Análise de dados - COVID/ES

Leitura dos dados.

Inicialmente fazemos as leituras dos dados no R e fazemos alguns tratamentos iniciais.

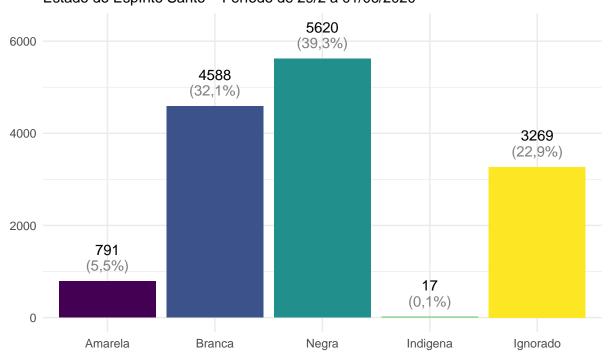
```
## carregando libaries
library(tidyverse)
## -- Attaching packages -----
                                                  ----- tidyverse 1.2.1 --
## v ggplot2 3.2.1
                     v purrr
                                0.3.3
## v tibble 2.1.3
                     v dplyr
                                0.8.3
## v tidyr
           0.8.3
                     v stringr 1.4.0
## v readr
           1.3.1
                      v forcats 0.4.0
## -- Conflicts ------ tidyverse_conflicts() --
## x dplyr::filter() masks stats::filter()
## x dplyr::lag()
                    masks stats::lag()
library(readxl)
library(janitor)
##
## Attaching package: 'janitor'
## The following objects are masked from 'package:stats':
##
      chisq.test, fisher.test
##
## lendo dados
dados <- read_excel(path = "microdados.xls", na = '-')</pre>
## limpando nome das variáveis
dados <- clean_names(dados) # a função clean_names() para primeiro ajuste dos nomes das variaveis
## Redefinindo todas variáveis como fatores
dados <- as.data.frame(unclass(dados))</pre>
## Deixando a variável data como classe 'Date'
dados <- dados %>%
 mutate(datas_info = as.Date(dados$data)) %>%
  mutate(data = as.Date(dados$data))
## Criando categoria Cor/Raça negra
dados$raca_cor <- fct_recode(dados$raca_cor,</pre>
                    Negra = "Parda",
                    Negra = "Preta")
## Reordenando casos
dados$raca_cor <- fct_relevel(dados$raca_cor, "Amarela", "Branca", "Negra",</pre>
                             "Indigena", "Ignorado")
## Criando variável indicadora se negro ou não
```

```
dados$negro <- fct_recode(dados$raca_cor,</pre>
                    Sim = "Negra",
                    Nao = "Amarela",
                    Nao = "Branca",
                    Nao = "Indigena",
                    Nao = "Ignorado")
## Mudando categorização da variável sexo
dados$sexo <- fct_recode(dados$sexo,</pre>
                         Masculino = "M",
                         Feminino = "F",
                         Ignorado = "I")
## Criando faixas etárias
dados$grupo_etario <- fct_recode(dados$faixa_etaria,</pre>
                         Jovens = "0 a 4 anos",
             Jovens = "05 a 9 anos",
             Jovens = "10 a 19 anos",
             Jovens = "20 a 29 anos",
             Adultos = "30 a 39 anos",
             Adultos = "40 a 49 anos",
             Adultos = "50 a 59 anos",
             Idosos = "60 a 69 anos",
             Idosos = "70 a 79 anos",
             Idosos = "80 a 89 anos",
             Idosos = "90 anos ou mais")
## Deixando a base de dados somente brancxs e negrxs
#dados <- dados %>%
# filter(raca_cor == "Negra" | raca_cor == "Branca")
```

