

Aula 8

Autoencoders - Parte 2

Eduardo Lobo Lustosa Cabral

1. Objetivos

Criar um autoencoder para processar música.

Criar um autoencoder para eliminar ruído de imagens.

Criar um autoencoder para detectar anomalias.

Importação das bibliotecas necessárias

```
In [1]: 1 import numpy as np
2 import matplotlib.pyplot as plt
3 import tensorflow as tf
4 import os
5 print(tf.__version__)
```

2.4.1

2. Autoencoder para processar música

Antes de definir e treinar autoencoder para processar música, devemos primeiro escolher que tipo de dado vamos utilizar para representar músicas.

Uma música pode ser representada de forma contínua ou discreta.

- A forma contínua mais comum é um sinal de áudio, normalmente armazenado como um arquivo WAV.
- As formas discretas mais comuns incluem arquivos MIDI (Musical Instrument Digital Interface), pianoroll e texto, que representam partituras de músicas.

Vamos utilizar sinal de áudio, por não exigir um software para gerar música a partir de uma partitura.

Importação de bibliotecas específicas

```
In [2]: 1 import librosa
2 from IPython import display
3 from IPython.display import clear_output
4 import glob
5 import imageio
6 import time
7 import IPython.display as ipd
```

2.1 Modelo do autoencoder para processar música

Vamos utilizar um autoencoder com camadas convolucionais 1D para processar o sinal de áudio das músicas.

Note que o sinal de áudio de uma música é uma série temporal.

Observa-se que camadas convolucionais 1D são muito utilizadas para processar séries temporais.

A vantagem de se utilizar camadas convolucionais 1D para processar séries temporais é que são muito mais rápidas do que as camadas recorrentes, tanto no treinamento como na previsão. No entanto as camadas recorrentes tendem a serem mais eficientes para processar séries temporais.

Camadas convolucionais 1D funcionam exatamente como as camadas convolucionais 2D. A única diferença é que o sinal de entrada tem somente uma única dimensão. Pode-se pensar que uma camada convolucional 1D processa imagens que possuem somente uma única linha.

O tensor de entrada de uma camada convolucional 1D deve ter a seguinte estrutura:

- Eixo 0: eixo dos exemplos;
- Eixo 1: eixo do "comprimento" do dado da série → é o equivalente ao eixo das linhas das camadas convolucionais 2D;
- Eixo 2: eixo das características → é o equivalente ao eixo dos canais das camadas convolucionais 2D.

O eixo das características consiste, por exemplo, em vários tipos de dados dos quais depende a saída.

Para uma série temporal para prever temperatura em um dado local, teríamos como características da série, por exemplo:

1. Hora do dia;
2. Histórico de precipitação;
3. Histórico de pressão atmosférica;
4. Histórico de velocidade do vento;
5. Época do ano;
6. etc.

Nesse caso, a saída desejada da série seria o histórico de temperatura.

2.2 Carregar e processar dados

Vamos usar o conjunto de dados de música GTZAN, que é considerado o MNIST de sons musicais. Esse conjunto de dados pode ser obtido no Kaggle (<https://www.kaggle.com/andradaolteanu/gtzan-dataset-music-genre-classification>) (<https://www.kaggle.com/andradaolteanu/gtzan-dataset-music-genre-classification>))

O GTZAN consiste de uma coleção de 10 gêneros musicais com 100 arquivos de áudio cada, todos com uma duração de 30 segundos. Esses dados são originalmente usados para classificação de gêneros musicais. Os arquivos de música estão no formato de áudio WAV.

Para processar os arquivos de áudio usaremos a biblioteca Python Librosa (<https://librosa.org/doc/latest/index.html>) (<https://librosa.org/doc/latest/index.html>)).

Na célula abaixo é definida uma função para obter todos os arquivos dentro de uma pasta para depois serem carregados usando a função `librosa.load()`.

Nessa aula vamos usar o gênero de música clássica.

```
In [4]: 1 from google.colab import drive
        2 drive.mount('/content/drive')
```

