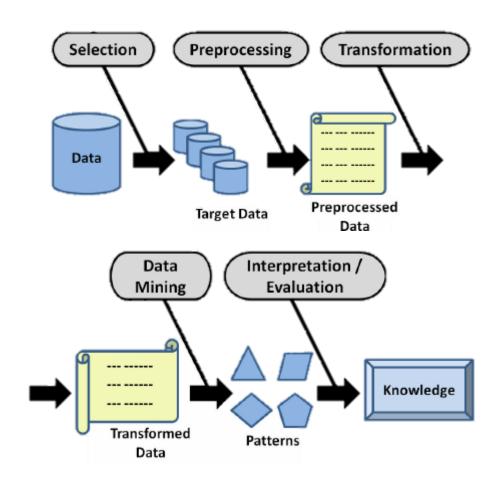




Paso 1.

COMPRENDER EL PROBLEMA Y ESTABLECER OBJETIVOS.

Es fundamental tener claros los límites y objetivos que pretendemos. En este paso, se reúne toda la información más importante a utilizar.

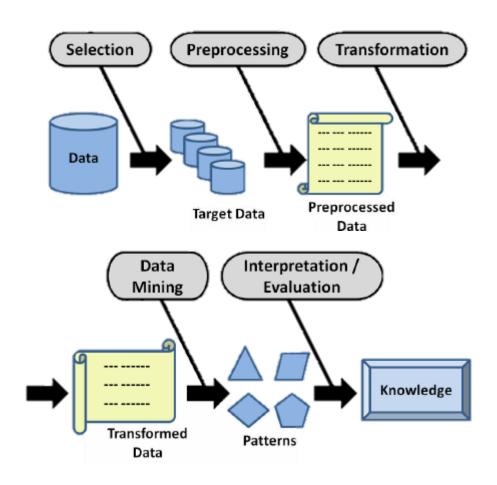




Paso 2.

CREAR UN SET DE DATOS OBJETIVO.

Una vez establecido el problema, debemos determinar cuál es la variable objetivo. Los datos pueden existir en bases de datos, documentos, imágenes, etc. Debemos homogeneizar los formatos para poder procesarlos y analizarlos.



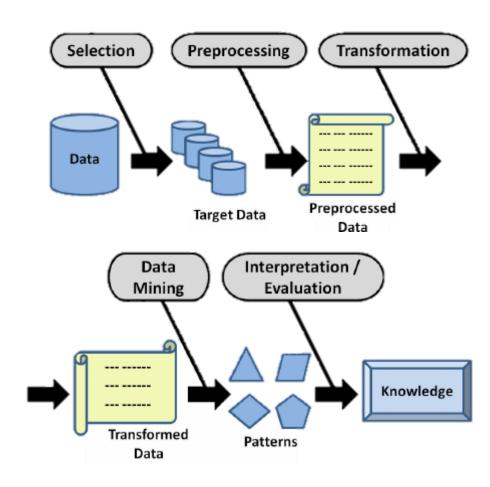


Paso 3.

PREPROCESAMIENTO Y LIMPIEZA DE DATOS.

- Eliminación de ruido y datos aislados o outliers.
- Eliminar inconsistencias y duplicados.
- Imputar información faltante.

El preprocesamiento y limpieza tiene como objetivo mejorar la calidad de los datos y los resultados de la minería.



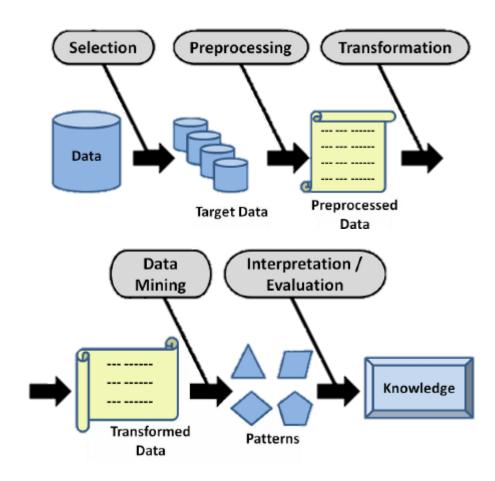


Paso 4.

MINERÍA DE DATOS

Haciendo uso de algoritmos, extraemos nueva información de nuestro set de datos. Pasos de la minería de datos:

- Seleccionar la tarea
- Seleccionar el algoritmo/algoritmos a utilizar
- Usar nuestros algoritmos

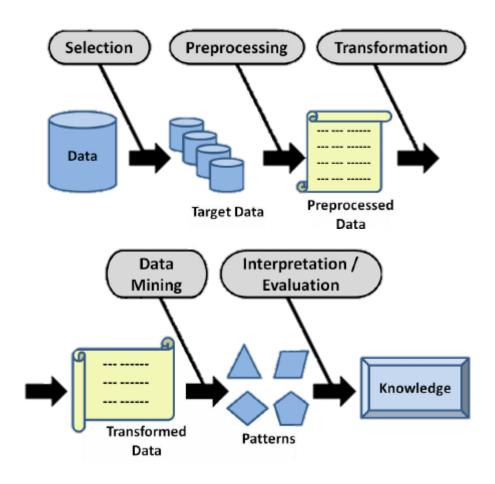




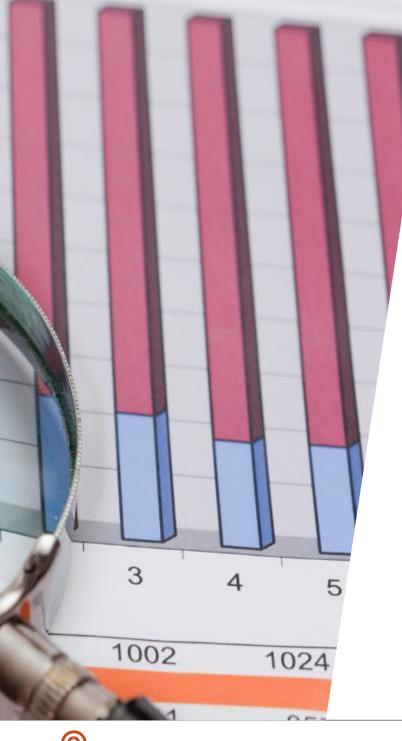
Paso 5.