Fazendo os gráficos

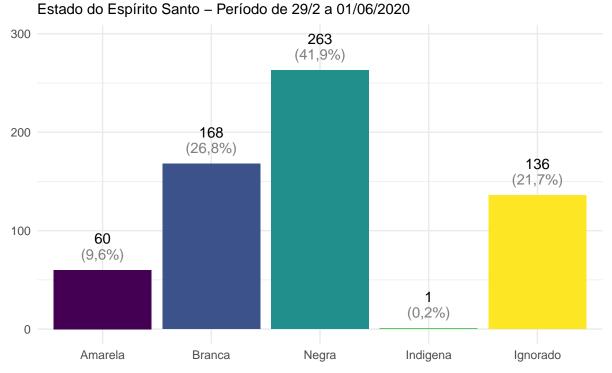
```
dadosResumo <- dados %>%
  group_by(raca_cor) %>%
  summarise(n_cat = n()) %>%
  mutate(perc = paste0("(", round(100 * n_cat/sum(n_cat), 1), "%)") %>%
           gsub("[.]", ",", .))
g <- ggplot(filter(dadosResumo)) + theme_minimal()</pre>
g + geom_bar(aes(x = raca_cor, y = n_cat, fill = raca_cor), stat = 'identity') +
  theme(legend.position = "none") +
  scale_fill_viridis_d() +
  geom_text(aes(x = raca_cor, y = n_cat, label = n_cat),
            vjust = -2.5) +
  geom_text(aes(x = raca_cor, y = n_cat, label = perc),
            vjust = -1, color = 'grey50') +
  ylim(c(0, max(dadosResumo$n cat)*1.12)) +
  labs(x = "",
       y = ""
       title = "Infectados pela COVID-19, por raça/cor",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Infectados pela COVID-19, por raça/cor Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  group_by(raca_cor) %>%
  summarise(n cat = n()) %>%
  mutate(perc = paste0("(", round(100 * n_cat/sum(n_cat), 1), "%)") %>%
           gsub("[.]", ",", .))
g <- ggplot(dadosResumo) + theme minimal()
g + geom_bar(aes(x = raca_cor, y = n_cat, fill = raca_cor), stat = 'identity') +
  theme(legend.position = "none") +
  scale_fill_viridis_d() +
  geom_text(aes(x = raca_cor, y = n_cat, label = n_cat),
            vjust = -2.5) +
  geom_text(aes(x = raca_cor, y = n_cat, label = perc),
            vjust = -1, color = 'grey50') +
  ylim(c(0, max(dadosResumo$n_cat)*1.12)) +
  labs(x = "",
      y = "",
      title = "Óbitos pela COVID-19, por raça/cor",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

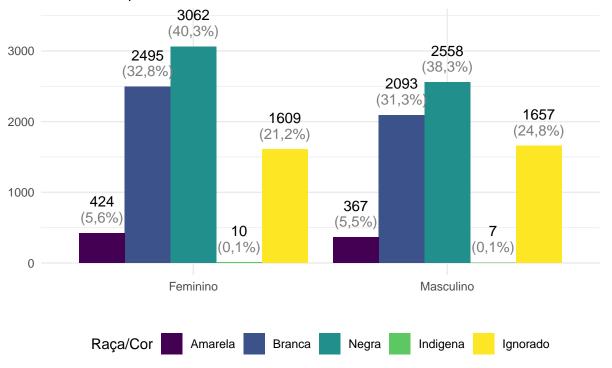
Óbitos pela COVID-19, por raça/cor



```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(sexo != "Ignorado") %>%
  group_by(sexo, raca_cor) %>%
  summarise(n cat = n()) %>%
  mutate(perc = paste0("(", round(100 * n_cat/sum(n_cat), 1), "%)") %>%
           gsub("[.]", ",", .))
g <- ggplot(filter(dadosResumo),</pre>
            aes(x = sexo, y = n_cat, group = raca_cor)) + theme_minimal()
g + geom_bar(aes(fill = raca_cor), stat = 'identity', position = 'dodge') +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_fill_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  geom_text(aes(label = n_cat),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -2.5) +
  geom_text(aes(label = perc),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -1, color = 'grey50') +
  ylim(c(0, max(dadosResumo$n_cat)*1.12)) +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Infectados pela COVID-19, por raça/cor e sexo",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Infectados pela COVID-19, por raça/cor e sexo

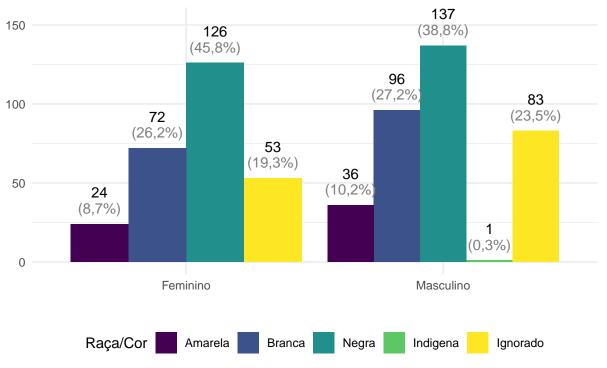
Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(sexo != "Ignorado") %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  group_by(sexo, raca_cor) %>%
  summarise(n_cat = n()) %>%
  mutate(perc = paste0("(", round(100 * n_cat/sum(n_cat), 1), "%)") %>%
           gsub("[.]", ",", .))
g <- ggplot(filter(dadosResumo),</pre>
            aes(x = sexo, y = n_cat, group = raca_cor)) + theme_minimal()
g + geom_bar(aes(fill = raca_cor), stat = 'identity', position = 'dodge') +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_fill_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  geom_text(aes(label = n_cat),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -2.5) +
  geom_text(aes(label = perc),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -1, color = 'grey50') +
  ylim(c(0, max(dadosResumo$n cat)*1.12)) +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Óbitos pela COVID-19, por raça/cor e sexo",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