Mounted at /content/drive

```
In [4]: 1 %cd /content/drive/MyDrive/Dados_Trabalhos
        2 !ls
```

```
/content/drive/MyDrive/Dados_Trabalhos
cangurus_pessoas      classical_0011.png    jazz_0000.png        jazz_0013.png
cityscapes_data.zip   classical_0012.png    jazz_0001.png        jazz_0014.png
classical_0000.png     classical_0013.png    jazz_0002.png        jazz_0015.png
classical_0001.png     classical_0014.png    jazz_0003.png        jazz_0016.png
classical_0002.png     classical_0015.png    jazz_0004.png        jazz_0017.png
classical_0003.png     classical_0016.png    jazz_0005.png        jazz_0018.png
classical_0004.png     classical_0017.png    jazz_0006.png        jazz_0019.png
classical_0005.png     classical_0018.png    jazz_0007.png        jazz_0020.png
classical_0006.png     classical_0019.png    jazz_0008.png        npl_data.csv
classical_0007.png     classical_0020.png    jazz_0009.png        TsukubaStereo.zip
classical_0008.png     classical_cvae.gif    jazz_0010.png        Unet.h5
classical_0009.png     Data                 jazz_0011.png        Untitled
classical_0010.png     GTZAN_data.zip       jazz_0012.png
```

```
In [4]: 1 # Função para obter nomes de arquivos em um diretório
2 def DatasetLoader(file_dir, style):
3     music_list = np.array(sorted(os.listdir(file_dir+'/'+style)))
4     TrackSet = [(file_dir)+'/'+style+'/%s'%(x) for x in music_list]
5
6     return TrackSet
7
8 # Define nome do diretório
9 file_dir = 'GTZAN_data/Data/genres_original'
10 #file_dir = 'Data/genres_original'
11
12 # Obtém nomes dos arquivos no diretório de músicas clássicas
13 TrackSet = DatasetLoader(file_dir, 'classical')
14 print('Número de arquivos de música:', len(TrackSet))
15
16 print('\nNome dos primeiros arquivos:\n', TrackSet[:5])
```

Número de arquivos de música: 98

Nome dos primeiros arquivos:

```
['GTZAN_data/Data/genres_original/classical/classical.00000.wav', 'GTZAN_data/Data/genres_original/classical/classical.00001.wav', 'GTZAN_data/Data/genres_original/classical/classical.00002.wav', 'GTZAN_data/Data/genres_original/classical/classical.00003.wav', 'GTZAN_data/Data/genres_original/classical/classical.00004.wav']
```

Carrega arquivos de música no formato WAV.

```
In [5]: 1 # Define frequência de amostragem da música
2 freq = 8000
3
4 # Define uma música para mostrar exemplo
5 index = 12
6
7 # Carrega música selecionada
8 sample = TrackSet[index]
9 sample_, sampling_rate = librosa.load(sample, sr=freq, offset=0.0, duration=30)
10
11 # Toca música
12 ipd.Audio(sample_, rate=freq)
```

Out[5]: 0:00 / 0:00

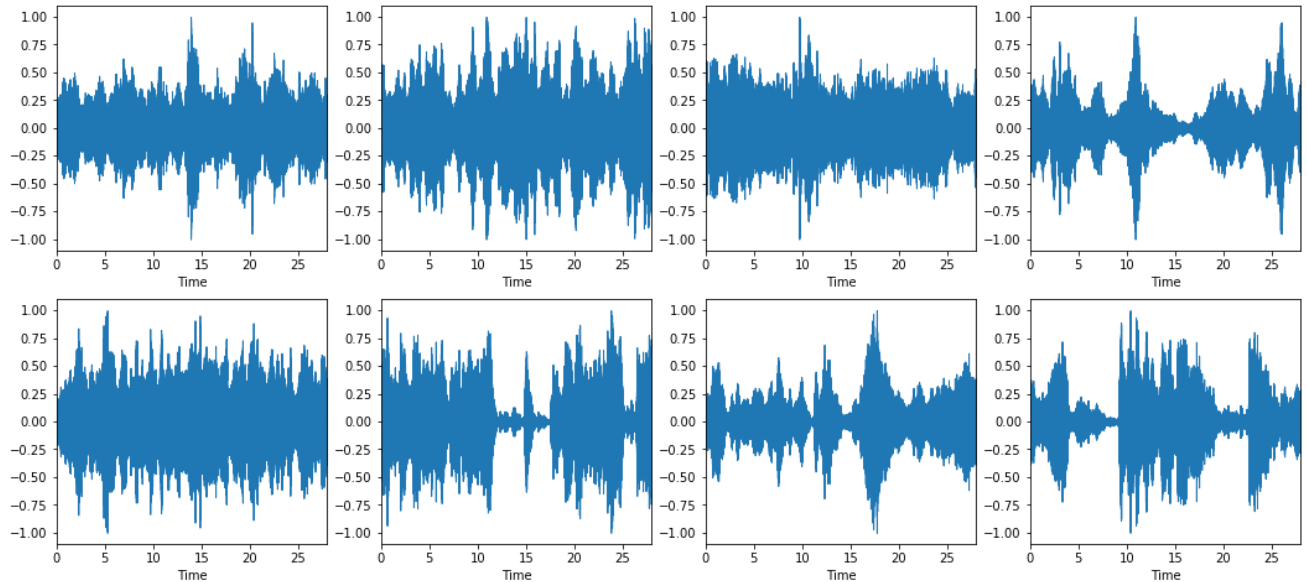
Na célula abaixo é criada uma função para carregar um arquivo de música e selecionar somente 10 segundos da música.

```
In [6]: 1 def load(file, duration):
2     # Carrega arquivo de música
3     data, sampling_rate = librosa.load(file, sr=freq, offset=0.0, duration=30)
4
5     # Define número de amostras usadas de cada música
6     data = data[:duration*freq]
7
8     # Equalização do som
9     vmax = np.max(np.abs(data))
10    data = data/vmax
11
12    return data
```

