# Introducción a la simulación de datos en Psicología

II Jornada de Metodología Cuantitativa en Psicología - AMP

Brian Norman Peña Calero

Avances en Medición Psicológica

16/10/2020

# Acerca de esta presentación



Las diapositivas fueron expuestas en la II Jornada de Metodología Cuantitativa en Psicología organizada por Avances en Medición Psicológica.

El video de la ponencia pueden encontrarlo dándole click en el siguiente enlace: https://www.facebook.com/amp.unmsm/videos/364404511344708/

Las diapositivas fueron elaboradas mediante el paquete xaringan en R 4.0.2. Para una óptima visualización del mismo, recomiendo ir al siguiente enlace: <a href="https://brianmsm.github.io/jornada-amp-simulacion/">https://brianmsm.github.io/jornada-amp-simulacion/</a>, además que podrá siempre tener la versión actualizada de la misma.

El código fuente está disponible en el siguiente enlace: <a href="https://github.com/brianmsm/jornada-amp-simulacion">https://github.com/brianmsm/jornada-amp-simulacion</a>.

# Método Montecarlo



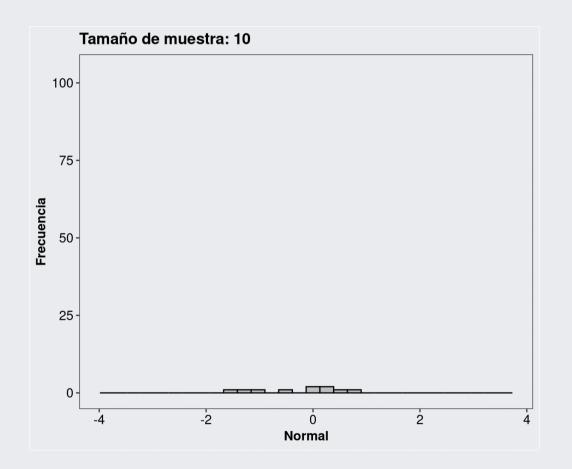
Es el uso de procesos aleatorios para cuantificar y estudiar distribuciones aleatorias, y a partir de ello analizar y comparar procedimientos estadísticos así como comportamientos de datos en sistemas más complejos (Gentle, 2005).



### Para ello necesitamos:



- Software para simulación
- Obtener aleatoriamente datos
- Distribución o fórmula subyacente a esa intención
- Condiciones
- Replicaciones
- Evaluación



#### Software simulación



Existen diversos softwares de costo para realizar simulación de datos (**goldsim**, **xlstat**, **vose**, etc.), sin embargo tienen la limitación de restringirse a funciones y soluciones específicas de determinado sector de interés. Por ej. riesgos financieros.

A fin de tener control total acerca de lo que se hará con los datos, condiciones y formas de evaluarlo, es recomendable utilizar un lenguaje de programación, entre los cuales puede estar C, C++, Ruby, Python, R, etc.

Aunque R, es el lenguaje *más lento* entre los mencionados, es el más difundido en cuanto a análisis de datos (en un sentido similar con python) y de fácil entendimiento.

#### Aleatoriedad de datos



Generar un número aleatorio es extremadamente complejo, y conlleva una serie de dificultades y requisitos que no solo se restrinjen al software (Park and Miller, 1988), sino también al hardware.

Lo que obtenemos en el software son números pseudo-aleatorios puesto que parten de un mismo puerto (semilla) pre-determinada para generarse.

```
round(runif(n = 2, min = 1, max = 5), 1) # Pri
## [1] 2.7 2.7

round(runif(n = 2, min = 1, max = 5), 1) # Seg
## [1] 1.1 2.5
```

```
set.seed(123) # Establecer semilla
round(runif(n = 2, min = 1, max = 5), 1) # Pr:
## [1] 2.2 4.2

set.seed(123)
round(runif(n = 2, min = 1, max = 5), 1) # Seg
## [1] 2.2 4.2
```

## Distribución o fórmula subyacente



#### Función de densidad para

$$X \sim \mathcal{N}(\mu,\,\sigma^2)$$
 .

$$P(x) = \frac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{-(x-\mu)^2/2\sigma^2}$$

#### Función de distribución para

$$X \sim \mathcal{N}(\mu,\,\sigma^2)$$
 .