INTERPRETACIÓN DE LOS PATRONES

Esta etapa consiste en la interpretación de los resultados obtenidos; así como la exposición de manera clara de éstos para que sean entendibles. Es muy habitual el uso de técnicas de visualización.









Problemas que pueden presentar los datos

- Incompletos: atributos que carecen de valores, atributos sin interés... (missing values).
- Ruidosos: contienen errores o "outliers".
- Inconsistentes: discrepancias en códigos o nombres.
- Tamaño excesivo: filas y/o columnas.

Sin datos de calidad, no hay calidad en los resultados



Limpieza de datos

La **limpieza de datos** es el conjunto de operaciones que:

- Corrigen datos erróneos.
- Filtran datos incorrectos.
- Reducen un innecesario nivel de detalle.
- Detectan y resuelven discrepancias.

El proceso de limpieza de datos incluye la validación y corrección de datos, para obtener datos de calidad.

La **calidad de los datos** se consigue cuando se cumplen:

- Integridad: deben cumplir requisitos de entereza y validez.
- Consistencia: corrección de contradicciones.
- **Uniformidad**: relacionado con las irregularidades.
- Densidad: valores omitidos sobre el número de valores totales.
- **Unicidad**: no tener duplicados ni registros inconsistentes.





Transformación de datos

La **discretización** es el proceso por el cual, se convierten variables continuas en variables categóricas.

Al realizar esta transformación, se pierde información. Sin embargo, hay **algoritmos** (por ejemplo, algoritmos de clasificación) que **necesitan** que los datos de entrada sean **variables categóricas**.

Esto hace que **los datos sean más fáciles de estudiar y analizar**, y **mejora la eficiencia** de las tareas que queramos realizar con ellos.



Normalización de datos

La **normalización** trata de conseguir que todas las variables estén expresadas en una escala similar, para que todas ellas tengan un peso comparable.

Algunos ejemplos habituales:

Normalización Z-score

$$z = \frac{x - \bar{x}}{s}$$

Normalización Min-Max

$$x = \frac{x - x_{min}}{x_{max} - x_{min}}$$

Los datos serán estandarizados siguiendo una distribución Normal(0,1), donde

- media = 0
- desviación típica = 1

Los datos serán escalados en un rango fijo, normalmente entre 0-1.

Missing values

Un **missing value** (valor faltante, perdido o desconocido) es un atributo que no está almacenado. En la librería Pandas de Python, se representan como None y Nan (acrónimo de Not a Number, valor especial de punto flotante).

Tratamiento de missing values

- Eliminar filas, cuando la mayoría de los atributos de cierta observación son missing values.
- Eliminar columnas, cuando el atributo no representa valores para la mayoría de las observaciones.
- Imputar su valor, en situaciones intermedias, cuando sea necesario.
 - Lo más habitual a la hora de imputar missing values es rellenarlo según alguna medida de resumen (media, moda, mediana...), lo que puede presentar problemas:
 - Reduce la dispersión del atributo.
 - Se utiliza menos información de la disponible.



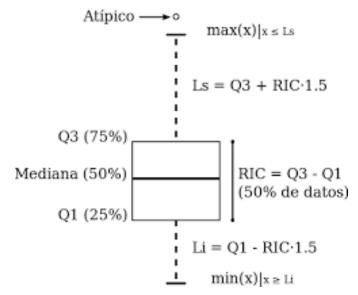
Outliers

Barnet y Lewis (1994) definen **outlier** o valor atípico en un conjunto de datos como una observación (o conjunto de observaciones) que parecen ser inconsistentes con ese conjunto de datos.

Outliers no es igual a error. Los valores atípicos deben ser detectados. Su inclusión o no en el análisis depende del estadístico.

Gráficamente, podemos usar el diagrama de cajas y bigotes de Tuckey, conocido

como box-plot.





Preprocesamiento de datos

Acciones sobre outliers

- Ignorar: algunos algoritmos son robustos a outliers.
- Filtrar, eliminar o reemplazar la columna.
- Filtrar la fila: sesga los datos.
- Reemplazar el valor: se debe analizar cuál es el método más adecuado, pudiendo reemplazar por un valor "nulo", máximo, mínimo, media... e incluso, se puede predecir utilizando alguna técnica de Machine Learning.
- Discretizar.



Ejemplo en Python



IntroduccionDS_PreprocesadoInformacion.ipnyb





Modelos de Machine Learning



Modelos de Machine Learning

Aprendizaje supervisado y no supervisado

APRENDIZAJE SUPERVISADO

Para cada una de las observaciones de las variables explicativas, tenemos una variable respuesta.

El objetivo es predecir la respuesta de futuras observaciones (predicción) o de comprender mejor la relación entre la variable respuesta y las variables predictivas (inferencia).

El aprendizaje supervisado busca patrones en datos históricos relacionando todos los campos con un campo objetivo.

- **Regresión**: trata de predecir un número.
- Clasificación: trata de predecir uno categoría.