- Observa-se que o som das músicas são equalizados de forma que todas tenham as mesmas amplitudes máxima e mínima. Isso facilita o treinamento do autoencoder.

Na célula abaixo a função `load()` é usada para carregar alguns arquivos de músicas.

```
In [7]: 1 # Importa função da biblioteca Librosa para mostrar onda de áudio
2 import librosa.display
3
4 # Define duração da música a ser usada em segundos
5 duration = 28
6
7 # Carrega música e mostra as amostras em função do tempo
8 plt.figure(figsize=(18,8))
9 for i in range(8):
10     plt.subplot(2, 4, i + 1)
11
12     # Carrega arquivo de música
13     audio = load(TrackSet[i], duration)
14     librosa.display.waveplot(audio, sr=freq)
```



Na célula abaixo a função `load()` é usada para carregar um número determinado de músicas para serem usadas para treinar o autoencoder.

```
In [9]: 1 # Define número de músicas
2 num_music = 50
3
4 # Carrega os arquivos desejados
5 music_data = []
6 for file in TrackSet[:num_music]:
7     data = load(file, duration)
8     music_data.append(data)
9
10 # transforma lista de ondas sonoras em tensor Numpy
11 music_data = np.stack(music_data)
12 print('Dimensão do tensor de músicas:', music_data.shape)
13
14 # Cria variável com número de amostras com músicas
15 music_length = music_data.shape[1]
16 print('Número de amostras por música:', music_length)
```

Dimensão do tensor de músicas: (50, 224000)

Número de amostras por música: 224000

- Observe que cada música consiste de um exemplo com 224.000 amostras de som.

Vamos tocar uma música do tensor para verificação.

```
In [10]: 1 # Seleciona música
2 index = 2
3
4 # Toca música
5 ipd.Audio(music_data[index],rate=freq)
```

```
Out[10]: 0:00 / 0:00
```

Vamos selecionar somente uma parte das músicas para não demorar muito o treinamento do autoencoder.

```
In [11]: 1 # Número de amostras desejadas
2 num_amostras = 131072
3
4 # Pega parte das músicas
5 train_data = music_data[:, :num_amostras]
6 print('Dimensão do tensor de músicas de treinamento:', train_data.shape)
```

Dimensão do tensor de músicas de treinamento: (50, 131072)

Como o comprimento das músicas é muito grande vamos dividi-las em partes.

```
In [12]: 1 # Número de partes em que cada música será dividida
2 music_parts = 32
3
4 # Comprimento de cada parte de música
5 part_length = int(num_amostras/music_parts)
6
7 # Redimensionamento do tensor de músicas para o treinamento
8 train_data = np.reshape(train_data, (num_music*music_parts, part_length,1))
9
10 print('Número de músicas:', num_music)
11 print('Número de partes de músicas;', music_parts)
12 print('Comprimento de cada parte de música:', part_length)
13 print('Dimensão do tensor de treinamento:', train_data.shape)
```

Número de músicas: 50
Número de partes de músicas; 32
Comprimento de cada parte de música: 4096
Dimensão do tensor de treinamento: (1600, 4096, 1)

2.3 Configuração do codificador

O codificador será composto pelas seguintes camadas:

- Quatro camadas convolucionais 1D, com filtros de dimensão 3x1, `strides=2`, função de ativação `LeakyReLU` e `padding=same`;
- Uma camada `Flatten` para adequar a saída das camadas convolucionais para a camada de densa de saída;
- Camada de saída tipo densa com função de ativação linear.

O número de filtros das camadas convolucionais deve aumentar por progressivamente da primeira até a última.

Observe que a dimensão do espaço latente, definida na variável `latent_dim` é um hiperparâmetro que temos que escolher para gerar o melhor resultado. Dessa forma, é interessante testar alguns valores.