$$F(x) = P(X \le x)$$

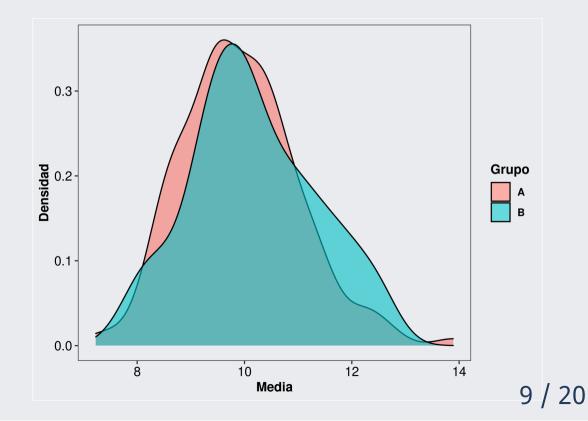
```
x < - seq(-3, 3, 1)
dens_norm < -dnorm(x, mean = 0, sd = 1)
dens norm
## [1] 0.004431848 0.053990967 0.241970725 0.3989422
pnorm(3, mean = 0, sd = 1)
## [1] 0.9986501
pnorm(1.96, mean = 0, sd = 1)
## [1] 0.9750021
qnorm(0.975, mean = 0, sd = 1)
## [1] 1.959964
```

### Distribución o fórmula subyacente



Con la función rnorm() se pueden generar números pseudo-aleatorios provenientes de una distribución normal. En base a esto se pueden realizar algunos ensayos.

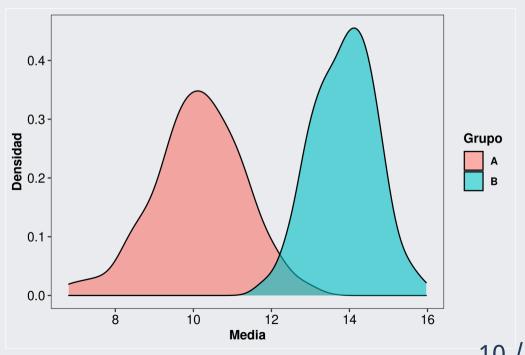
```
library(tidyverse)
set.seed(123)
dist normal <- tibble(Media = rnorm(n = 300,</pre>
                                        mean = 10,
                                        sd = 1.2)
grupo_a <- dist_normal %>%
  sample frac(size = 0.5)
grupo b <- dist normal %>%
  anti join(grupo a)
dist_normal <- bind_rows(grupo_a,</pre>
                            grupo b) %>%
  mutate(
    Grupo = c(rep("A", 150),
rep("B", 150))
```



### Distribución o fórmula subyacente



Ahora, el ensayo tiene la misma intención pero generando datos aleatorios desde 2 distribuciones distintas. Esto es lo que estaría evaluándose bajo la hipótesis de que *hay diferencia de medias en 2 grupos*, que en esencia indica que los grupos provienen de distribuciones distintas.



#### **Condiciones**



Las condiciones son uno de los componentes claves en el desarrollo de un experimento de simulación Montecarlo, puesto que permite controlar que variables influirán en las evaluaciones y generación de datos que se realicen, y hasta que punto la simulación puede acercarse a condiciones realistas.

Algunas condiciones comunes y de utilidad son:

- Diferenciar tamaños de muestras
- Distribución no-normal de los datos
- Presencia de outliers
- Grupos desiguales
- Presencia de heterocedasticidad

#### **Condiciones**



Así, en caso haya 4 variaciones de tamaño de muestra, 3 grupos desiguales, y consideración de normalidad y no-normalidad, se tendría un diseño de 4x3x2 en la generación de los datos.

En ese sentido, si se generá un mínimo de 50 datos por condición, se podría estar trabajando con 3600 datos aproximadamente. Es común observar estudios de simulación que consideren más de 150 condiciones combinadas al mismo tiempo.

En estudios psicométricos, las condiciones pueden aumentar si se toma en cuenta la cantidad de ítems, carga factorial, cantidad de factores y fiabilidad en cada factor.

### Replicaciones



Las replicaciones permiten controlar problemas de error por la generación de números pseudo-aleatorios. Se trabaja bajo el supuesto de **tendencia**. Si 1 sola generación de datos indica que la prueba de shapìro-wilk no detecta adecuadamente la distribución normal de los datos, podría deberse a un error aleatorio.

Sin embargo, la cuestión cambia si se trata de 459 de 1000 veces que se hace la generación de datos exactamente en las mismas condiciones. Los números de replicaciones más comunes oscilan entre 500 y 1000. Por lo que, en el ejemplo anterior tenemos, 4x3x2x1000, lo que lleva al trabajo con 3 600 000 aproximadamente.

