

# Trabalho Prático 1 - Bioinformática

## Integrantes:

- Ana Paula de Abreu - 2019721397
- Bruno Vieira - 2016058018
- Gabriel Fonseca - 2017023439
- Isabela Meneguci - 2016058328

O trabalho foi desenvolvido utilizando a linguagem de programação Python no ambiente online Colab<sup>1</sup>.

Para executar basta acessar a URL e rodar cada uma das células:

[https://colab.research.google.com/drive/1Nw10\\_\\_rF9l6qypjgx3dEtj-COYaKrbHu?usp=sharing](https://colab.research.google.com/drive/1Nw10__rF9l6qypjgx3dEtj-COYaKrbHu?usp=sharing)

Disponibilizamos, também, o arquivo BIO-TP1.pynb que pode ser executado na sua máquina. Para isso é necessário a instalação do ambiente de programação Anaconda<sup>2</sup> e o Jupyter Notebook<sup>3</sup>. Para instalar as bibliotecas utilizadas utilizamos. Além disso é necessário a instalação das bibliotecas que foram utilizadas :

- `pip install -q numpy`
- `pip install -q pandas`
- `pip install -q plotly`
- `pip install -q dash`
- `pip install -q dash_bio`
- `pip install -q dash_core_components`
- `pip install -q dash_html_components`
- `pip install -q dash_table`

Observação: A biblioteca Dash foi utilizada para gerar uma visualização mais avançada, mas todo o processo de sua utilização foi descrito no programa.

---

<sup>1</sup> [https://colab.research.google.com/notebooks/welcome.ipynb?hl=pt\\_BR](https://colab.research.google.com/notebooks/welcome.ipynb?hl=pt_BR)

<sup>2</sup> <https://www.anaconda.com/>

<sup>3</sup> <https://jupyter.org/>