



TRABALHO DA DISCIPLINA

Estudante: Bruno Moreira Ribas

Este trabalho pode ser realizado em equipes de no máximo 5 integrantes

O que deve ser entregue:

- Um arquivo compactado com os documentos e arquivos
- A lista de comandos R que foi executada, com suas respectivas saídas
- Um texto com o resultado e justificativa do porque
- Outros arquivos pedidos (ex, modelo gerado)

1 Pesquisa com Dados de Satélite (Satellite)

O banco de dados consiste nos valores multi-espectrais de pixels em vizinhanças 3x3 em uma imagem de satélite, e na classificação associada ao pixel central em cada vizinhança. O objetivo é prever esta classificação, dados os valores multi-espectrais.

Um quadro de imagens do Satélite Landsat com MSS (Multispectral Scanner System) consiste em quatro imagens digitais da mesma cena em diferentes bandas espectrais. Duas delas estão na região visível (correspondendo aproximadamente às regiões verde e vermelha do espectro visível) e duas no infravermelho (próximo). Cada pixel é uma palavra binária de 8 bits, com 0 correspondendo a preto e 255 a branco. A resolução espacial de um pixel é de cerca de 80m x 80m. Cada imagem contém 2340 x 3380 desses pixels. O banco de dados é uma subárea (minúscula) de uma cena, consistindo de 82 x 100 pixels. Cada linha de dados corresponde a uma vizinhança quadrada de pixels 3x3 completamente contida dentro da subárea 82x100. Cada linha contém os valores de pixel nas quatro bandas espectrais (convertidas em ASCII) de cada um dos 9 pixels na vizinhança de 3x3 e um número indicando o rótulo de classificação do pixel central.

As classes são: solo vermelho, colheita de algodão, solo cinza, solo cinza úmido, restolho de vegetação, solo cinza muito úmido.

Os dados estão em ordem aleatória e certas linhas de dados foram removidas, portanto você não pode reconstruir a imagem original desse conjunto de dados. Em cada linha de dados, os quatro valores espectrais para o pixel superior esquerdo são dados primeiro, seguidos pelos quatro valores espectrais para o pixel superior central e, em seguida, para o pixel superior direito, e assim por diante, com os pixels lidos em sequência, da esquerda para a direita e de cima para baixo. Assim, os quatro valores espectrais para o pixel central

são dados pelos atributos 17, 18, 19 e 20. Se você quiser, pode usar apenas esses quatro atributos, ignorando os outros. Isso evita o problema que surge quando uma vizinhança 3x3 atravessa um limite.

O banco de dados se encontra no pacote **mlbench** e é completo (não possui dados faltantes).

Tarefas:

1. Treine modelos RandomForest, SVM e RNA para predição destes dados.
2. Escolha o melhor modelo com base em suas matrizes de confusão.
3. Treine o modelo final com todos os dados e faça a predição na base completa.
4. Analise o resultado.
5. Salve este modelo final

2 Estimativa de Volumes de Árvores

Modelos de aprendizado de máquina são bastante usados na área da engenharia florestal (mensuração florestal) para, por exemplo, estimar o volume de madeira de árvores sem ser necessário abatê-las.

O processo é feito pela coleta de dados (dados observados) através do abate de algumas árvores, onde sua altura, diâmetro na altura do peito (dap), etc, são medidos de forma exata. Com estes dados, treina-se um modelo de AM que pode estimar o volume de outras árvores da população.

Os modelos, chamados **alométricos**, são usados na área há muitos anos e são baseados em regressão (linear ou não) para encontrar uma equação que descreve os dados. Por exemplo, o modelo de Spurr é dado por:

$$\text{Volume} = b_0 + b_1 * \text{dap}^2 * H_t$$

Onde **dap** é o diâmetro na altura do peito (1,3metros), **H_t** é a altura total. Tem-se vários modelos alométricos, cada um com uma determinada característica, parâmetros, etc. Um modelo de regressão envolve aplicar os dados observados e encontrar b_0 e b_1 no modelo apresentado, gerando assim uma equação que pode ser usada para prever o volume de outras árvores.

Dado o arquivo **Volumes.csv**, que contém os dados de observação, escolha um modelo de aprendizado de máquina com a melhor estimativa, a partir da estatística de correlação.