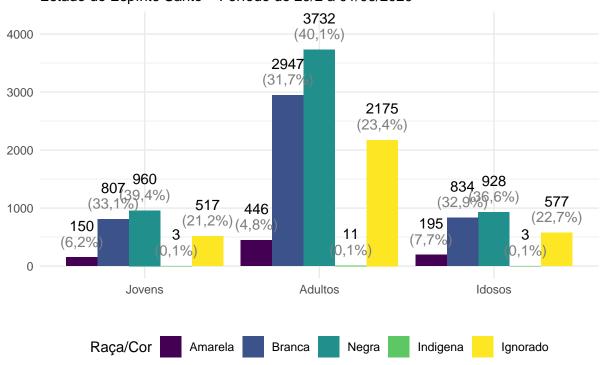
Óbitos pela COVID-19, por raça/cor e sexo

Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



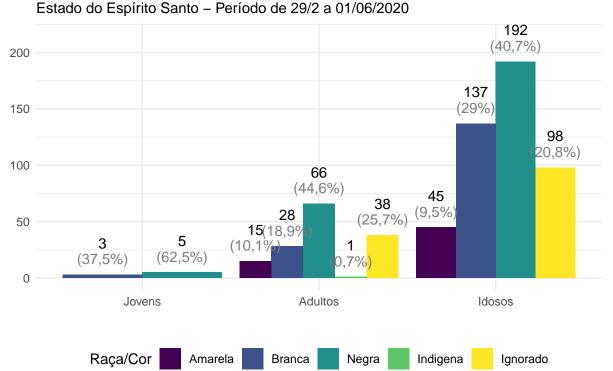
```
dadosResumo <- dados %>%
  group_by(grupo_etario, raca_cor) %>%
  summarise(n_cat = n()) %>%
  mutate(perc = paste0("(", round(100 * n_cat/sum(n_cat), 1), "%)") %>%
           gsub("[.]", ",", .))
g <- ggplot(filter(dadosResumo),</pre>
            aes(x = grupo_etario, y = n_cat, group = raca_cor)) + theme_minimal()
g + geom_bar(aes(fill = raca_cor), stat = 'identity', position = 'dodge') +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_fill_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  geom_text(aes(label = n_cat),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -2.5) +
  geom_text(aes(label = perc),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -1, color = 'grey50') +
  ylim(c(0, max(dadosResumo$n_cat)*1.12)) +
  labs(x = "",
       y = ""
       title = "Infectados pela COVID-19, por raça/cor e faixa etária",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Infectados pela COVID-19, por raça/cor e faixa etária Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  group_by(grupo_etario, raca_cor) %>%
  summarise(n cat = n()) %>%
  mutate(perc = paste0("(", round(100 * n_cat/sum(n_cat), 1), "%)") %>%
           gsub("[.]", ",", .))
g <- ggplot(filter(dadosResumo),</pre>
            aes(x = grupo_etario, y = n_cat, group = raca_cor)) + theme_minimal()
g + geom_bar(aes(fill = raca_cor), stat = 'identity', position = 'dodge') +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_fill_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  geom_text(aes(label = n_cat),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -2.5) +
  geom_text(aes(label = perc),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -1, color = 'grey50') +
  ylim(c(0, max(dadosResumo$n_cat)*1.12)) +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Óbitos pela COVID-19, por raça/cor e faixa etária",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Óbitos pela COVID-19, por raça/cor e faixa etária



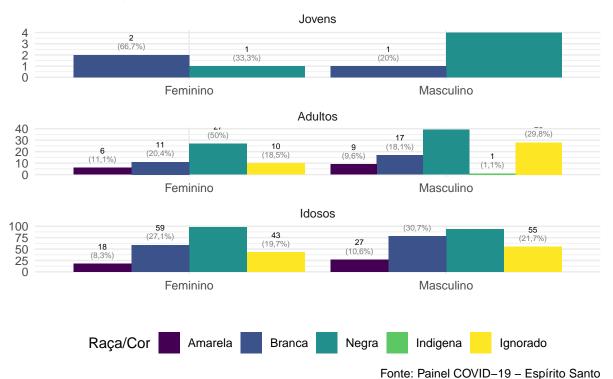
```
dadosResumo <- dados %>%
  group_by(grupo_etario, sexo, raca_cor) %>%
  filter(sexo != "Ignorado") %>%
  summarise(n cat = n()) \%
  mutate(perc = paste0("(", round(100 * n_cat/sum(n_cat), 1), "%)") %>%
           gsub("[.]", ",", .))
g <- ggplot(filter(dadosResumo),</pre>
            aes(x = sexo, y = n_cat, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
  facet_wrap(~ grupo_etario, scales = "free", ncol = 1)
g + geom_bar(aes(fill = raca_cor), stat = 'identity', position = 'dodge') +
  geom_text(aes(label = n_cat),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -2.5, size = 2) +
  geom_text(aes(label = perc),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -1, color = 'grey50',
        size = 2) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale fill viridis d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Infectados pela COVID-19, por raça/cor e sexo por faixa etária",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Infectados pela COVID-19, por raça/cor e sexo por faixa etária Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020