In [13]:

```
1 # Importa classe camadas e modelo funcional
2 from tensorflow.keras import layers
3 from tensorflow.keras.models import Model
4 import tensorflow.keras.backend as K
5
6 # Dimensão do espaço Latente
7 latent_dim = 1024
8
9 # Camada de entrada
10 inputs = layers.Input(shape=(part_length,1))
11
12 # Camadas convolucionais com normalização de batelada e função de ativação LeakyRelu
13 x = layers.Conv1D(32, 3, strides=2, activation=layers.LeakyReLU(), padding='same')(inputs)
14 x = layers.Conv1D(32, 3, strides=2, activation=layers.LeakyReLU(), padding='same')(x)
15 x = layers.Conv1D(64, 3, strides=2, activation=layers.LeakyReLU(), padding='same')(x)
16 x = layers.Conv1D(64, 3, strides=2, activation=layers.LeakyReLU(), padding='same')(x)
17
18 # Dimensão da saída das camadas convolucionais
19 shape_before_flattening = K.int_shape(x)[1:]
20
21 # Camada de Flatten
22 x = layers.Flatten()(x)
23
24 # Camadas densas para calcular média e logaritmo da variância
25 encoder_output = layers.Dense(latent_dim)(x)
26
27 # Instancia codificador
28 encoder = Model(inputs=inputs, outputs=encoder_output)
29
30 # Sumário do amostrador
31 encoder.summary()
```

Model: "model"

Layer (type)	Output Shape	Param #
=====		
input_1 (InputLayer)	[(None, 4096, 1)]	0

conv1d (Conv1D)	(None, 2048, 32)	128

conv1d_1 (Conv1D)	(None, 1024, 32)	3104

conv1d_2 (Conv1D)	(None, 512, 64)	6208

conv1d_3 (Conv1D)	(None, 256, 64)	12352

flatten (Flatten)	(None, 16384)	0

dense (Dense)	(None, 1024)	16778240
=====		
Total params: 16,800,032		
Trainable params: 16,800,032		
Non-trainable params: 0		

2.4 Configuração do decodificador

A configuração do decodificador que iremos usar é a seguinte:

- Uma camada densa para gerar elementos suficientes para a primeira camada convolucional a partir da representação latente;
- Uma camada de redimensionamento para adequar a saída da camada densa para a entrada da primeira camada convolucional 1D;
- Quatro camadas convolucionais 1D transpostas, com `stride=2` e função de ativação LeakyReLU;
- Uma camada convolucional 1D, com um único filtro, de dimensão 1x1, com `stride=1` e função de ativação linear.

A função de ativação tangente hiperbólica na camada de saída é usada nesse caso porque as amostras de som estão no intervalo entre 0 e 1.

In [14]:

```
1 # Camada de entrada
2 decoder_input = layers.Input(shape = (latent_dim,) , name = 'decoder_input')
3
4 # Camada densa para ajustar dimensão do espaço latente para a entrada da primeira camada convolucional
5 x = layers.Dense(tf.math.reduce_prod(shape_before_flattening))(decoder_input)
6
7 # Redimensiona vetor para a dimensão necessária par a comada convolucional 1D
8 x = layers.Reshape(shape_before_flattening)(x)
9
10 # Camadas convolucionais transpostas
11 x = layers.Conv1DTranspose(64, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation=layers.LeakyReLU())
12 x = layers.Conv1DTranspose(64, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation=layers.LeakyReLU())
13 x = layers.Conv1DTranspose(32, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation=layers.LeakyReLU())
14 x = layers.Conv1DTranspose(32, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation=layers.LeakyReLU())
15
16 # Camada convolucional padrão com um único filtro de dimensão 1x1
17 decoder_output = layers.Conv1D(1, kernel_size=1, strides=1, padding='same', activation='tanh')(x)
18
19 # Instancia decodificador
20 decoder = Model(decoder_input, decoder_output)
21
22 # Sumario
23 decoder.summary()
```

Model: "model_1"

Layer (type)	Output Shape	Param #
decoder_input (InputLayer)	[(None, 1024)]	0
dense_1 (Dense)	(None, 16384)	16793600
reshape (Reshape)	(None, 256, 64)	0
conv1d_transpose (Conv1DTran	(None, 512, 64)	12352
conv1d_transpose_1 (Conv1DTr	(None, 1024, 64)	12352
conv1d_transpose_2 (Conv1DTr	(None, 2048, 32)	6176
conv1d_transpose_3 (Conv1DTr	(None, 4096, 32)	3104
conv1d_4 (Conv1D)	(None, 4096, 1)	33
Total params: 16,827,617		
Trainable params: 16,827,617		
Non-trainable params: 0		

2.5 Autoencoder completo

Para criar o autoencoder completo e treiná-lo temos que juntar o codificador e o decodificador.

```
In [15]: 1 # Camada de entrada
2 inputs = layers.Input(shape=(part_length,1))
3
4 # Inclui codificador
5 x = encoder(inputs)
6
7 # Incluir decodificador
8 decoder_output = decoder(x)
9
10 # Instância AEV
11 VAE = Model(inputs, decoder_output)
12
13 # Summario do AEV
14 VAE.summary()
```