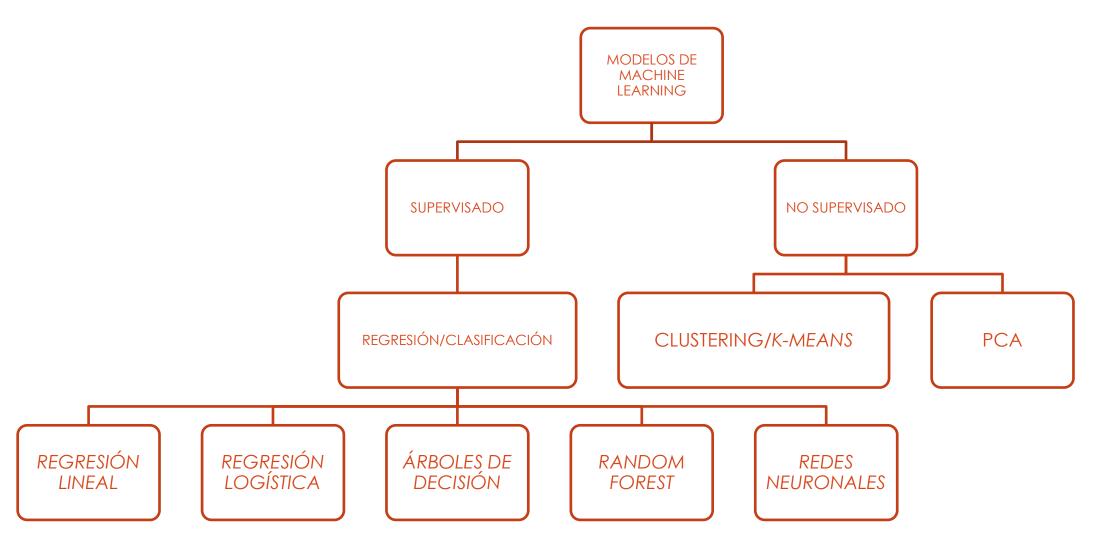
APRENDIZAJE NO SUPERVISADO

Para cada observación, tenemos un vector de medidas que no lleva asociada una respuesta.

No tenemos una variable que predecir, ni que pueda supervisar nuestro análisis. El objetivo es entender los datos y organizarlos en grupos.



Modelos de Machine Learning



Y... ¡muchos más!

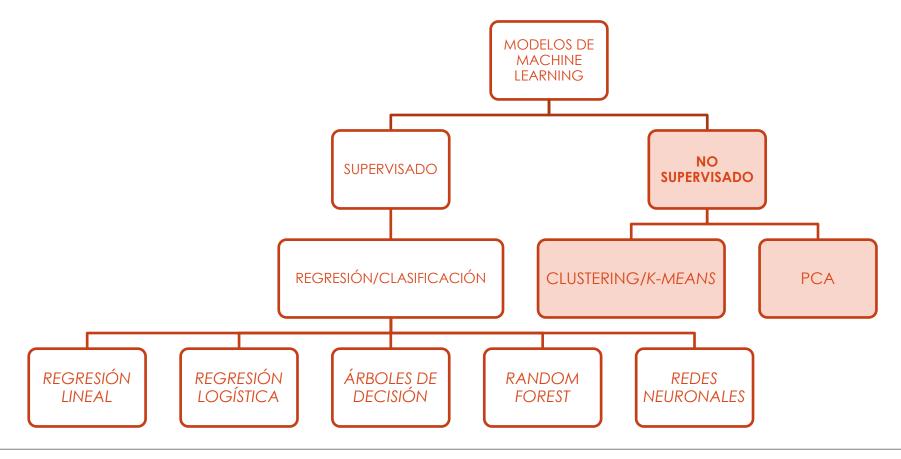






Para cada observación, tenemos un vector de medidas que no lleva asociada una respuesta.

No tenemos una variable que predecir, ni que pueda supervisar nuestro análisis. El objetivo es entender los datos y organizarlos en grupos.







Aprendizaje no supervisado-Análisis de Componentes Principales



Análisis de Componentes Principales (PCA)

El Análisis de Componentes Principales fue introducido por primera vez por **Pearson** en **1901** y desarrollado por **Hotelling** en **1933** como método descriptivo de simplificación o reducción de la dimensión de un conjunto de datos con la menor pérdida de información posible.

El **objetivo** es la reducción de la dimensión de las variables observadas encontrando combinaciones lineales de las variables que tienen varianza máxima y no están correlacionadas entre sí.

Cuando las variables originales se encuentran muy correlacionadas entre sí, la mayor parte de su variabilidad puede explicarse con muy pocas componentes. Si las variables originales son incorreladas entre sí, el análisis de componentes principales carece de interés ya que las componentes principales coincidirán con las variables principales.



Obtención de las Componentes Principales

Sea X la matriz de datos, se desea obtener un conjunto de variables incorreladas $z_1, ..., z_p$ (donde p es el rango de X), y combinaciones lineales de las variables originales $x_1,...,x_p$.

$$z_{j} = a_{j1}x_{1} + a_{j2}x_{2} + ... + a_{jp}x_{p}$$

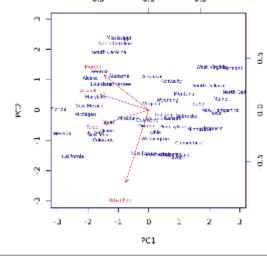
 $var(z_{j}) = var(a_{j}x) = a_{j}^{T}Sa_{j}$

donde S es la matriz de varianzas covarianzas de las variables originales

Buscamos encontrar la primera componente principal, z₁, que maximice la varianza, de

forma que a₁ esté normalizado, es decir:

Máx var(
$$z_1$$
) sujeto $a_1'a_1 = 1$



Obtención de las Componentes Principales

Sea una muestra con n individuos, cada uno con p variables ($X_1, X_2, ..., X_p$). PCA permite encontrar un número de factores (z < p) que expliquen aproximadamente lo mismo que las p variables originales. Cada una de las z nuevas variables se llaman **componente principal**.