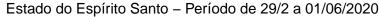


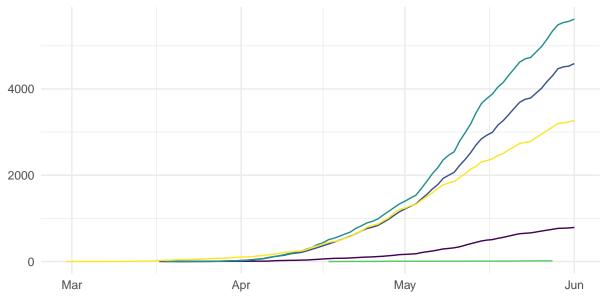
```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  filter(sexo != "Ignorado") %>%
  group_by(grupo_etario, sexo, raca_cor) %>%
  summarise(n_cat = n()) %>%
  mutate(perc = paste0("(", round(100 * n_cat/sum(n_cat), 1), "%)") %>%
           gsub("[.]", ",", .))
g <- ggplot(filter(dadosResumo),</pre>
            aes(x = sexo, y = n_cat, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
  facet_wrap(~ grupo_etario, scales = 'free', ncol = 1)
g + geom_bar(aes(fill = raca_cor), stat = 'identity', position = 'dodge') +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_fill_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  geom_text(aes(label = n_cat),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -2.5, size = 2) +
  geom_text(aes(label = perc),
            position = position_dodge(0.9),
            vjust = -1, color = 'grey50', size = 2) +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Óbitos pela COVID-19, por raça/cor e faixa etária",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Óbitos pela COVID-19, por raça/cor e faixa etária Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



Evolução da infecção da COVID-19, por raça/cor

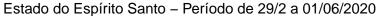


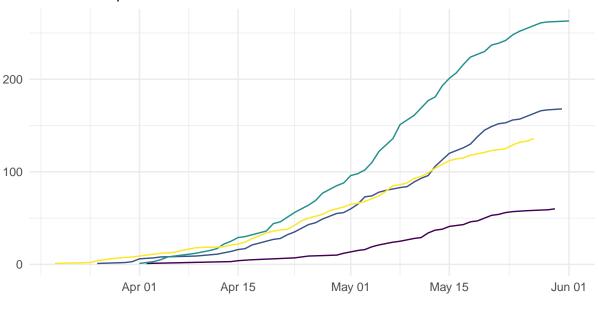


Raça/Cor — Amarela — Branca — Negra — Indigena — Ignorado

```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  filter(data < lubridate::today()) %>%
  group_by(raca_cor, data) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
g <- ggplot(dadosResumo,</pre>
            aes(x = data, y = total_acumulado, group = raca_cor)) + theme_minimal()
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Evolução dos óbitos por COVID-19, por raça/cor",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Evolução dos óbitos por COVID-19, por raça/cor

