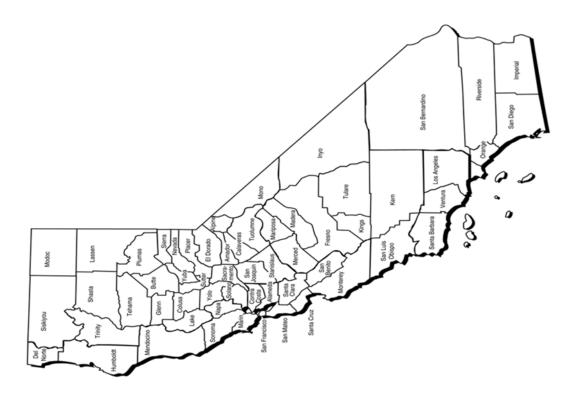
Trabajo practico 2 - Solucion

April 12, 2024

1 TP2: Regresión del valor de valor medio de casas en distritos de California - Solución



1.1 Introducción - California Housing

Este es un popular dataset que vamos a estar leyendo desde Scikit-Learn.

Se requiere construir una regresión que nos permita predecir el valor de valor medio de casas en distritos de California (medidos en ciento de miles de dólares \$100.000). Este dataset deriva del censo de 1990 de EEUU, donde cada observación es un bloque. Un bloque es la unidad geográfica más pequeña para la cual la Oficina del Censo de EE. UU. publica datos de muestra (un bloque típicamente tiene una población de 600 a 3,000 personas).

Un hogar es un grupo de personas que residen dentro de una casa. Dado que el número promedio de habitaciones y dormitorios en este conjunto de datos se proporciona por hogar, estas columnas pueden tomar valores grandes para grupos de bloques con pocos hogares y muchas casas vacías.

Los atributos en el orden que se guardaron en el dataset son:

- MedInc: Ingreso medio en el bloque
- HouseAge: Edad mediana de las casas en el bloque
- AveRooms: Número promedio de habitaciones por hogar.
- AveBedrms: Número promedio de dormitorios por hogar.
- Population: Población del bloque
- AveOccup: Número promedio de miembros por hogar.
- Latitude: Latitud del bloque
- Longitude: Longitud del bloque

1.2 Tareas y preguntas a resolver:

```
[1]: # Importación de librerías.
import pandas as pd
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
import math

from sklearn.datasets import fetch_california_housing
from sklearn.model_selection import train_test_split, cross_val_score
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from sklearn.metrics import r2_score, mean_absolute_error, mean_squared_error

from sklearn.linear_model import LinearRegression, Ridge
sns.set_theme(context='notebook', style='dark')
```

```
[2]: # Leemos el dataset
X, y = fetch_california_housing(as_frame=True, return_X_y=True)

# Juntamos los datos.
df_housing = pd.concat([X, y], axis=1)

print(f'Datos obtenidos: ')
df_housing.sample(n=5)
```

Datos obtenidos:

```
[2]:
           MedInc HouseAge AveRooms AveBedrms Population AveOccup Latitude \
    11608 8.7015
                       18.0 7.519824
                                       0.955947
                                                     1272.0
                                                             2.801762
                                                                          33.78
    14076 2.0139
                       17.0 3.642523
                                       1.079439
                                                      821.0 1.918224
                                                                          32.76
    7477
           2.6953
                                                     1769.0 4.501272
                                                                          33.93
                       36.0 3.402036
                                       0.972010
    1470
           6.7821
                       16.0 7.516373
                                                     1317.0 3.317380
                                                                          37.95
                                        1.022670
    493
           7.8521
                       52.0 7.794393
                                        1.051402
                                                      517.0 2.415888
                                                                          37.86
           Longitude MedHouseVal
             -118.05
    11608
                          3.90900
    14076
             -117.12
                          1.50000
```

```
7477 -118.21 1.21000
1470 -121.98 2.65900
493 -122.24 5.00001
```

[3]: # Chequeamos la estadistica principal. df_housing.describe()