Tarefas

1. Carregar o arquivo **Volumes.csv**
(<http://www.razer.net.br/datasets/Volumes.csv>)
2. Eliminar a coluna NR, que só apresenta um número sequencial
3. Criar partição de dados: treinamento 80%, teste 20%
4. Usando o pacote "caret", treinar os modelos: Random Forest (rf), SVM (svmRadial), Redes Neurais (neuralnet) e o modelo alométrico de SPURR
5. O modelo alométrico é dado por: $\text{Volume} = b_0 + b_1 * \text{dap}^2 * H_t$

```
alom <- nls(VOL ~ b0 + b1*DAP*DAP*HT, dados, start=list(b0=0.5,  
b1=0.5))
```

6. Efetue as predições nos dados de teste
7. Crie funções e calcule as seguintes métricas entre a predição e os dados observados
 - Coeficiente de determinação: R^2

$$R^2 = 1 - \frac{\sum_{i=1}^n (y_i - \hat{y}_i)^2}{\sum_{i=1}^n (y_i - \bar{y})^2}$$

onde y_i é o valor observado, \hat{y}_i é o valor predito e \bar{y} é a média dos valores y_i observados. Quanto mais perto de 1 melhor é o modelo;

- Erro padrão da estimativa: S_{yx}

$$S_{yx} = \sqrt{\frac{\sum_{i=1}^n (y_i - \hat{y}_i)^2}{n-2}}$$

esta métrica indica erro, portanto quanto mais perto de 0 melhor é o modelo;

- $S_{yx}\%$

$$S_{yx} \% = \frac{S_{yx}}{y} * 100$$

esta métrica indica porcentagem de erro, portanto quanto mais perto de 0 melhor é o modelo;

8. Escolha o melhor modelo

EXERCÍCIO 1(Satélites)

```
library("mlbench")
data(Satellite)
dataset <- Satellite
head(dataset)
```

	x.1	x.2	x.3	x.4	x.5	x.6	x.7	x.8	x.9	x.10	x.11	x.12	x.13	x.14
1	92	115	120	94	84	102	106	79	84	102	102	83	101	126
2	84	102	106	79	84	102	102	83	80	102	102	79	92	112
3	84	102	102	83	80	102	102	79	84	94	102	79	84	103
4	80	102	102	79	84	94	102	79	80	94	98	76	84	99
5	84	94	102	79	80	94	98	76	80	102	102	79	84	99
6	80	94	98	76	80	102	102	79	76	102	102	79	76	99
	x.15	x.16	x.17	x.18	x.19	x.20	x.21	x.22	x.23	x.24	x.25	x.26		
1	133	103	92	112	118	85	84	103	104	81	102	126		
2	118	85	84	103	104	81	84	99	104	78	88	121		
3	104	81	84	99	104	78	84	99	104	81	84	107		
4	104	78	84	99	104	81	76	99	104	81	84	99		
5	104	81	76	99	104	81	76	99	108	85	84	99		
6	104	81	76	99	108	85	76	103	118	88	84	103		
	x.27	x.28	x.29	x.30	x.31	x.32	x.33	x.34	x.35	x.36	classes			
1	134	104	88	121	128	100	84	107	113	87	grey soil			
2	128	100	84	107	113	87	84	99	104	79	grey soil			
3	113	87	84	99	104	79	84	99	104	79	grey soil			
4	104	79	84	99	104	79	84	103	104	79	grey soil			
5	104	79	84	103	104	79	79	107	109	87	grey soil			
6	104	79	79	107	109	87	79	107	109	87	grey soil			

```
> tail(dataset)
      x.1 x.2 x.3 x.4 x.5 x.6 x.7 x.8 x.9 x.10 x.11 x.12 x.13 x.14 x.15 x.16 x.17 x.18 x.19 x.20 x.21 x.22 x.23 x.24 x.25
6430  84 116 128 103  92 116 133 103  84 112 122  96  79 103 123 100  84 111 128 100  84 103 118  92  66
6431  60  83  96  85  64  87 100  88  64  83 104  88  59  83 100  83  63  87 100  87  63  83 104  87  66
6432  64  79 100  85  56  71  96  85  56  68  91  81  63  79 100  87  59  75  96  87  59  72  96  83  63
6433  56  68  91  81  56  64  91  81  53  64  83  78  59  72  96  83  59  75  96  75  59  75  89  75  63
6434  56  68  87  74  60  71  91  81  60  64 104  99  59  79  89  71  63  79  93  75  63  68 109  92  59
6435  60  71  91  81  60  64 104  99  56  64 108  96  63  79  93  75  63  68 109  92  59  75 109  96  59
      x.26 x.27 x.28 x.29 x.30 x.31 x.32 x.33 x.34 x.35 x.36      classes
6430  71 100  85  74  83 104  92  78  96 112  96      red soil
6431  91 104  92  66  87 108  89  63  83 104  85      red soil
6432  83 100  85  66  83 100  85  63  83 100  81      red soil
6433  83 100  81  59  87  96  81  63  83  92  74 vegetation stubble
6434  83  96  74  59  83  92  74  59  83  92  70 vegetation stubble
6435  83  92  74  59  83  92  70  63  79 108  92 vegetation stubble
~
```