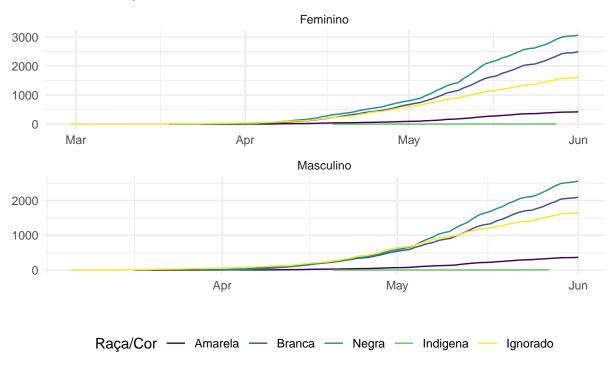




Raça/Cor — Amarela — Branca — Negra — Indigena — Ignorado

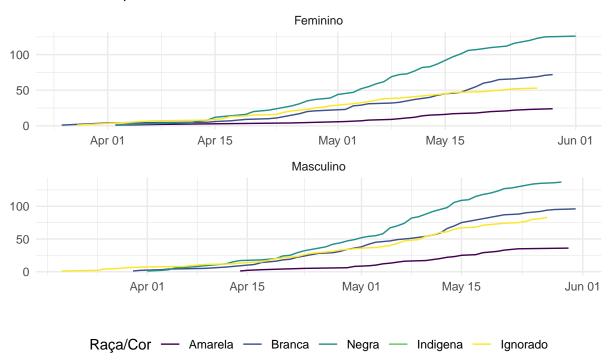
```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(data < lubridate::today()) %>%
  filter(sexo != "Ignorado") %>%
  group_by(sexo, raca_cor, data) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
g <- ggplot(dadosResumo,</pre>
            aes(x = data, y = total_acumulado, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
  facet_wrap(~ sexo, ncol = 1, scales = "free")
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Evolução da infecção da COVID-19, por raça/cor e sexo",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Evolução da infecção da COVID-19, por raça/cor e sexo Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



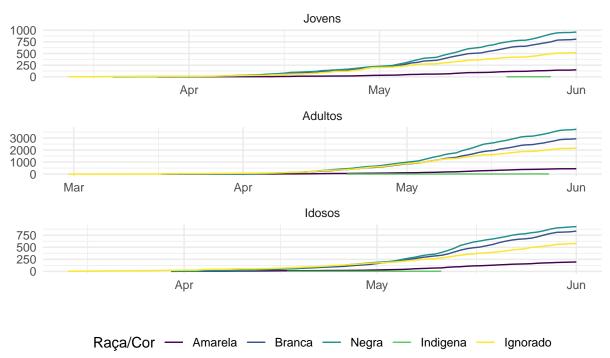
```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  filter(sexo != "Ignorado") %>%
 filter(data < lubridate::today()) %>%
  group_by(sexo, raca_cor, data) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
g <- ggplot(dadosResumo,
            aes(x = data, y = total_acumulado, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
 facet_wrap(~ sexo, ncol = 1, scales = "free")
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "",
      y = "",
      title = "Evolução dos óbitos por COVID-19, por raça/cor e sexo",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Evolução dos óbitos por COVID-19, por raça/cor e sexo Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



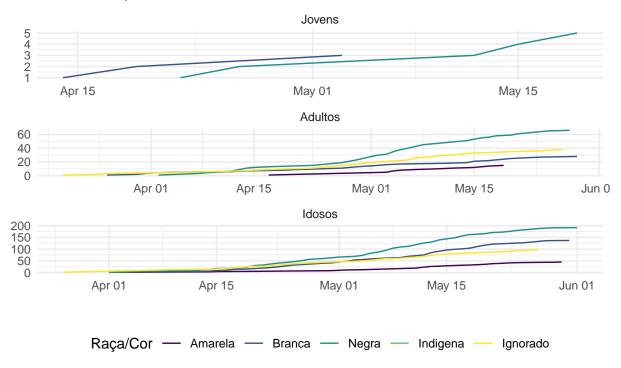
```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(data < lubridate::today()) %>%
  group_by(grupo_etario, raca_cor, data) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
g <- ggplot(dadosResumo,
            aes(x = data, y = total_acumulado, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
 facet_wrap(~ grupo_etario, ncol = 1, scales = "free")
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "")
      y = "",
      title = "Evolução da infecção da COVID-19, por raça/cor e faixa etária",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Evolução da infecção da COVID-19, por raça/cor e faixa etária Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



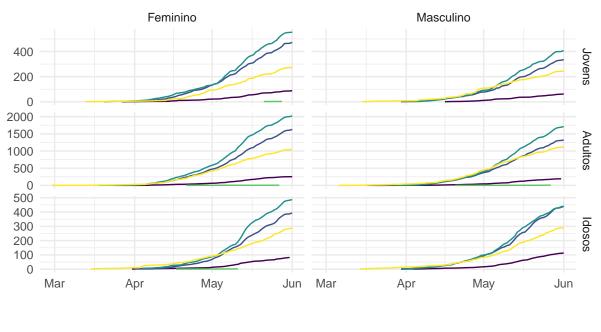
```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  filter(data < lubridate::today()) %>%
  group_by(grupo_etario, raca_cor, data) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
g <- ggplot(dadosResumo,
            aes(x = data, y = total_acumulado, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
  facet_wrap(~ grupo_etario, ncol = 1, scales = "free")
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "",
      y = "",
      title = "Evolução dos óbitos por COVID-19, por raça/cor e faixa etaria",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Evolução dos óbitos por COVID-19, por raça/cor e faixa etaria Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(data < lubridate::today()) %>%
  filter(sexo != "Ignorado") %>%
  group_by(sexo, grupo_etario, raca_cor, data) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
g <- ggplot(dadosResumo,</pre>
            aes(x = data, y = total_acumulado, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
  facet_grid(grupo_etario ~ sexo, scales = "free_y")
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Evolução da infecção da COVID-19, por raça/cor, sexo e faixa etária",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