[3]:		${ t MedInc}$	HouseAge	AveRooms	AveBedrms	Population	\
	count	20640.000000	20640.000000	20640.000000	20640.000000	20640.000000	
	mean	3.870671	28.639486	5.429000	1.096675	1425.476744	
	std	1.899822	12.585558	2.474173	0.473911	1132.462122	
	min	0.499900	1.000000	0.846154	0.333333	3.000000	
	25%	2.563400	18.000000	4.440716	1.006079	787.000000	
	50%	3.534800	29.000000	5.229129	1.048780	1166.000000	
	75%	4.743250	37.000000	6.052381	1.099526	1725.000000	
	max	15.000100	52.000000	141.909091	34.066667	35682.000000	
		AveOccup	Latitude	Longitude	${\tt MedHouseVal}$		
	count	20640.000000	20640.000000	20640.000000	20640.000000		
	mean	3.070655	35.631861	-119.569704	2.068558		
	std	10.386050	2.135952	2.003532	1.153956		
	min	0.692308	32.540000	-124.350000	0.149990		
	25%	2.429741	33.930000	-121.800000	1.196000		
	50%	2.818116	34.260000	-118.490000	1.797000		
	75%	3.282261	37.710000	-118.010000	2.647250		
	max	1243.333333	41.950000	-114.310000	5.000010		

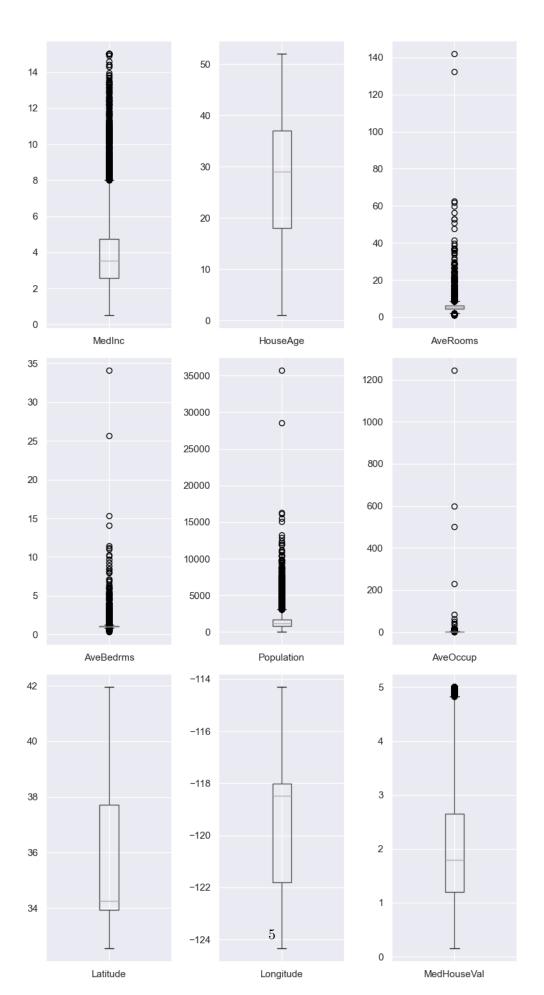
[4]: # Chequeamos los tipos de datos. df_housing.info()

<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
RangeIndex: 20640 entries, 0 to 20639
Data columns (total 9 columns):

#	Column	Non-Null Count	Dtype
0	MedInc	20640 non-null	float64
1	HouseAge	20640 non-null	float64
2	AveRooms	20640 non-null	float64
3	AveBedrms	20640 non-null	float64
4	Population	20640 non-null	float64
5	AveOccup	20640 non-null	float64
6	Latitude	20640 non-null	float64
7	Longitude	20640 non-null	float64
8	${\tt MedHouseVal}$	20640 non-null	float64