Random forest

```
> indices <- createDataPartition(dataset$classes, p=0.8, list=F)
> treino <- dataset[indices,]
> teste <- dataset[-indices,]

> set.seed(1)
>
> rf <- train(classes ~ x.17 + x.18 + x.19 + x.20, data=treino, method="rf")
1 package is needed and is not installed. (randomForest). would you like to try to install it now?
1: yes
2: no

Selection:
Enter an item from the menu, or 0 to exit
Selection: rf <- train(classes ~ x.17 + x.18 + x.19 + x.20, data=treino, method="rf")
Enter an item from the menu, or 0 to exit
Selection:
Enter an item from the menu, or 0 to exit
Selection: 1
trying URL 'https://cran.rstudio.com/bin/windows/contrib/4.2/randomForest_4.7-1.1.zip'
Content type 'application/zip' length 222290 bytes (217 KB)
downloaded 217 KB

package 'randomForest' successfully unpacked and MD5 sums checked
```



```
> predicao.rf <- predict(rf, teste)
>
> confusionMatrix(predicao.rf, teste$classes)
Confusion Matrix and Statistics
```

Prediction \ Reference	red soil	cotton crop	grey soil	damp grey soil	vegetation stubble	very damp grey soil
red soil	300	0	2	2	7	0
cotton crop	0	133	0	0	4	0
grey soil	3	0	253	28	0	3
damp grey soil	1	0	12	60	0	40
vegetation stubble	2	6	1	1	115	5
very damp grey soil	0	1	3	34	15	253

```
Overall Statistics

          Accuracy : 0.8676
          95% CI : (0.8478, 0.8857)
    No Information Rate : 0.2383
    P-Value [Acc > NIR] : < 2.2e-16

          Kappa : 0.8361

McNemar's Test P-Value : NA

Statistics by Class:

              Class: red soil Class: cotton crop Class: grey soil Class: damp grey soil Class: vegetation stubble
Sensitivity              0.9804              0.9500              0.9336              0.48000              0.81560
Specificity              0.9888              0.9965              0.9664              0.95427              0.98688
Pos Pred Value           0.9646              0.9708              0.8815              0.53097              0.88462
Neg Pred Value           0.9938              0.9939              0.9819              0.94449              0.97747
Prevalence               0.2383              0.1090              0.2111              0.09735              0.10981
Detection Rate           0.2336              0.1036              0.1970              0.04673              0.08956
Detection Prevalence     0.2422              0.1067              0.2235              0.08801              0.10125
Balanced Accuracy        0.9846              0.9733              0.9500              0.71714              0.90124

              Class: very damp grey soil
Sensitivity              0.8405
Specificity              0.9461
Pos Pred Value           0.8268
Neg Pred Value           0.9509
Prevalence               0.2344
Detection Rate           0.1970
Detection Prevalence     0.2383
Balanced Accuracy        0.8933
~
```

Avaliação do resultado: precisão do modelo foi de 86,76%, o que é considerado positivo, pois indica que o modelo não está sofrendo de *overfitting*. No entanto, o modelo enfrentou dificuldades em reconhecer a classe de solo cinza úmido.

SVM

```
> svm <- train(classes ~ x.17 + x.18 + x.19 + x.20, data=treino, method="svmRadial")
> predicao.svm <- predict(svm, teste)
> confusionMatrix(predicao.svm, teste$classes)
Confusion Matrix and Statistics
```