Dado un set de datos, el proceso a seguir para calcular la primera componente principal (Z_1) es:

- Centrar las variables: se resta a cada valor la media de la variable. Con esto se consigue que todas las variables tengan media cero.
- Se resuelve el problema de optimización para encontrar los valores que maximizan la varianza. Para resolver esta optimización, se calculan autovalores y autovectores mediante la matriz de covarianzas.

Una vez calculada la primera componente (Z_1), se calcula la segunda (Z_2) repitiendo el mismo proceso, añadiendo la condición de que la combinación lineal no esté correlacionada con la primera componente, es decir, que Z_1 y Z_2 sean perpendiculares. Se repite el proceso de forma iterativa. El orden de las componentes viene dado por el autovalor asociado a cada autovector.



Componentes Principales en Python

Para calcular PCA en Python, podemos usar la librería sklearn (documentación)

```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.decomposition import PCA
>>> X = np.array([[-1, -1], [-2, -1], [-3, -2], [1, 1], [2, 1], [3, 2]])
>>> pca = PCA(n_components=2)
>>> pca.fit(X)
PCA(n_components=2)
>>> print(pca.explained_variance_ratio_)
[0.9924... 0.0075...]
```



Componentes Principales en Python

Para calcular PCA en Python, podemos usar la librería sklearn (documentación)

```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.decomposition import PCA
>>> X = np.array([[-1, -1], [-2, -1], [-3, -2], [1, 1], [2, 1], [3, 2]])
>>> pca = PCA(n_components=2)
>>> pca.fit(X)
PCA(n_components=2)
>>> print(pca.explained_variance_ratio_)
[0.9924... 0.0075...]
```

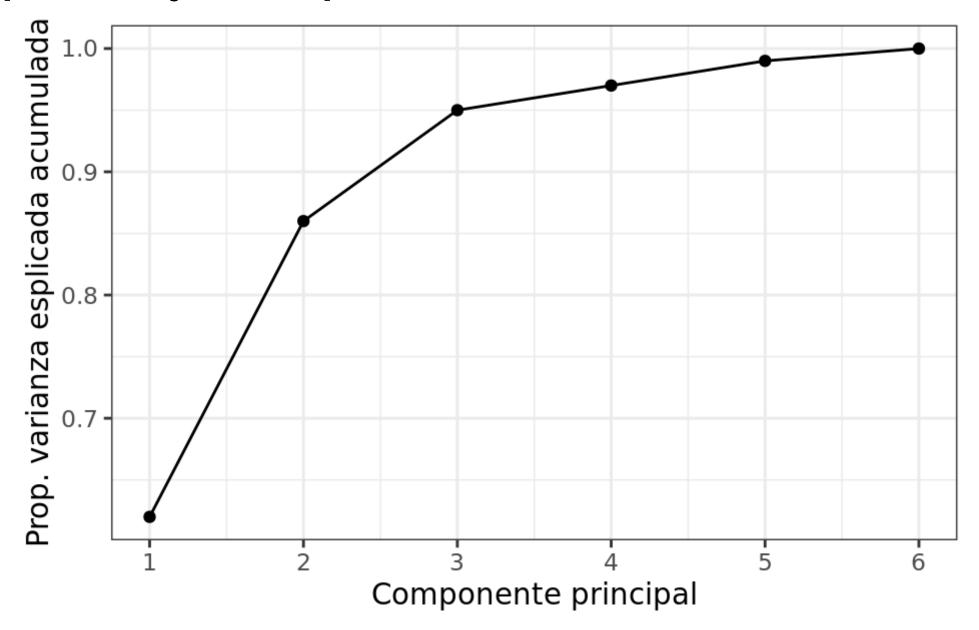


Componentes Principales en Python

Para calcular PCA en Python, podemos usar la librería sklearn (documentación)

```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.decomposition import PCA
>>> X = np.array([[-1, -1], [-2, -1], [-3, -2], [1, 1], [2, 1], [3, 2]])
>>> pca = PCA(n_components=2)
>>> prant(pca_explained_variance_ratio)
[0.9924... 0.0075...]
Porcentaje
de varianza
explicada
para cada
componente
principal.
```







Ejemplo en Python



IntroduccionDS_PCA.ipnyb





Aprendizaje no supervisado-Clustering



Clustering

El objetivo del clustering es agrupar los elementos en bloques homogéneos en función de las similitudes entre ellos. Siendo G el número de grupos y p el número de variables, se quiere conseguir:

• Minimizar la varianza dentro de cada grupo.

$$WSS = \sum_{i=1}^{n_g} \sum_{j=1}^{p} (x_{ij} - \bar{x}_j)^2$$

WSS: Within Cluster Sum of Square

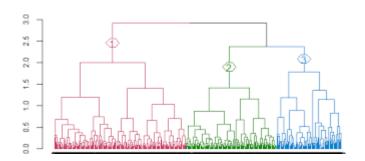
Maximizar la varianza entre grupos

Intercluster dissimilarity (distance) =
$$\sum_{g=1}^{G} \sum_{j=1}^{p} (\bar{x}_{gj} - \bar{x}_{j})^{2}$$

Clustering – algoritmos de clasificación

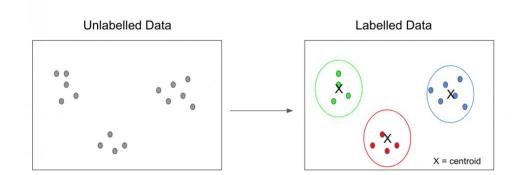
Métodos jerárquicos

Durante su aplicación se construye una jerarquía representable a través de dendrogramas.