dtypes: float64(9)
memory usage: 1.4 MB

```
[5]: # Chequeamos valores nulos y NaN.
     nan_count = df_housing.isnull().sum().sum()
     null_count = df_housing.isnull().sum().sum()
     print('Valores NaN: ', nan_count)
     print('Valores nulos: ', null_count)
    Valores NaN: 0
    Valores nulos: 0
[6]: # Chequeamos la unicicidad de los atributos.
     df_housing.nunique()
[6]: MedInc
                    12928
                       52
    HouseAge
    AveRooms
                    19392
    AveBedrms
                    14233
    Population
                    3888
    AveOccup
                    18841
    Latitude
                      862
    Longitude
                      844
    MedHouseVal
                     3842
    dtype: int64
[7]: # Chequeamos valores duplicados.
     len(df_housing) - len(df_housing.drop_duplicates())
[7]: 0
[8]: # Visualizamos otuliers
     fig, axes = plt.subplots(3, 3, figsize= (8,15))
     for i, el in enumerate(df_housing.columns.values):
         df_housing.boxplot(el, ax=axes.flatten()[i])
     plt.tight_layout()
     plt.show()
```



```
[9]: Q1 = df_housing.quantile(0.25)
      Q3 = df_housing.quantile(0.75)
      IQR = Q3 - Q1
      mask = ((df_housing < (Q1 - 1.5 * IQR)) | (df_housing > (Q3 + 1.5 * IQR)))
      print("\nOutilers primer cuartil:")
      print(df_housing[df_housing < (Q1 - 1.5 * IQR)].count())</pre>
      print("\nOutliers tercer cuartil:")
      print(df_housing[df_housing > (Q3 + 1.5 * IQR)].count())
     Outilers primer cuartil:
     MedInc
                       0
     HouseAge
                       0
     AveRooms
                      45
                     188
     AveBedrms
     Population
                       0
                       7
     AveOccup
     Latitude
     Longitude
                       0
     MedHouseVal
                       0
     dtype: int64
     Outliers tercer cuartil:
     MedInc
                      681
                        0
     HouseAge
     AveRooms
                     466
     AveBedrms
                     1236
     Population
                     1196
     AveOccup
                     704
                        0
     Latitude
     Longitude
                        0
     MedHouseVal
                     1071
     dtype: int64
[10]: print("\nOutliers totales:")
      print(df_housing[mask].count())
     Outliers totales:
     MedInc
                      681
     HouseAge
                        0
     AveRooms
                     511
     AveBedrms
                     1424
     Population
                     1196
     AveOccup
                     711
```

Latitude 0
Longitude 0
MedHouseVal 1071
dtype: int64

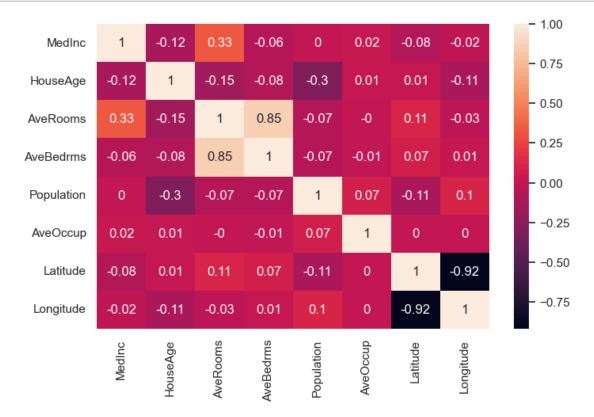
Porcentaje de outliers: 20.968992248062015

1.2.1 Ejericio 1:

1. 1. Obtener la correlación entre los atributos y los atributos con el target. ¿Cuál atributo tiene mayor correlación lineal con el target y cuáles atributos parecen estar más correlacionados entre sí? Se puede obtener los valores o directamente graficar usando un mapa de calor.

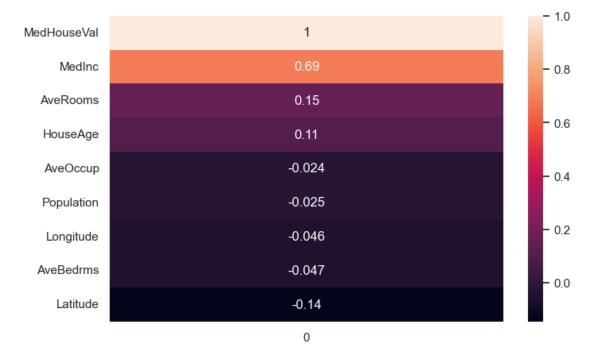
Correlación entre los atributos

```
[12]: # Correlación entre los atributos.
plt.figure(figsize=(8, 5))
sns.heatmap(data=X.corr().round(2), annot=True)
plt.show()
```



Según el mapa de calor, podemos ver que los atributos que están más relacionados son la cantidad de habitaciones junto la cantidad de cuartos de dormir (bedrooms). Esto parece lógico, en el sentido de que un conjunto pertenece a otro (cuartos de dormir es subconjunto de habitaciones). Y la latitud y longitud.