Model: "model_2"

Layer (type)	Output Shape	Param #
input_2 (InputLayer)	[(None, 4096, 1)]	0
model (Functional)	(None, 1024)	16800032
model_1 (Functional)	(None, 4096, 1)	16827617
Total params: 33,627,649		
Trainable params: 33,627,649		
Non-trainable params: 0		

2.6 Compilação e treinamento do autoencoder

Vamos compilar o autoencoder com a seguinte configuração:

- Otimizador: Adam com taxa de aprendizado de 0,001
- Função de custo: "mean square error"
- Métrica: "mean absolute error"

Observa-se que o erro quadrático médio é usado em razão da função de ativação da camada de saída do codificador ser tangente hiperbólica e os valores de saída estarem no intervalo entre 0 e 1.

```
In [16]: 1 # Define otimizador Adam
2 rms = tf.keras.optimizers.Adam(lr=0.001, decay=2e-03)
3
4 # Compilação do autoencoder
5 VAE.compile(optimizer=rms, loss='mse', metrics=['mae'])
```

Vamos treinar o autoencoder usando 300 épocas e lotes de 64 elementos

```
In [17]: 1 results = VAE.fit(train_data, train_data, epochs=300, batch_size=64, verbose=2, shuffle=True)

Epoch 11/300
25/25 - 20s - loss: 0.0031 - mae: 0.0395

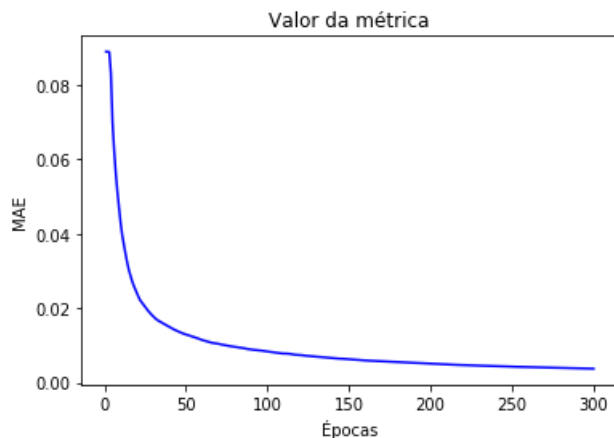
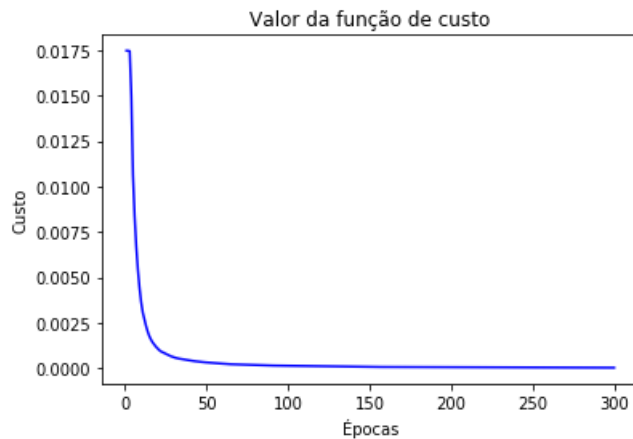
Epoch 12/300
25/25 - 20s - loss: 0.0027 - mae: 0.0369
Epoch 13/300
25/25 - 20s - loss: 0.0023 - mae: 0.0345
Epoch 14/300
25/25 - 20s - loss: 0.0020 - mae: 0.0323
Epoch 15/300
25/25 - 20s - loss: 0.0018 - mae: 0.0303
Epoch 16/300
25/25 - 20s - loss: 0.0016 - mae: 0.0287
Epoch 17/300
25/25 - 22s - loss: 0.0014 - mae: 0.0273
Epoch 18/300
25/25 - 21s - loss: 0.0013 - mae: 0.0260
Epoch 19/300
25/25 - 20s - loss: 0.0012 - mae: 0.0250
Epoch 20/300
25/25 - 20s - loss: 0.0011 - mae: 0.0240
```

Gráficos do processo de treinamento.


```

In [18]: 1 def plot_train(history):
2         history_dict = history.history
3
4         # Salva custos, métricas em vetores
5         custo = history_dict['loss']
6         acc = history_dict['mae']
7
8         # Cria vetor de épocas
9         epocas = range(1, len(custo) + 1)
10
11        # Gráfico dos valores de custo
12        plt.plot(epocas, custo, 'b', label='Custo - treinamento')
13        plt.title('Valor da função de custo')
14        plt.xlabel('Épocas')
15        plt.ylabel('Custo')
16        plt.show()
17
18        # Gráfico dos valores da métrica
19        plt.plot(epocas, acc, 'b', label='mae')
20        plt.title('Valor da métrica')
21        plt.xlabel('Épocas')
22        plt.ylabel('MAE')
23        plt.show()
24
25        plot_train(results)

```



- Observa-se que o erro absoluto médio é menor do 1% do valor máximo das amostras de som.