Métodos de partición

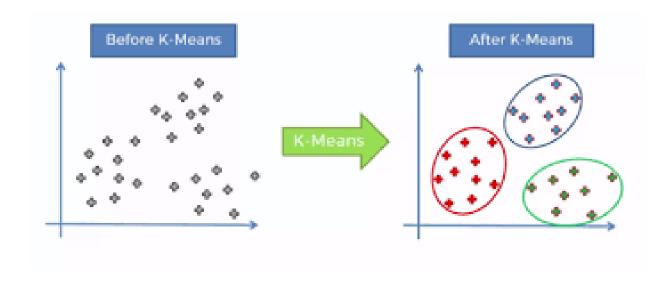
Dividen las observaciones en un número de grupos pre-especificado.





Clustering – k-means

Algoritmo que asigna aleatoriamente a cada observación uno de los K grupos. Calcula las K medias de cada muestra (centroide) de las observaciones de cada grupo.



http://shabal.in/visuals/kmeans/2.html



Clustering en Python

Para calcular k-means en Python, podemos usar la librería sklearn (<u>Documentación</u>)



Clustering en Python

Para calcular k-means en Python, podemos usar la librería sklearn (<u>Documentación</u>)

```
>>> from sklearn.cluster import KMeans
>>> import numpy as np
>>> X = np.array([[1, 2], [1, 4], [1, 0],
                 [10, 2], [10, 4], [10, 0]])
                                                                 Obtener etiquetas,
>>> kmeans = KMeans(n clusters=2, random state=0).fit(X)
                                                                 a qué cluster
>>> kmeans labels
array([1, 1, 1, 0, 0, 0], dtype=int32)
                                                                 pertenece cada
>>> kmeans.predict([[0, 0], [12, 3]])
                                                                 observación.
array([1, 0], dtype=int32)
>>> kmeans.cluster centers
array([[10., 2.],
       [ 1., 2.]])
```



Clustering en Python

Para calcular k-means en Python, podemos usar la librería sklearn (<u>Documentación</u>)

```
>>> from sklearn.cluster import KMeans
>>> import numpy as np
>>> X = np.array([[1, 2], [1, 4], [1, 0],
                 [10, 2], [10, 4], [10, 0]])
>>> kmeans = KMeans(n clusters=2, random state=0).fit(X)
>>> kmeans.labels
array([1, 1, 1, 0, 0, 0], dtype=int32)
>>> kmeans.predict([[0, 0], [12, 3]])
                                                                    Centroides
                                                                                   de
array([1, 0], dtype=int32)
                                                                    cada uno
>>> kmeans cluster_centers
                                                                    los clusters.
array([[10., 2.],
       [ 1., 2.]])
```



Ejemplo en Python



IntroduccionDS_Clustering.ipnyb







Para cada una de las observaciones de las variables explicativas, tenemos una variable respuesta.

El objetivo es predecir la respuesta de futuras observaciones (predicción) o de comprender mejor la relación entre la variable respuesta y las variables predictivas (inferencia). El aprendizaje supervisado busca patrones en datos históricos relacionando todos los campos con un campo objetivo.







Aprendizaje supervisado Regresión lineal



Regresión Lineal

El modelo de **regresión lineal** es una de las formas más sencillas de estimar nuestra variable Y a partir de los predictores. La regresión lineal resuelve un problema de **regresión**.

Asumimos que existe una relación: $Y \approx \beta_0 + \beta_1 X$

A partir de los datos disponibles estimaremos los **coeficientes** $\hat{\beta}_0$ y $\hat{\beta}_1$, obteniendo como función h:

$$Y \approx \hat{Y} = h(X) = \hat{\beta}_0 + \hat{\beta}_1 X$$



Regresión Lineal

Para calcular la recta de regresión usaremos el método de **mínimos cuadrados**. Para ello, definimos el **residuo** como:

$$e_i = y_i - (\beta_0 + \beta_1 x_i)$$

Tendremos el error cuadrático medio como:

$$MSE = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} e_i^2$$

Para minimizar este error, los coeficientes deben ser:

$$\hat{\beta}_1 = \frac{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})(y_i - \bar{y})}{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})^2}$$

$$\hat{\beta}_0 = \bar{y} - \hat{\beta}_1 \bar{x}$$



Regresión Lineal

Para medir la precisión entre los coeficientes $\hat{\beta}_0$ y $\hat{\beta}_1$, debemos asumir la existencia de una relación lineal entre X y Y verificando:

$$Y = \beta_0 + \beta_1 X + \varepsilon$$
, $\varepsilon \sim N(0, \sigma^2)$, $\varepsilon \perp X$

Nos referimos a la expresión anterior como

$$SE(\hat{\beta}_0)^2 = \sigma^2 \left[\frac{1}{n} + \frac{\bar{x}^2}{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x}^2)} \right], SE(\hat{\beta}_1)^2 = \frac{\sigma^2}{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})^2}$$

En estos casos, se estima el error residual estándar como:

$$\sigma \approx RSE = \sqrt{\frac{1}{n-2} \sum_{i=1}^{n} e_i^2}$$

66

Regresión Lineal

Las expresiones anteriores permiten calcular **intervalos de confianza** y realizar contrastes de hipótesis relativos a los coeficientes del modelo, ya que:

$$\frac{\widehat{\beta}_j - \beta_j}{SE(\widehat{\beta}_j)} \sim t_{n-2}, \ j = 0, 1$$

Esto nos permite contrastar si la respuesta está significativamente influida por alguna variable, mediante el contraste con hipótesis nula: H_0 : $\beta_0 = 0$

Regresión Lineal

La medida más utilizada para la bondad es la **raíz cuadrada del error cuadrático medio**:

$$RMSE = \sqrt{\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (y_i - \hat{y}_i)^2} = \sqrt{\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{2} e_i^2}$$

Otra alternativa muy utilizada es el estadístico R^2 que se define como:

$$R^{2} = \frac{\sum_{i=1}^{n} (y_{i} - \bar{y})^{2} - \sum_{i=1}^{n} (y_{i} - \hat{y})^{2}}{\sum_{i=1}^{n} (y_{i} - \bar{y})^{2}}$$

Que representa la proporción de variabilidad de la variable respuesta que queda explicada por el modelo.