Correlación entre la variable objetivo



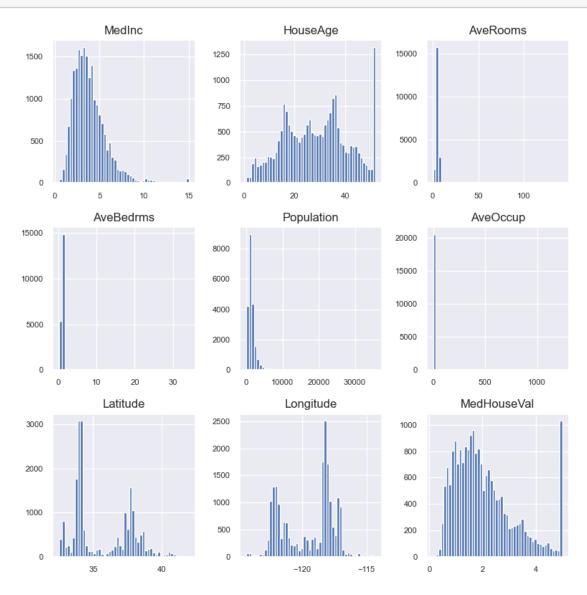
Podemos observar que el atributo MedInc tiene una alta relación lineal con la variable objetivo.

1.2.2 Ejericio 2:

2. Graficar los histogramas de los diferentes atributos y el target. ¿Qué tipo de forma de histograma se observa? ¿Se observa alguna forma de campana que nos indique que los datos pueden provenir de una distribución gaussiana, sin entrar en pruebas de hipótesis?

```
[14]: df_housing.hist(figsize=(8,8), xlabelsize=8, ylabelsize=8, bins=50) plt.tight_layout()
```

plt.show()



Podemos observar que hay datos que no siguen una distribución gausiana, sin embargo, hay otros que sí podrían seguir, como: MedInc e HouseAge, así como la variable objetivo.

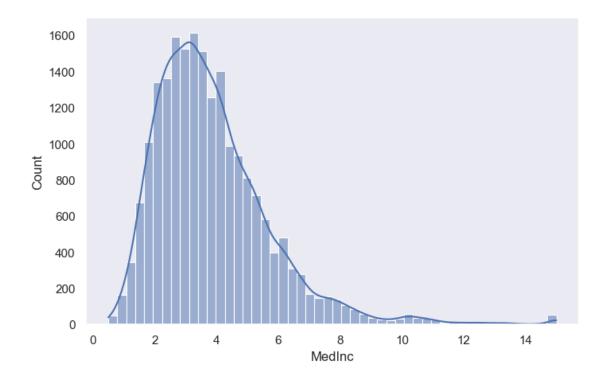
```
[15]: # Graficamos para el atributo MedInc

df_for_ploting = df_housing['MedInc']

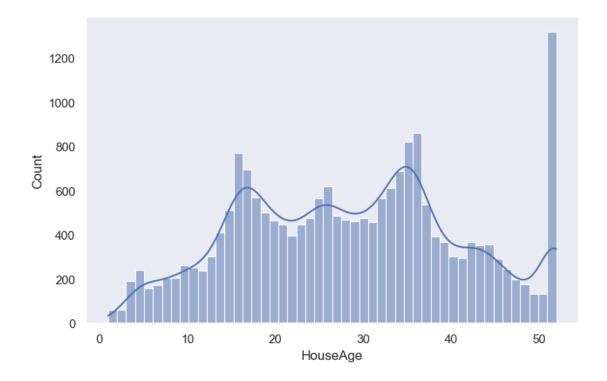
plt.figure(figsize=(8, 5))

sns.histplot(data=df_for_ploting, kde=True, bins=50)

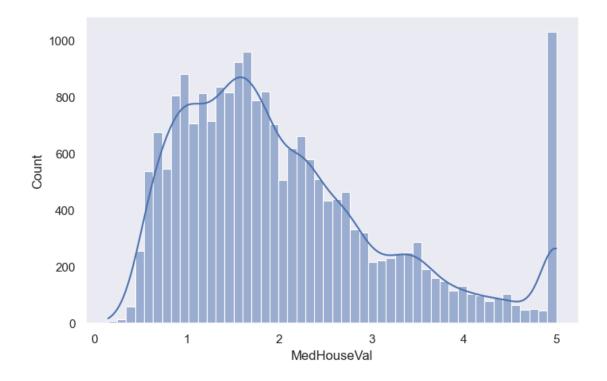
plt.show()
```



```
[16]: # Graficamos para el atributo HouseAge
df_for_ploting = df_housing['HouseAge']
plt.figure(figsize=(8, 5))
sns.histplot(data=df_for_ploting, kde=True, bins=50)
plt.show()
```



```
[17]: # Graficamos para el atributo MedHouseVal
df_for_ploting = df_housing['MedHouseVal']
plt.figure(figsize=(8, 5))
sns.histplot(data=df_for_ploting, kde=True, bins=50)
plt.show()
```