Observa-se que quanto maior a dimensão do espaço latente melhor o desempenho do autoencoder, porém existe um tamanho máximo para o qual problemas de overfitting fazem com que o empenho autoencoder diminua.

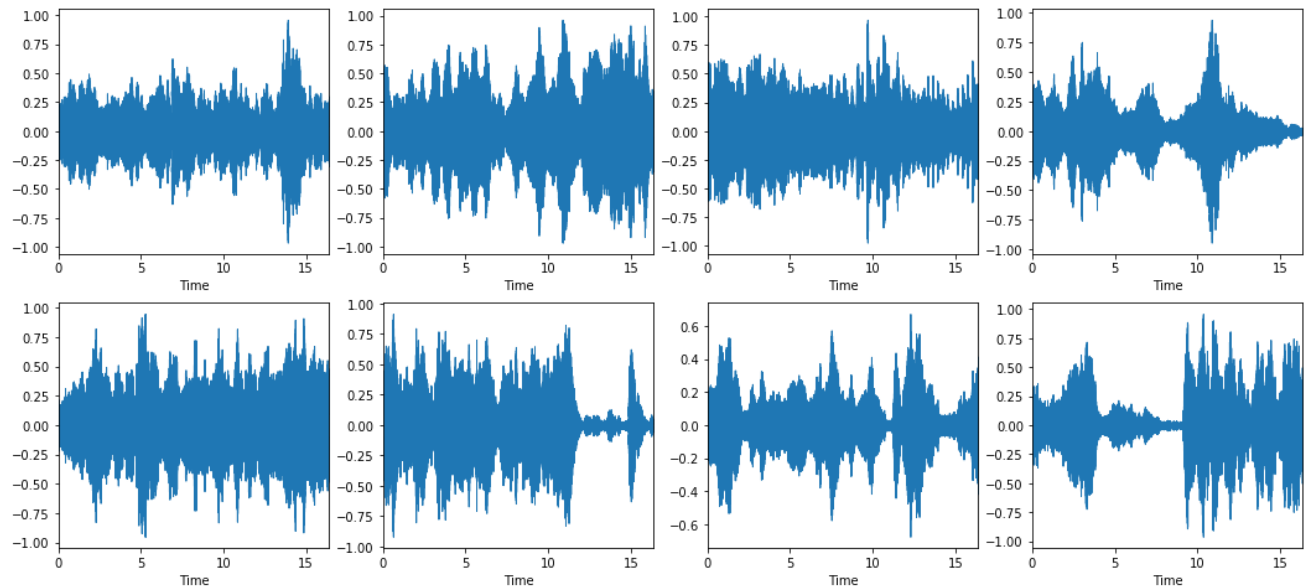
3.8 Comparação das saídas previstas pelo autoencoder com as entradas

Para verificar o desempenho do autoencoder, vamos reconstruir algumas músicas usadas nos dados de treinamento.

```

In [19]: 1 # Calcula dados reconstruídos pelo AE
2 prev_data = VAE.predict(train_data)
3
4 # Redimensiona aídas previstas para agrupar partes das músicas
5 prev_data = np.reshape(prev_data, (num_music, music_parts*part_length))
6
7 # Mostra figuras das 12 primeiras ondas sonoras reconstruídas
8 plt.figure(figsize=(18,8))
9 for i in range(8):
10     plt.subplot(2, 4, i + 1)
11     sample = prev_data[i]
12     librosa.display.waveplot(sample, sr=freq)
13 plt.show()