Regresión Lineal en Python

```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.linear_model import LinearRegression
>>> X = np.array([[1, 1], [1, 2], [2, 2], [2, 3]])
>>> y = np.dot(X, np.array([1, 2])) + 3
>>> reg = LinearRegression().fit(X, y)
>>> reg.coef_
array([1., 2.])
>>> reg.intercept_
3.0...
>>> reg.predict(np.array([[3, 5]]))
array([16.])
```



Regresión Lineal en Python

```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.linear_model import LinearRegression
>>> X = np.array([[1, 1], [1, 2], [2, 2], [2, 3]])
>>> y = np.dot(X, np.array([1, 2])) + 3
>>> reg = LinearRegression().fit(X, y)
>>> reg.coef_
array([1., 2.])
>>> reg.intercept_
3.0...
>>> reg.predict(np.array([[3, 5]]))
array([16.])
```



Regresión Lineal en Python

```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.linear_model import LinearRegression
>>> X = np.array([[1, 1], [1, 2], [2, 2], [2, 3]])
>>> y = np.dot(X, np.array([1, 2])) + 3
>>> reg = LinearRegression().fit(X, y)
>>> reg coef_
array([1., 2.])
>>> reg.intercept_
3.0...
>>> reg.predict(np.array([[3, 5]]))
array([16.])
Coeficientes
de la recta de regresión
```



Regresión Lineal en Python

```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.linear_model import LinearRegression
>>> X = np.array([[1, 1], [1, 2], [2, 2], [2, 3]])
>>> y = np.dot(X, np.array([1, 2])) + 3
>>> reg = LinearRegression().fit(X, y)
>>> reg.coef_
array([1., 2.])
>>> reg Intercept
3.0...
>>> reg.predict(np.array([[3, 5]]))
array([16.])
Término
independiente
de la recta de
regresión.
```



Ejemplo en Python



IntroduccionDS_RegresionLineal.ipnyb





Aprendizaje supervisado Regresión logística



Regresión Logística

El modelo de **regresión logística** resuelve un problema de **clasificación**, ya que ahora nuestra variable respuesta es cualitativa (categórica).

Si la variable dependiente tiene dos categorías, se trata de un modelo de regresión logística **binaria**, mientras que, si tiene más de dos categorías, será un modelo **multinomial**.

El modelo de regresión logística es:

$$\Pr(y = 1|x) = \frac{\exp(b_0 + \sum_{i=1}^n b_i x_i)}{1 + \exp(b_0 + \sum_{i=1}^n b_i x_i)}$$

donde, $Pr(y=1 \mid x)$ es la probabilidad de que y tome el valor 1 dados los valores de las covariables $X = (x_1, x_2, ..., x_n)$, b_0 es la constante del modelo y b_i los pesos asociados a cada una de las covariable x_i .

Regresión Logística

El modelo de **regresión logística** resuelve un problema de **clasificación**, ya que ahora nuestra variable respuesta es cualitativa (categórica).

Si la variable der logística **binaria**, **multinomial**.

El modelo de regr

donde, $Pr(y=1 \mid x)$

modelo de regresión ías, será un modelo

ados los valores de las

covariables $X = (x_1, x_2, ..., x_n)$, b_0 es la constante del modelo y b_i los pesos asociados a cada una de las covariable x_i .



Regresión Logística

Dividiendo la expresión anterior por su complementario, obtenemos Odds. La expresión es más manejable:

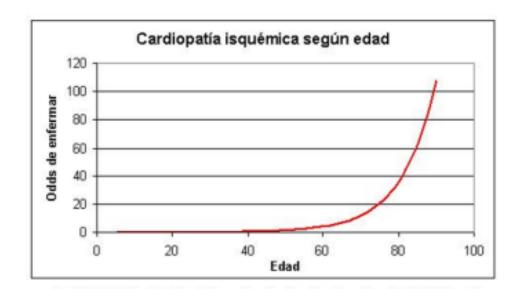
$$\frac{\Pr(y=1|x)}{1-\Pr(y=1|x)} = \exp(b_0 + \sum_{i=1}^{n} b_i x_i)$$



Regresión Logística

Dividiendo la expresión anterior por su complementario, obtenemos Odds. La expresión es más manejable:

$$\frac{\Pr(y=1|x)}{1-\Pr(y=1|x)} = \exp(b_0 + \sum_{i=1}^{n} b_i x_i)$$



Regresión Logística

Dividiendo la expresión anterior por su complementario, obtenemos Odds. La expresión es más manejable:

$$\frac{\Pr(y=1|x)}{1-\Pr(y=1|x)} = \exp(b_0 + \sum_{i=1}^{n} b_i x_i)$$

Aplicando el logaritmo, se obtiene una ecuación lineal, que corresponde al logaritmo de la razón de proporciones:

$$\log\left(\frac{\Pr(y=1|x)}{1-\Pr(y=1|x)}\right) = b_0 + \sum_{i=1}^n b_i x_i \Rightarrow \log\left(\frac{p_i}{1-p_i}\right) = \beta_0 + \beta_i x_i$$

Regresión Logística

Dividiendo la expresió es más manejable:

Cardiopatía isquémica según edad Log (odds de enfermar) 20 80 Edad

os Odds. La expresión

esponde al logaritmo

$$\log\left(\frac{\Pr(y=1|x)}{1-\Pr(y=1|x)}\right) = b_0 + \sum_{i=1}^n b_i x_i \Rightarrow \log\left(\frac{p_i}{1-p_i}\right) = \beta_0 + \beta_i x_i$$

Regresión Logística en Python

Para calcular un modelo de regresión lineal en Python, podemos usar la librería sklearn (<u>Documentación</u>)



Regresión Logística en Python

Para calcular un modelo de regresión lineal en Python, podemos usar la librería sklearn (<u>Documentación</u>)



Regresión Logística en Python

Para calcular un modelo de regresión lineal en Python, podemos usar la librería sklearn (<u>Documentación</u>)



Ejemplo en Python



IntroduccionDS_RegresionLogistica.ipnyb





Aprendizaje supervisado Árboles de decisión



Árboles de decisión

Los árboles de decisión resuelven problemas de **regresión** y de **clasificación** haciendo uso de un conjunto de reglas de división utilizadas para segmentar el espacio de las variables predictoras.