1.2.3 Ejercicio 3:

3. Calcular la regresión lineal usando todos los atributos. Con el set de entrenamiento, calcular la varianza total del modelo y la que es explicada con el modelo. ¿El modelo está capturando el comportamiento del target? Expanda su respuesta.

Dimension de X_train: (14448, 8) Valores de y_train: 14448 Dimension de X_test: (6192, 8) Valores de y_test: 6192

```
[19]: # Para normalizar un dataframe: # normalized_df=(df-df.mean())/df.std() # Estandarizar utilizando la media. # normalized_df=(df-df.min())/(df.max()-df.min()) # Normalizar utilizando_{\square} _{\square} _{\square} min-max
```

```
# Escalo los datos.
sc_X = StandardScaler()
# min_max_scaler = MinMaxScaler()

# Conjunto de entrenamiento.
X_train_scaled = sc_X.fit_transform(X_train)
# Conjunto de evaluación.
X_test_scaled = sc_X.transform(X_test)
# Para quedarme con el nombre de las columnas si quiero:
# df = pd.DataFrame(X_train_scaled, colums=X.colums)

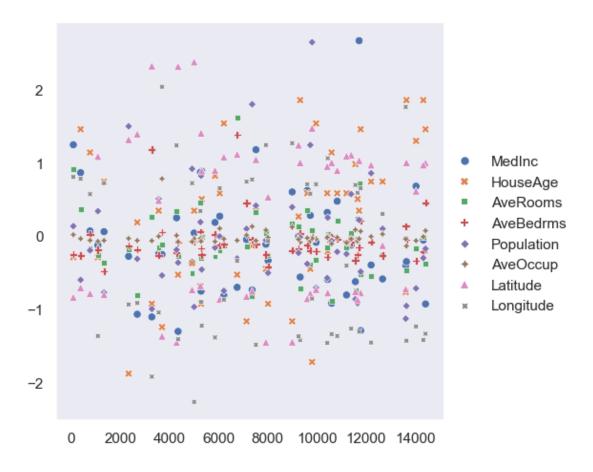
print(f"Las medias del escalador es {sc_X.mean_}")
print(f"Los desvío estándar del escalador es {np.sqrt(sc_X.var_)}")
```

Las medias del escalador es [3.87689155e+00 2.85753738e+01 5.43812463e+00 1.09803314e+00

1.14018573e+03 1.23732074e+01 2.13566827e+00 2.00286090e+00]

```
[20]: # Hago un preview gráfico de los datos.
plt.figure(figsize=(8, 5))
sns.relplot(pd.DataFrame(X_train_scaled, columns=X.columns.values).sample(50))
plt.show()
```

<Figure size 800x500 with 0 Axes>



El valor de la interseccion de la recta sera 2.0692396089424165 Los valores de los coeficientes de la recta sera [8.49221760e-01 1.22119309e-01 -2.99558449e-01 3.48409673e-01 -8.84488134e-04 -4.16980388e-02 -8.93855649e-01 -8.68616688e-01]

El coeficiente de Pearson es 0.609345972797216

```
[23]: # Calculamos el desvio estándar del modelo
    # S_E (Varianza que no explica el modelo)
    std_S_E = np.sum((y_train - linear_model.predict(X_train_scaled))**2)
    print(f"Varianza que no explica el modeo {std_S_E}")

# S_T (Varianza que explica el modelo)
    std_S_R = np.sum((linear_model.predict(X_train_scaled) - np.mean(y_train))**2)
    print(f"Varianza que epxlica el modelo {std_S_R}")

# Desvio estandar del modelo.
    std_dev_model = np.sqrt(std_S_E/(y_train.size - X.columns.size - 1))
    print(f"Desvio estándar del modelo {std_dev_model}")
```