#### **Evaluación**



Posterior a la elaboración del diseño y la generación de datos aleatorios correctamente gestionados, se debe evaluar el objetivo del mismo:

- Comportamiento del estimador en diversas condiciones: RMSE y sesgo (Harwell, 2019)
- % de Error tipo I y II
- Potencia estadística presente

ARB = 
$$\left[\frac{1}{R}\sum_{i=1}^{R} \left(\frac{\hat{\theta}-\theta_{i}}{\theta}\right)\right] \times 100$$
,

RMSE(ARB) = 
$$\frac{1}{R} \sum_{i=1}^{R} \left( \frac{\hat{\theta}_i - \theta}{\theta} \right)^2$$

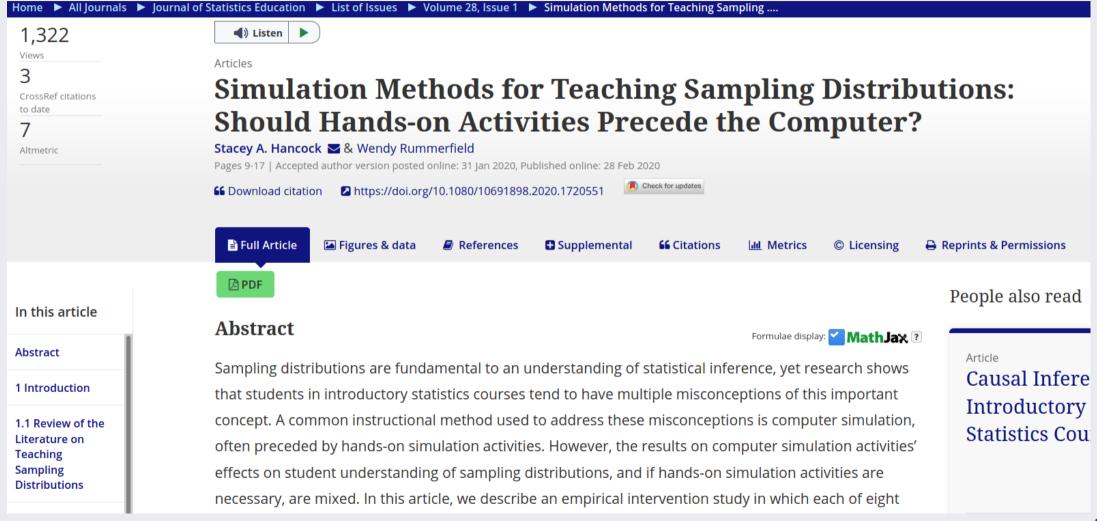
## **Aplicaciones:**



- Aprendizaje de estadística
- Investigación Metodológica
  - o Análisis del funcionamiento de estadísticos en investigación **empírica**. Ej:
    - Uso de t-student
    - Correlación de Pearson
  - Análisis del funcionamiento de estadísticos en investigación **psicométrica**. Ej:
    - Análisis factorial confirmatorio
    - Coeficiente omega y alfa
    - Índices de ajuste: CFI, TLI, RMSEA, SRMR
  - Funcionamiento de estadísticos en diferentes **condiciones**. Ej:
    - Tamaño de muestras distintos
    - Presencia de no-normalidad
    - Presencia de outliers
    - Data missing

#### Aprendizaje de estadística





### Investigación metodológica





## Investigación metodológica



#### **Abstract**

There is no shortage of recommendations regarding the appropriate sample size to use when conducting a factor analysis. Suggested minimums for sample size include from 3 to 20 times the number of variables and absolute ranges from 100 to over 1,000. For the most part, there is little empirical evidence to support these recommendations. This simulation study addressed minimum sample size requirements for 180 different population conditions that varied in the number of factors, the number of variables per factor, and the level of communality. Congruence coefficients were calculated to assess the agreement between population solutions and sample solutions generated from the various population conditions. Although

Fuente: Tandfonline

### Investigación metodológica



Journal of Statistical Modeling and Analytics

Vol.2 No.1, 21-33, 2011

#### Power comparisons of Shapiro-Wilk, Kolmogorov-Smirnov, Lilliefors and Anderson-Darling tests

Nornadiah Mohd Razali<sup>1</sup>
Yap Bee Wah<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Faculty of Computer and Mathematical Sciences,
Universiti Teknologi MARA, 40450 Shah Alam, Selangor, Malaysia
E-mail: nornadiah@tmsk.uitm.edu.my, yapbeewah@salam.uitm.edu.my

#### ABSTRACT

The importance of normal distribution is undeniable since it is an underlying assumption of many statistical procedures such as t-tests, linear regression analysis, discriminant analysis and Analysis of Variance (ANOVA). When the normality assumption is violated, interpretation and inferences may not be reliable or valid. The three common procedures in assessing whether a random sample of independent observations of size n come from a population with a normal distribution are: graphical methods (histograms, boxplots, Q-Q-plots), numerical methods (skewness and kurtosis indices) and formal normality tests. This paper\* compares the power of four formal tests of normality: Shapiro-Wilk (SW) test Péginagor (by-Shirn(13 (KS)) test. Lite (ors (-1)) test and Anderson-Darling (AD) test. Power comparisons of these four tests were obtained in Monte Carlo simulation of sample data generated

# ¡Gracias por su atención!