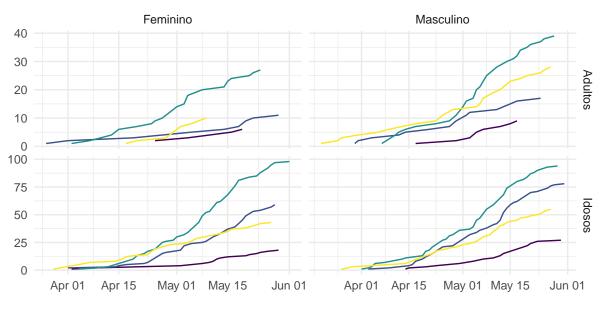
Evolução da infecção da COVID-19, por raça/cor, sexo e faixa etária Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



Raça/Cor — Amarela — Branca — Negra — Indigena — Ignorado

```
dadosResumo <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  filter(data < lubridate::today()) %>%
  filter(sexo != "Ignorado") %>%
  filter(grupo_etario != "Jovens") %>% # Ignorando jovens somente para esse gráfico
  group_by(sexo, grupo_etario, raca_cor, data) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  mutate(total acumulado = cumsum(n por dia))
g <- ggplot(dadosResumo,
            aes(x = data, y = total_acumulado, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
  facet_grid(grupo_etario ~ sexo, scales = "free")
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
 labs(x = "",
      y = ""
      title = "Evolução dos óbitos por COVID-19, por raça/cor, sexo e faixa etaria",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

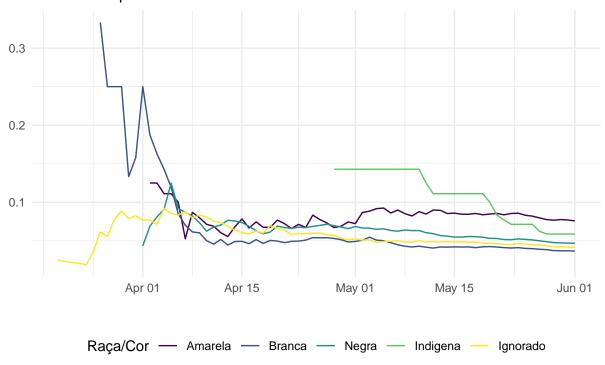
Evolução dos óbitos por COVID-19, por raça/cor, sexo e faixa etaria Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



Raca/Cor — Amarela — Branca — Negra — Indigena — Ignorado

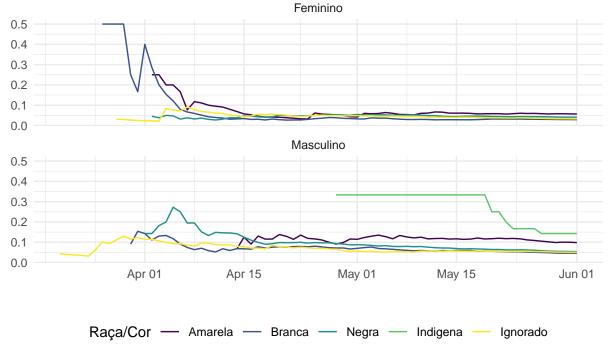
```
## Considerando
min_data <- min(dados$datas_info)</pre>
max data <- max(dados$datas info)</pre>
dados infectados <- dados %>%
  group_by(raca_cor, datas_info) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  complete(nesting(raca_cor), datas_info = seq.Date(min_data, max_data, by = "day"),
           fill = list(n_por_dia = 0)) %>%
 filter(datas_info <= "2020-06-01") %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
dados_mortes <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  group_by(raca_cor, datas_info) %>%
  summarise(morte_por_dia = n()) %>%
  complete(nesting(raca_cor), datas_info = seq.Date(min_data, max_data, by = "day"),
           fill = list(morte_por_dia = 0)) %>%
  filter(datas_info <= "2020-06-01") %>%
  mutate(mortes_acumuladas = cumsum(morte_por_dia))
dados_letalidade <- inner_join(dados_infectados, dados_mortes) %>%
  mutate(letalidade = ifelse(total_acumulado == 0, 0, mortes_acumuladas / total_acumulado)) %>%
 filter(letalidade > 0)
## Joining, by = c("raca_cor", "datas_info")
g <- ggplot(dados_letalidade,</pre>