Varianza que no explica el modeo 7561.471021289251 Varianza que epxlica el modelo 11794.456461225065 Desvío estándar del modelo 0.7236600333345641

Como tenemos un R^2 bastante alejado de 1, podemos decir que el modelo no ajusta bien los datos, ya que los residuos no son lo suficientemente chicos (cuanto más cerca de 1 esté el coficiente de Pearson, indica un mejor ajuste, o sea, residuos más chicos). Esto aasumiendo que la relación entre las variables independientes y la variable dependiente es realmente linea y el residuo se distribuye de forma normal

1.2.4 Ejercicio 4:

4. Calcular las métricas de MSE, MAE y \mathbb{R}^2 del set de evaluación.

```
[24]: # Obtenemos las predicciones utilizando el conjunto de evaluación.
y_pred = linear_model.predict(X_test_scaled)
```

```
[25]: # Obtenemos los errores del modelo.

r2_lineal = r2_score(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a 1 mejor.

mae_lineal = mean_absolute_error(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a Outenejor.

mse_lineal = mean_squared_error(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a Outenejor.

print("R-cuadrado en test:", r2_lineal)
print("Error absoluto medio:", mae_lineal)
print("Error cuadratico medio:", mse_lineal)
```

R-cuadrado en test: 0.5957702326061665 Error absoluto medio: 0.5272474538305952 Error cuadratico medio: 0.5305677824766752

1.2.5 Ejercicio 5:

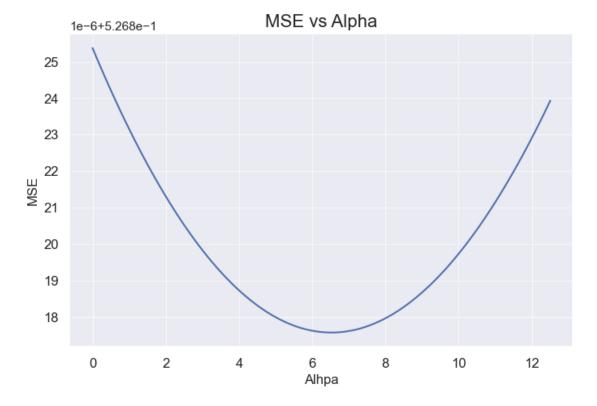
5. Crear una regresión de Ridge. Usando una validación cruzada de 5-folds y usando como métrica el MSE, calcular el mejor valor de α , buscando entre [0, 12.5].

Graficar el valor de MSE versus α .

```
[26]: # Modelo Ridge.
      alpha = 10
      ridge_model = Ridge(alpha=alpha)
      ridge_model.fit(X_train_scaled, y_train)
      print(f"El valor de la interseccion de la recta sera {ridge_model.intercept_ }")
      print(f"Los valores de los coeficientes de la recta sera {ridge_model.coef_ }")
     El valor de la interseccion de la recta sera 2.0692396089424165
     Los valores de los coeficientes de la recta sera [ 8.48518990e-01
     1.23000589e-01 -2.97069387e-01 3.45348512e-01
      -5.84614949e-04 -4.17408932e-02 -8.85416224e-01 -8.60056304e-01]
[27]: # Obtenemos las predicciones utilizando el conjunto de evaluación.
      y_pred = ridge_model.predict(X_test_scaled)
[28]: # Obtenemos los errores del modelo.
      r2_ridge = r2_score(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a 1 mejor.
      mae_ridge = mean_absolute_error(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a O_{\square}
      mse_ridge = mean_squared_error(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a O⊔
       →mejor.
      print("R-cuadrado en test:", r2_ridge)
      print("Error absoluto medio:", mae_ridge)
      print("Error cuadratico medio:", mse_ridge)
     R-cuadrado en test: 0.5959440604913042
     Error absoluto medio: 0.5272132899793809
     Error cuadratico medio: 0.5303396264055754
[29]: # Obtenemos una lista de alphas a probar.
      alpha_values = np.linspace(0, 12.5, 100)
      mse_values = []
      for alpha in alpha_values:
          # Creamos el modelo con el alpha actual
          ridge_model = Ridge(alpha=alpha)
          # Ejecutamos cross validation para ese alpha.
          cv = cross_val_score(ridge_model, X_train_scaled, y=y_train,_
       ⇒scoring="neg_mean_squared_error", cv=5, n_jobs=-1)
          # cv = cross_val_score(ridge_model, X_train_scaled, y=y_train,_
       ⇔scoring="neg_mean_absolute_error", cv=5, n_jobs=-1)
          # Guardamos la media del MSE.
```

```
mse_values.append(cv.mean()*-1)
```

```
[30]: # Graficamos.
plt.figure(figsize=(8, 5))
plt.plot(alpha_values, mse_values)
plt.grid(True, linewidth=0.5)
plt.xlabel('Alhpa')
plt.ylabel('MSE')
plt.tick_params(axis='x', labelsize=12)
plt.tick_params(axis='y', labelsize=12)
plt.title('MSE vs Alpha', fontsize=16)
plt.show()
```



```
[31]: print(f"El valor de alpha que minimiza el error es alpha={alpha_values[np. 

→argmin(np.array(mse_values))]}")
```