```

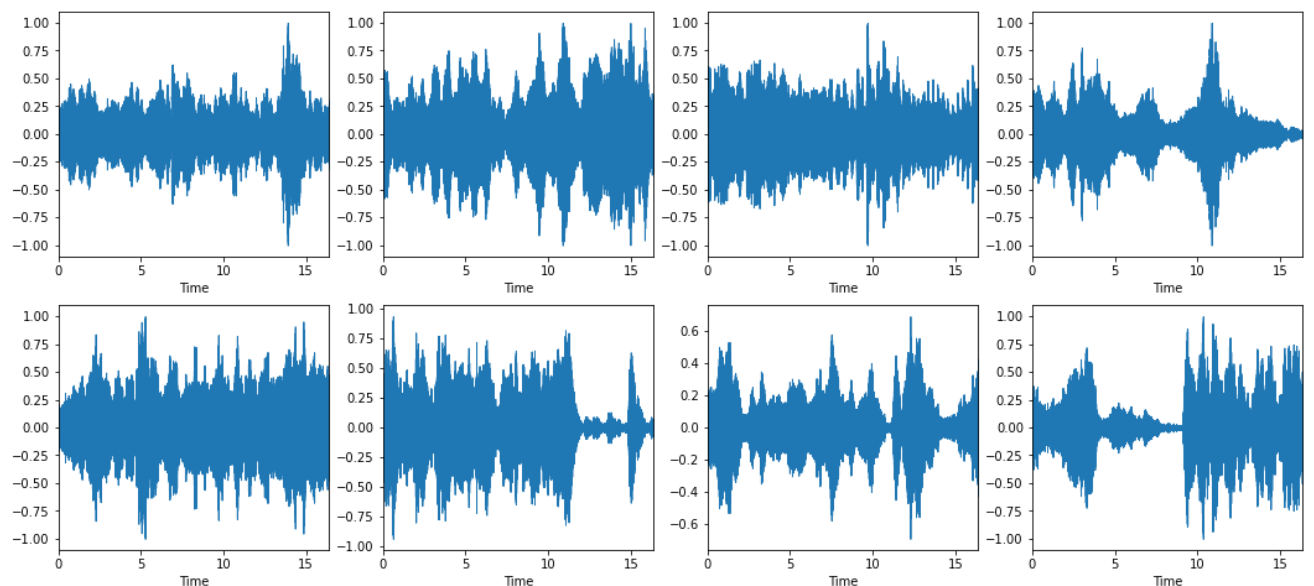


Para poder comparar com as ondas sonoras das músicas originais vamos mostrar as figuras das 8 primeiras músicas originais.

```

In [91]: 1 # Mostra as figuras das primeiras 12 ondas sonoras originais
2 import librosa.display
3 plt.figure(figsize=(18,8))
4 for i in range(8):
5     plt.subplot(2, 4, i + 1)
6     sample = music_data[i,:num_amstras]
7     librosa.display.waveplot(sample, sr=freq)

```



Vamos também ouvir algumas músicas reconstruídas e as suas correspondentes originais para analisar a semelhança.

```
In [24]: 1 # Selecciona musica
          2 index = 6
          3 sample = prev_data[index]
          4 ipd.Audio(sample,rate=freq)
```

Out[24]:

0:00 / 0:00

```
In [25]: 1 # Toca música reconstruída correspondente à música original anteriormente tocada
          2 sample = music_data[index, :num_amstras]
          3 ipd.Audio(sample,rate=freq)
```

Out[25]:

0:00 / 0:00

- Observe que as imagens das ondas sonoras reconstruídas são praticamente iguais às originais. Além disso, o som das músicas reconstruídas são iguais ao som das músicas originais.

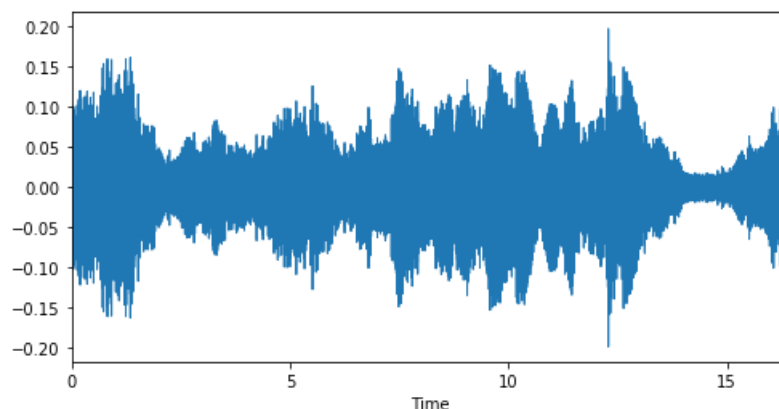
3.9 Geração de novas músicas

Vamos combinar a representação latente de uma ou mais músicas para gerar novas músicas.