Prediction \ Reference	red soil	cotton crop	grey soil	damp grey soil	vegetation stubble	very damp grey soil
red soil	301	0	0	2	8	0
cotton crop	0	129	0	0	3	0
grey soil	3	0	266	32	0	4
damp grey soil	1	0	5	59	0	43
vegetation stubble	1	9	0	1	114	5
very damp grey soil	0	2	0	31	16	249

```

overall statistics

      Accuracy : 0.8707
      95% CI : (0.8511, 0.8886)
    No Information Rate : 0.2383
    P-value [Acc > NIR] : < 2.2e-16

      Kappa : 0.8398

McNemar's Test P-Value : NA

Statistics by Class:

               Class: red soil Class: cotton crop Class: grey soil Class: damp grey soil Class: vegetation stubble
sensitivity          0.9837          0.9214          0.9815          0.47200          0.80851
specificity          0.9898          0.9974          0.9615          0.95772          0.98600
Pos Pred Value       0.9678          0.9773          0.8721          0.54630          0.87692
Neg Pred Value       0.9949          0.9905          0.9949          0.94388          0.97660
Prevalence           0.2383          0.1090          0.2111          0.09735          0.10981
Detection Rate       0.2344          0.1005          0.2072          0.04595          0.08879
Detection Prevalence 0.2422          0.1028          0.2375          0.08411          0.10125
Balanced Accuracy     0.9867          0.9594          0.9715          0.71486          0.89726

               Class: very damp grey soil
sensitivity          0.8272
specificity          0.9502
Pos Pred Value       0.8356
Neg Pred Value       0.9473
Prevalence           0.2344
Detection Rate       0.1939
Detection Prevalence 0.2321
Balanced Accuracy     0.8887

```

Avaliação do resultado: O modelo obteve acurácia de 87,07% o que é algo positivo, pois indica que o modelo não está sofrendo de overfitting. O modelo encontrou menor dificuldade em reconhecer a classe damp grey soil.

RNA

```
set.seed(1)
```

```
rna <- train(classes ~ x.17 + x.18 + x.19 + x.20, data=treino, method="nnet")
```

```
iter 10 value 8366.158041
iter 20 value 6299.915271
iter 30 value 5234.190352
iter 40 value 4843.733474
iter 50 value 4487.058982
iter 60 value 4221.942090
iter 70 value 4033.316695
iter 80 value 3769.913802
iter 90 value 3539.180427
iter 100 value 3210.422102
final value 3210.422102
stopped after 100 iterations
```

```
> predicao.rna <- predict(rna, teste)
>
> confusionMatrix(predicao.rna, teste$classes)
Confusion Matrix and Statistics
```

Prediction	Reference	red soil	cotton crop	grey soil	damp grey soil	vegetation stubble	very damp grey soil
red soil	295	1	1	0	5	0	
cotton crop	2	130	0	0	10	0	
grey soil	5	0	239	35	0	11	
damp grey soil	0	0	0	0	0	0	
vegetation stubble	3	7	0	2	110	9	
very damp grey soil	1	2	31	88	16	281	

Overall Statistics

Accuracy : 0.8217
95% CI : (0.7996, 0.8422)
No Information Rate : 0.2383
P-Value [Acc > NIR] : < 2.2e-16

Kappa : 0.7761

Mcnemar's Test P-Value : NA

Statistics by Class:

	Class: red soil	Class: cotton crop	Class: grey soil	Class: damp grey soil	Class: vegetation stub
Sensitivity	0.9641	0.9286	0.8819	0.00000	0.78
Specificity	0.9928	0.9895	0.9497	1.00000	0.98
Pos Pred Value	0.9768	0.9155	0.8241	NaN	0.83
Neg Pred Value	0.9888	0.9912	0.9678	0.90265	0.97
Prevalence	0.2383	0.1090	0.2111	0.09735	0.10
Detection Rate	0.2298	0.1012	0.1861	0.00000	0.08
Detection Prevalence	0.2352	0.1106	0.2259	0.00000	0.10
Balanced Accuracy	0.9784	0.9590	0.9158	0.50000	0.88

	Class: very damp grey soil
Sensitivity	0.9336
Specificity	0.8596
Pos Pred Value	0.6706
Neg Pred Value	0.9769
Prevalence	0.2344
Detection Rate	0.2188
Detection Prevalence	0.3263
Balanced Accuracy	0.8966

Avaliação do resultado: O modelo obteve acurácia de 82,17% o que é algo positivo, pois indica que o modelo não está sofrendo de overfitting. O modelo encontrou maior dificuldade em reconhecer a classe damp grey soil.