1.2.6 Ejercicio 6:

6. Comparar, entre la regresión lineal y la mejor regresión de Ridge, los resultados obtenidos en el set de evaluación. ¿Cuál da mejores resultados (usando MSE y MAE)? Conjeturar por qué el mejor modelo mejora. ¿Qué error puede haberse

reducido?

```
[33]: print("Ridge")
print("R-cuadrado en test:", r2_ridge)
print("Error absoluto medio:", mae_ridge)
print("Error cuadratico medio:", mse_ridge)
```

Ridge

R-cuadrado en test: 0.5958866942308552 Error absoluto medio: 0.5272217082364 Error cuadratico medio: 0.5304149219232501

```
[34]: print("Lineal")
    print("R-cuadrado en test:", r2_lineal)
    print("Error absoluto medio:", mae_lineal)
    print("Error cuadratico medio:", mse_lineal)
```

Lineal

R-cuadrado en test: 0.5957702326061665 Error absoluto medio: 0.5272474538305952 Error cuadratico medio: 0.5305677824766752

El modelo mejora muy poco. Cabe destacar la posibilidad de que un modelo lineal no está pudiendo generalizar correctamente. En este caso se redujeron en menor medida los errores.

Podríamos analizar según las métricas AIC y BIC cual feature sacar...

```
[35]: def criterion(X, y, y_pred):
    # Agregamos uno porque hay que incorporar a la ordenada al origen
    d = X.shape[1]+1
    N = X.shape[0]

# Calculamos los residuos al cuadrado
    residuals = y - y_pred
```

```
Se = np.sum(residuals**2)
          # Se/N es la estimación de la varianza si los residuos provienen
          # de una normal con media cero.
          # Calculamos la estimación del logaritmo de maxima similitud de la L
       ⇔regresión lineal
          log_lik = np.log(2*np.pi) + np.log(Se/N) + 1
          log_lik *= -N/2
          #Calculamos ambos criterios
          aic = 2*d - 2*log_lik
          bic = d*np.log(N) - 2*log_lik
          return aic, bic
[36]: # Recuperamos las columnas en X_train_scaled y X_test_scaled
      X train scaled = pd.DataFrame(X train scaled, columns=X train.columns)
      X_test_scaled = pd.DataFrame(X_test_scaled, columns=X_test.columns)
[37]: regresion = LinearRegression()
      regresion.fit(X_train_scaled, y_train)
      y_pred = regresion.predict(X_train_scaled)
      aic, bic = criterion(X_train_scaled, y_train, y_pred)
      print(f"AIC inicial es {np.round(aic)}")
      print(f"BIC inicial es {np.round(bic)}")
     AIC inicial es 31665.0
     BIC inicial es 31733.0
[38]: def train_reg_model(X, y, columns):
          # Quitamos las columnas
          X_clear = X.loc[:, columns].copy()
          model = LinearRegression()
          model.fit(X_clear, y)
          y_pred = model.predict(X_clear)
          return criterion(X_clear, y, y_pred)
[39]: for i, el in enumerate(X_train_scaled.columns.values):
         aic, bic = train_reg_model(X_train_scaled, y_train, np.delete(X_train_scaled.
       ⇔columns.values, i))
         print(f"Sacamos a {X_train_scaled.columns[i]}, el modelo nos da:")
```

```
print(f"BIC {np.round(bic, 1)}")
     Sacamos a MedInc, el modelo nos da:
     AIC 38014.0
     BIC 38074.6
     Sacamos a HouseAge, el modelo nos da:
     AIC 31991.8
     BIC 32052.5
     Sacamos a AveRooms, el modelo nos da:
     AIC 31961.2
     BIC 32021.9
     Sacamos a AveBedrms, el modelo nos da:
     AIC 32138.1
     BIC 32198.8
     Sacamos a Population, el modelo nos da:
     AIC 31662.7
     BIC 31723.4
     Sacamos a AveOccup, el modelo nos da:
     AIC 31710.1
     BIC 31770.7
     Sacamos a Latitude, el modelo nos da:
     AIC 33907.5
     BIC 33968.1
     Sacamos a Longitude, el modelo nos da:
     AIC 33864.8
     BIC 33925.4
[40]: # Probamos sacar population.
     X_train_scaled.drop('Population', inplace=True, axis=1)
     X train scaled
[40]:
              MedInc HouseAge AveRooms AveBedrms AveOccup Latitude Longitude
            0.780934
     0
           -0.532218 -0.679873 -0.422630 -0.047868 -0.089316 -1.339473
     1
                                                                        1.245270
     2
            0.170990 - 0.362745 \quad 0.073128 \quad -0.242600 \quad -0.044800 \quad -0.496645 \quad -0.277552
           -0.402916 -1.155565 0.175848 -0.008560 -0.075230 1.690024
                                                                       -0.706938
           -0.299285 1.857152 -0.259598 -0.070993 -0.066357 0.992350
                                                                       -1.430902
     14443 1.308827 0.509357 0.281603 -0.383849 -0.007030 -0.875918
                                                                        0.810891
     14444 -0.434100 0.350793 0.583037
                                          0.383154 0.063443 -0.763541
                                                                        1.075513
     14445 -0.494787 0.588640 -0.591570 -0.040978 0.017201 -0.758858
                                                                        0.601191
     14446 0.967171 -1.076283 0.390149 -0.067164 0.004821 0.903385
                                                                       -1.186252
     14447 -0.683202 1.857152 -0.829656 -0.087729 -0.081672 0.992350 -1.415923
     [14448 rows x 7 columns]
```