            aes(x = datas_info, y = letalidade, group = raca_cor)) + theme_minimal()
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
 theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
 labs(x = "",
       y = "",
       title = "Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



```
## Considerando
min_data <- min(dados$datas_info)</pre>
max data <- max(dados$datas info)</pre>
dados infectados <- dados %>%
  group_by(sexo, raca_cor, datas_info) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  complete(nesting(raca_cor, sexo), datas_info = seq.Date(min_data, max_data, by = "day"),
           fill = list(n_por_dia = 0)) %>%
  filter(datas_info <= "2020-06-01") %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
dados_mortes <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  group_by(sexo, raca_cor, datas_info) %>%
  summarise(morte_por_dia = n()) %>%
  complete(nesting(sexo, raca_cor), datas_info = seq.Date(min_data, max_data, by = "day"),
           fill = list(morte_por_dia = 0)) %>%
  filter(datas_info <= "2020-06-01") %>%
  mutate(mortes_acumuladas = cumsum(morte_por_dia))
dados_letalidade <- inner_join(dados_infectados, dados_mortes) %>%
  mutate(letalidade = ifelse(total_acumulado == 0, 0, mortes_acumuladas / total_acumulado)) %>%
 filter(letalidade > 0)
## Joining, by = c("raca_cor", "sexo", "datas_info")
g <- ggplot(dados_letalidade,</pre>
            aes(x = datas_info, y = letalidade, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
 facet_wrap(~ sexo, ncol = 1)
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
  theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "",
       y = "",
       title = "Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor e sexo",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

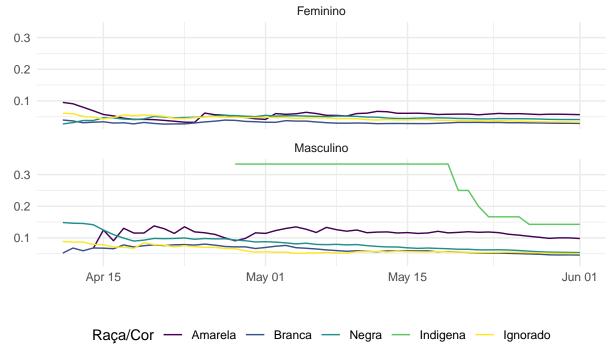
Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor e sexo Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo

Filtrando para somente depois de 10 de abril de 2020

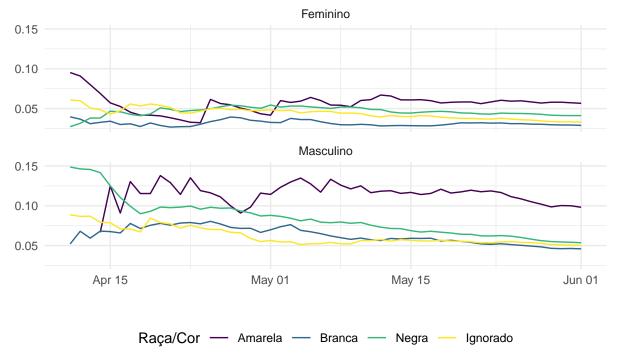
Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor e sexo Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo

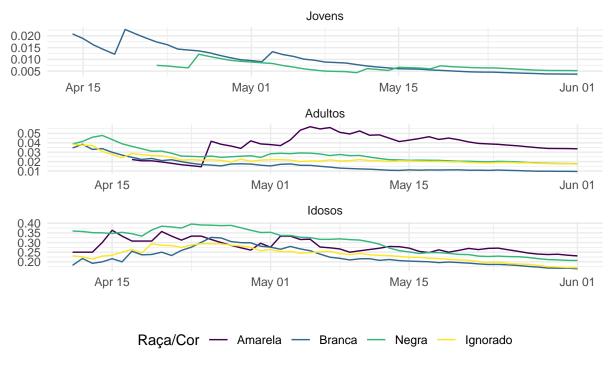
Retirando indígenas para facilitar a leitura dos dados

Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor e sexo Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