Ventajas:

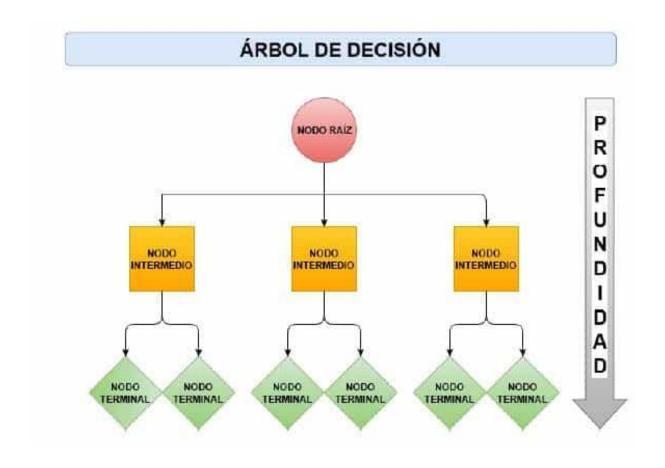
- Trasparencia: fácil de interpretar.
- Portabilidad: las pautas que se extraen del camino a una hoja del árbol se expresan fácilmente en distintos formatos.
- Modelización: pueden utilizar tanto variables continuas como categóricas.

Desventajas:

• Se debe utilizar un gran volumen de datos para asegurarnos que la cantidad de casos en un nodo terminal es significativa.



Árboles de decisión - terminología

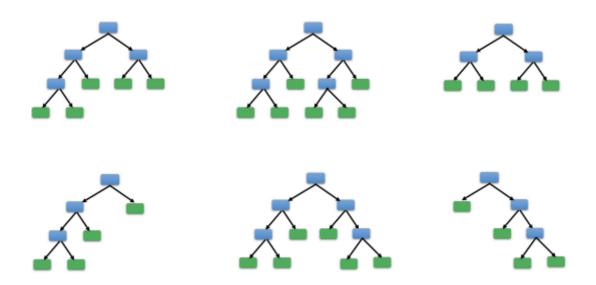




Árboles de decisión

¿Cómo mejorar los resultados en árboles de decisión?

- Prepoda: decidimos cuándo queremos parar de construir el árbol.
- **Poda**: dejamos crecer el árbol, detectamos qué ramas generan overfitting y las eliminamos.
- Bagging: en lugar de ajustar un único árbol, se ajustan mucho en paralelo formando un "bosque". Como valor se toma la media de las predicciones (variables continuas) o la clase más frecuente (variables cualitativas). Uno de los métodos de bagging más conocidos es Random Forest.





Árboles de decisión en Python

Trabajar con árboles de decisión en Python, podemos usar la librería sklearn (<u>Documentación</u>)

```
>>> from sklearn import tree
>>> X = [[0, 0], [1, 1]]
>>> Y = [0, 1]
>>> clf = tree.DecisionTreeClassifier()
>>> clf = clf.fit(X, Y)
```



Árboles de decisión en Python

Trabajar con árboles de decisión en Python, podemos usar la librería sklearn (<u>Documentación</u>)

```
>>> from sklearn import tree
>>> X = [[0, 0], [1, 1]]
>>> Y = [0, 1]
>>> clf = tree DecisionTreeClassifier()
>>> clf = clf.fit(X, Y)
```

Si buscamos un árbol de regresión, utilizamos la función DecisionTreeRegressor



Ejemplo en Python



IntroduccionDS_ArbolesDecision.ipnyb





Aprendizaje supervisado Redes Neuronales

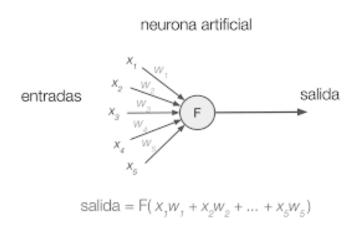


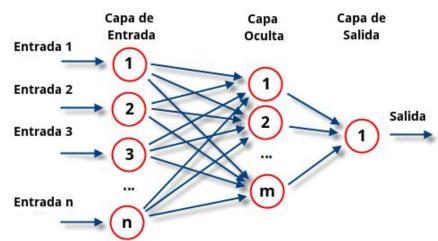
Redes Neuronales

Las redes neuronales forman parte del campo de la Inteligencia Artificial. Se inventaron en los años 60, pero no se usaron hasta más adelante debido a la capacidad limitada que tenían los ordenadores.

Durante los años 80, Geoffrey Hinton, investigó sobre el concepto Deep Learning investigando el cerebro humano e inspirándose en él para intentar reproducir de forma informática su comportamiento.

Por tanto, las neuronas artificiales se modelan imitando el comportamiento de una neurona cerebral.