Resultado: Melhor modelo apresentado foi o SVM devido sua acurácia.


```
> print(svm)
Support Vector Machines with Radial Basis Function Kernel

5151 samples
 4 predictor
 6 classes: 'red soil', 'cotton crop', 'grey soil', 'damp grey soil', 'vegetation stubble', 'very damp grey soil'

No pre-processing
Resampling: Bootstrapped (25 reps)
Summary of sample sizes: 5151, 5151, 5151, 5151, 5151, ...
Resampling results across tuning parameters:

  C      Accuracy   Kappa
0.25  0.8573089  0.8230716
0.50  0.8595635  0.8258808
1.00  0.8615429  0.8283218

Tuning parameter 'sigma' was held constant at a value of 0.8970709
Accuracy was used to select the optimal model using the largest value.
The final values used for the model were sigma = 0.8970709 and C = 1.
```

```
> library(kernlab)
warning message:
package 'kernlab' was built under R version 4.2.2
>
> modelo_final <- ksvm(classes~x.17+x.18+x.19+x.20,
+                       data=dataset,
+                       type="C-svc",
+                       kernel="rbfdot",
+                       C=1.0,
+                       kpar=list(sigma=0.8788543)
+ )
```

```
> confusionMatrix(predicao_final.svm, dataset$classes)
Confusion Matrix and Statistics
```

Prediction	Reference	red soil	cotton crop	grey soil	damp grey soil	vegetation stubble	very damp grey soil
red soil	red soil	1499	2	10	5	48	0
cotton crop	red soil	2	637	0	1	9	2
grey soil	red soil	19	0	1302	161	3	49
damp grey soil	red soil	0	6	41	309	4	165
vegetation stubble	red soil	12	48	0	4	571	29
very damp grey soil	red soil	1	10	5	146	72	1263

Overall Statistics

Accuracy : 0.8673
95% CI : (0.8588, 0.8755)
No Information Rate : 0.2382
P-Value [Acc > NIR] : < 2.2e-16

Kappa : 0.8355

Mcnemar's Test P-Value : NA

Statistics by Class:

	Class: red soil	Class: cotton crop	Class: grey soil	Class: damp grey soil	Class: vegetation stubble
sensitivity	0.9778	0.90612	0.9588	0.49361	0.80764
Specificity	0.9867	0.99756	0.9543	0.96282	0.98376
Pos Pred Value	0.9584	0.97849	0.8488	0.58857	0.85994
Neg Pred Value	0.9930	0.98859	0.9886	0.94636	0.97643
Prevalence	0.2382	0.10925	0.2110	0.09728	0.10987
Detection Rate	0.2329	0.09899	0.2023	0.04802	0.08873
Detection Prevalence	0.2430	0.10117	0.2384	0.08159	0.10319
Balanced Accuracy	0.9823	0.95184	0.9565	0.72821	0.89570

	Class: very damp grey soil
Sensitivity	0.8375
Specificity	0.9525
Pos Pred Value	0.8437
Neg Pred Value	0.9504
Prevalence	0.2343
Detection Rate	0.1963
Detection Prevalence	0.2326
Balanced Accuracy	0.8950

Avaliação do resultado: O modelo obteve acurácia de 86,73% o que é algo positivo pois indica que o modelo não está sofrendo de overfitting. Foi o melhor modelo obtido até o momento, mas isso deve ser devido a utilizar toda a base para treino e teste.

```
saveRDS(modelo_final, "satelites_svm.rds")
```

EXERCÍCIO 2(Arvores)

```
> library("caret")
Carregando pacotes exigidos: ggplot2
Carregando pacotes exigidos: lattice
Warning message:
package 'caret' was built under R version 4.2.3
>
> df <- read.csv("http://www.razer.net.br/datasets/volumes.csv", sep=";", dec=",")
> df$NR <- NULL
> head(df)
  DAP   HT   HP   VOL
1 34.0 27.00 1.80 0.8971441
2 41.5 27.95 2.75 1.6204441
3 29.6 26.35 1.15 0.8008181
4 34.3 27.15 1.95 1.0791682
5 34.5 26.20 1.00 0.9801112
6 29.9 27.10 1.90 0.9067022
> |

> tail(df)
  DAP   HT   HP   VOL
95 31.5 23.50 2.50 0.9221653
96 33.1 25.75 2.65 1.0966956
97 31.0 25.70 2.60 1.0514350
98 43.0 27.90 2.70 2.0090605
99 40.0 24.20 1.10 1.7411209
100 38.0 27.65 2.45 1.5336724
~

> indices <- createDataPartition(df$VOL, p=0.8, list=F)
> treino <- df[indices,]
> teste <- df[-indices,]
~
```

random forest

```
> set.seed(1)
>
> rf <- train(VOL ~ ., data=treino, method="rf")
note: only 2 unique complexity parameters in default grid. Truncating the grid to 2 .
```



```
> predicao.rf <- predict(rf, teste)
>
> summary(predicao.rf)
  Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
 0.8508  1.0936  1.2212  1.3690  1.6106  2.3515
```