print(f"AIC {np.round(aic, 1)}")

```
[41]: for i, el in enumerate(X_train_scaled.columns.values):
         aic, bic = train_reg_model(X_train_scaled, y_train, np.delete(X_train_scaled.
       ⇔columns.values, i))
         print(f"Sacamos a {X_train_scaled.columns[i]}, el modelo nos da:")
         print(f"AIC {np.round(aic, 1)}")
         print(f"BIC {np.round(bic, 1)}")
     Sacamos a MedInc, el modelo nos da:
     AIC 38015.9
     BIC 38069.0
     Sacamos a HouseAge, el modelo nos da:
     AIC 32028.0
     BIC 32081.1
     Sacamos a AveRooms, el modelo nos da:
     AIC 31959.4
     BIC 32012.4
     Sacamos a AveBedrms, el modelo nos da:
     AIC 32136.2
     BIC 32189.2
     Sacamos a AveOccup, el modelo nos da:
     AIC 31708.7
     BIC 31761.7
     Sacamos a Latitude, el modelo nos da:
     AIC 33926.4
     BIC 33979.4
     Sacamos a Longitude, el modelo nos da:
     AIC 33873.8
     BIC 33926.9
[42]: # Probamos el modelo
      X_test_scaled.drop('Population', inplace=True, axis=1)
      linear_model = LinearRegression()
      linear_model.fit(X_train_scaled, y_train)
      y_pred = linear_model.predict(X_test_scaled)
      # Obtenemos los errores del modelo.
      r2_lineal = r2_score(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a 1 mejor.
      mae_lineal = mean_absolute_error(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a Ou
      mse_lineal = mean_squared_error(y_test, y_pred) # Cuanto más se acerque a O⊔
       ⇔mejor.
      print("R-cuadrado en test:", r2_lineal)
      print("Error absoluto medio:", mae_lineal)
```

print("Error cuadratico medio:", mse_lineal)

R-cuadrado en test: 0.5957536316726515 Error absoluto medio: 0.5272555831941121 Error cuadratico medio: 0.5305895718677406

Como no hay ninguno menor que las metricas iniciales, no podemos sacar ningún otro. Igualmente el modelo no mejoró en función del esfuerzo.