```
dados_infectados <- dados %>%
  group_by(grupo_etario, raca_cor, datas_info) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  complete(nesting(grupo_etario, raca_cor), datas_info = seq.Date(min_data, max_data, by = "day"),
           fill = list(n_por_dia = 0)) %>%
  filter(datas_info <= "2020-06-01") %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
dados mortes <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  group_by(grupo_etario, raca_cor, datas_info) %>%
  summarise(morte_por_dia = n()) %>%
  complete(nesting(grupo_etario, raca_cor), datas_info = seq.Date(min_data, max_data, by = "day"),
           fill = list(morte_por_dia = 0)) %>%
  filter(datas_info <= "2020-06-01") %>%
  mutate(mortes_acumuladas = cumsum(morte_por_dia))
dados_letalidade <- inner_join(dados_infectados, dados_mortes) %>%
  mutate(letalidade = ifelse(total_acumulado == 0, 0, mortes_acumuladas / total_acumulado)) %>%
 filter(letalidade > 0)
## Joining, by = c("grupo_etario", "raca_cor", "datas_info")
g <- ggplot(filter(dados_letalidade, datas_info > "2020-04-10", raca_cor != "Indigena"),
            aes(x = datas_info, y = letalidade, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
  facet_wrap(~ grupo_etario, ncol = 1, scales = 'free')
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
 theme(legend.position = "bottom") +
  scale color viridis d(name = "Raça/Cor") +
 labs(x = "",
      y = "",
      title = "Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor e faixa etaria",
       subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
       caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor e faixa etaria Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020



```
dados_infectados <- dados %>%
  group_by(sexo, grupo_etario, raca_cor, datas_info) %>%
  summarise(n_por_dia = n()) %>%
  complete(nesting(sexo, grupo etario, raca cor), datas info = seq.Date(min data, max data, by = "day")
           fill = list(n_por_dia = 0)) %>%
  filter(datas_info <= "2020-06-01") %>%
  mutate(total_acumulado = cumsum(n_por_dia))
dados mortes <- dados %>%
  filter(evolucao == "Óbito pelo COVID-19") %>%
  group_by(sexo, grupo_etario, raca_cor, datas_info) %>%
  summarise(morte_por_dia = n()) %>%
  complete(nesting(sexo, grupo_etario, raca_cor), datas_info = seq.Date(min_data, max_data, by = "day")
           fill = list(morte_por_dia = 0)) %>%
  filter(datas_info <= "2020-06-01") %>%
  mutate(mortes_acumuladas = cumsum(morte_por_dia))
dados_letalidade <- inner_join(dados_infectados, dados_mortes) %>%
  mutate(letalidade = ifelse(total_acumulado == 0, 0, mortes_acumuladas / total_acumulado)) %>%
 filter(letalidade > 0)
## Joining, by = c("sexo", "grupo_etario", "raca_cor", "datas_info")
g <- ggplot(filter(dados_letalidade, datas_info > "2020-04-10", raca_cor != "Indigena",
               grupo_etario != "Jovens"),
            aes(x = datas_info, y = letalidade, group = raca_cor)) + theme_minimal() +
 facet_grid(grupo_etario ~ sexo, scales = "free_y")
g + geom_line(aes(color = raca_cor)) +
 theme(legend.position = "bottom") +
  scale_color_viridis_d(name = "Raça/Cor") +
  labs(x = "",
      y = ""
      title = "Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor, sexo e faixa etaria",
      subtitle = "Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020",
      caption = "Fonte: Painel COVID-19 - Espírito Santo")
```

Evolução da letalidade da COVID-19, por raça/cor, sexo e faixa etaria Estado do Espírito Santo - Período de 29/2 a 01/06/2020