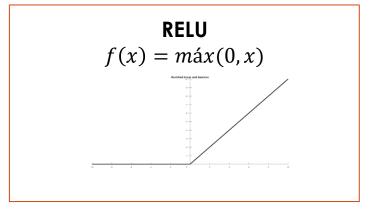


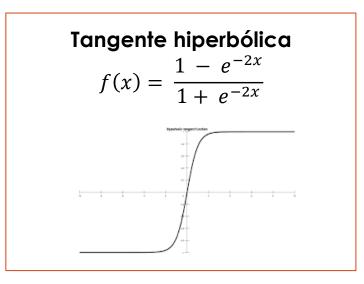


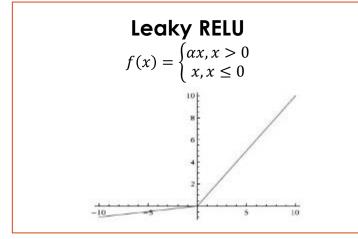
Redes Neuronales – funciones de activación

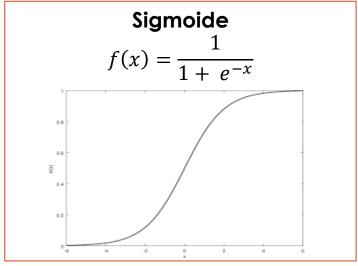
Las funciones de activación son la manera de transmitir la información por las

conexiones de salida.









Redes Neuronales en Python

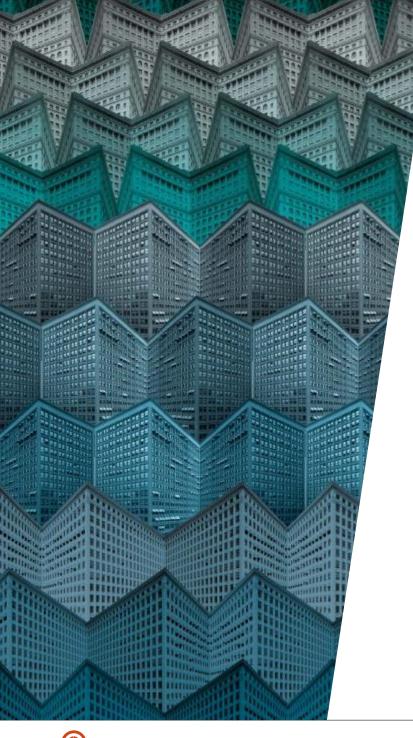






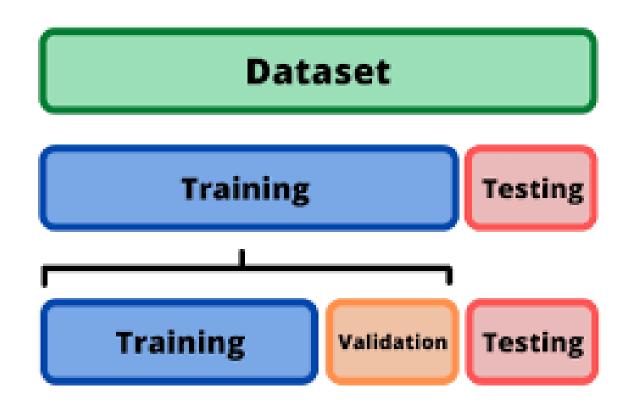






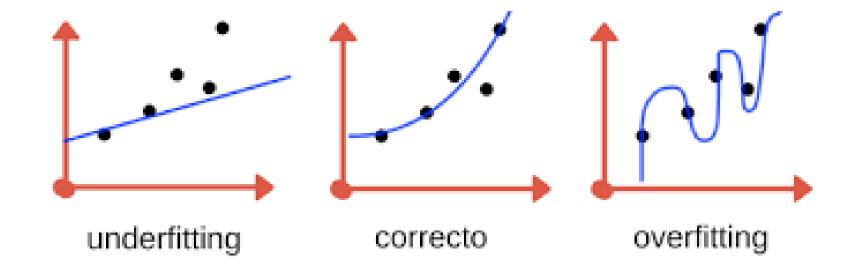


Separación train-test-validación



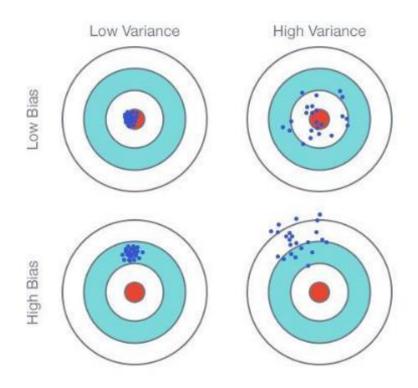


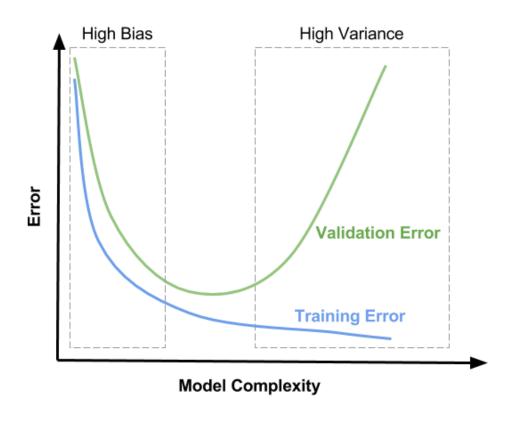
Overfitting vs underfitting





Sesgo y varianza







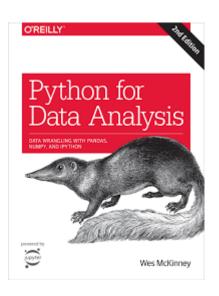


Referencias

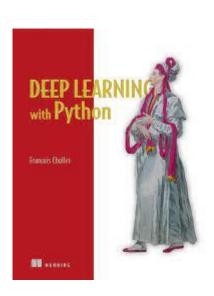


Referencias

- Documentación oficial de Python: https://docs.python.org/3/
- Python for Data Analysis.
- Hands-on Machine Learning with Scikit-Learn, Keras & TensorFlow.
- Deep Leaning with Python











© 2022 Afi Escuela. Todos los derechos reservados.