SVM

```
> set.seed(1)
>
> svm <- train(VOL ~ ., data=treino, method="svmRadial")
> predicao.svm <- predict(svm, teste)
```

Redes neurais

```
> set.seed(1)
>
> install.packages(neuralnet)
Error in install.packages : object 'neuralnet' not found
> install.packages("neuralnet")
WARNING: Rtools is required to build R packages but is not currently installed. Please download
version of Rtools before proceeding:

https://cran.rstudio.com/bin/windows/Rtools/
also installing the dependency 'Deriv'

trying URL 'https://cran.rstudio.com/bin/windows/contrib/4.2/Deriv_4.1.3.zip'
Content type 'application/zip' length 148896 bytes (145 KB)
downloaded 145 KB

trying URL 'https://cran.rstudio.com/bin/windows/contrib/4.2/neuralnet_1.44.2.zip'
Content type 'application/zip' length 123914 bytes (121 KB)
downloaded 121 KB

package 'Deriv' successfully unpacked and MD5 sums checked
package 'neuralnet' successfully unpacked and MD5 sums checked

The downloaded binary packages are in
  C:\Users\bruno\AppData\Local\Temp\RtmpMfSTTd\downloaded_packages
> library(neuralnet)
warning message:
package 'neuralnet' was built under R version 4.2.3
>
> rna <- neuralnet(VOL ~ ., data=treino, hidden=c(2,1), linear.output=FALSE, threshold=0.01)
>
> rna <- neuralnet(VOL ~ ., data=treino, hidden=c(2,1), linear.output=FALSE, threshold=0.01)
> predicao.rna <- predict(rna, teste)
>
```

Modelo alométrico de SPURR

```
> set.seed(1)
>
> a1om <- nls(VOL ~ b0 + b1*DAP*DAP*HT, data=treino, start=list(b0 = 0.5, b1=0.5))
> predicao.a1om <- predict(a1om, teste)
```

Criando funções para calcular métricas entre as previsões dos dados observados e Erro padrão da estimativa com e sem porcentagem

```
.
> r2 <- function (valor_observado, valor_predito){
+   return(1-(sum((valor_observado-valor_predito)^2)/sum((valor_observado-mean(valor_observado))^2)))
+ }
>
> syx_porcent <- function(valor_observado, valor_predito){
+   return(syx(valor_observado, valor_predito)/mean(valor_observado)*100)
+ }
> syx <- function(valor_observado, valor_predito){
+   return(sqrt(sum((valor_observado-valor_predito)^2)/(length(valor_observado)-2)))
+ }
```

Utilizando funções criadas para calcular métricas entre as previsões dos dados observados

R²

```
> r2(teste$VOL, predicao.rf)
[1] 0.8879647
> r2(teste$VOL, predicao.svm)
[1] 0.7985581
>
> r2(teste$VOL, predicao.rna)
[1] -0.8725625
>
> r2(teste$VOL, predicao.a1om)
[1] 0.8654416
```

Avaliação: O modelo Random Forest se saiu melhor que os outros modelos, pois está mais próximo de 1. Nota: ainda não consegui interpretar o sinal negativo em RNA.

Erro padrão da estimativa:



```
> syx(teste$VOL, predicao.rf)
[1] 0.1491092
>
> syx(teste$VOL, predicao.svm)
[1] 0.199941
>
> syx(teste$VOL, predicao.rna)
[1] 0.6096002
>
> syx(teste$VOL, predicao.alom)
[1] 0.1634114
.
```

Avaliação: O Random Forest apresentou melhor desempenho em comparação aos demais, com um valor mais próximo de 0. **Observação:** A RNA obteve o pior resultado.

Erro padrão da estimativa em %

```
> syx_porc(teste$VOL, predicao.rf)
[1] 10.69305
>
> syx_porc(teste$VOL, predicao.svm)
[1] 14.33835
>
> syx_porc(teste$VOL, predicao.rna)
[1] 43.7162
>
> syx_porc(teste$VOL, predicao.alom)
[1] 11.71871
.
```

Após avaliar os resultados obtidos foi escolhido o modelo Random forest