Na célula abaixo é apresentado um exemplo onde se combinam duas representações latentes ponderadas igualmente. Observa-se que é possível usar pesos de ponderação diferentes e a soma dos pesos deve ser igual a 1.

```
In [27]: 1 # Seleciona músicas originais de forma aleatória
2 index1 = np.random.randint(0, num_music)
3 index2 = np.random.randint(0, num_music)
4 print(index1, index2)
5
6 # calcula representações latentes
7 z = encoder(train_data)
8
9 # Combina as duas representações latentes igualmente
10 z_mix = np.zeros((music_parts,latent_dim))
11 for i in range(music_parts):
12     i1 = index1*music_parts + i
13     i2 = index2*music_parts + i
14     z_mix[i] = 0.75*z[i1] + 0.25*z[i2]
15
16 # Gera nova música
17 music = decoder.predict(z_mix)
18 music = np.reshape(music, (music_parts*part_length))
19
20 # Mostra figura com onda sonora
21 plt.figure(figsize=(8,4))
22 librosa.display.waveplot(music, sr=freq)
23 plt.show()
24
25 # Toca música
26 ipd.Audio(music,rate=freq)
```

33 15



Out[27]:

0:00 / 0:00

- Observa-se que o resultado não é muito bom, sendo que as músicas geradas possuem algum ruído. Porém, isso decorre do fato de que um autoencoder não é feito para gerar novos dados e sim comprimir dados.
- Na próxima aula veremos como usar um autoencoder variacional para gerar novos dados.

3.10 Análise dos resultados

Para concluir, podemos observar que:

1. O autencoder é capaz de representar músicas a partir de uma vetor de dimensão inúmeras vezes menor do que o número de amostras das músicas.
2. O autoencoder é capaz de reconstruir músicas com erro muito pequeno a partir da representação latente.
3. O autoencoder é capaz de gerar novas músicas originais a partir da combinação do espaço latente de algumas músicas.

3. Eliminação de ruídos em imagens

Um autoencoder pode ser treinado para eliminar ruídos em imagens. De fato essa técnica é bastante usada e eliminação de ruídos em imagens é outra aplicação de autoencoders.

Nesse caso o autoencoder é treinado com as imagens de entrada com ruído e as imagens de saída sendo as imagens originais sem ruído. Dessa forma, o autoencoder aprende a subtrair o ruído das imagens e gerar imagens de melhor qualidade.

Observa-se que o autoencoder não recebe a imagem original na sua entrada, mas é esperado que ele regenere a imagem original sem ruído na saída.

Na Figura 6 é apresentado um esquema de um autoencoder treinado para receber imagens com ruídos e gerar a imagem sem ruído.

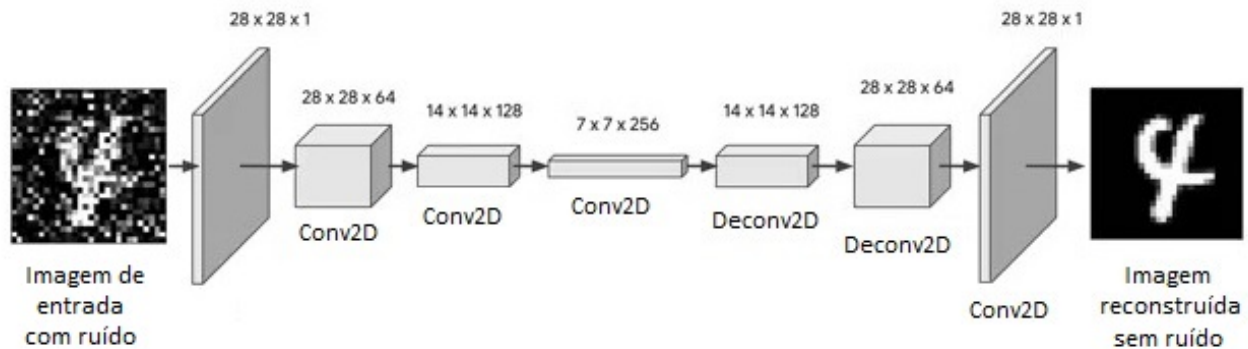


Figura 6 - Esquema de um autoencoder para eliminar ruído de imagens.

Para exemplificar essa aplicação de um autoencoder vamos utilizar o conjunto de dígitos MNIST.

3.1 Carregar e processar dados

A célula abaixo carrega o conjunto de dígitos MNIST da coleção do Keras.

```
In [ ]: 1 (x_train_orig, y_train), (x_test_orig, y_test) = tf.keras.datasets.mnist.load_data()
2
3 print('Dimensão dos dados de entrada de treinamento =', x_train_orig.shape)
4 print('Dimensão dos dados de entrada de teste =', x_test_orig.shape)
5 print('Dimensão dos dados de saída de treinamento =', y_train.shape)
6 print('Dimensão dos dados de saída de teste =', y_test.shape)
```

Vamos redimensionar as imagens para que tenham dimensão de 32x32 pixels. Isso é feito para garantir que as dimensões dos tensores quando as imagens forem reduzidas pelo codificador sejam sempre números inteiros.

```
In [ ]: 1 from skimage.transform import resize
2
3 x_train = resize(x_train_orig, (60000, 32,32), anti_aliasing=True)
4 x_test = resize(x_test_orig, (10000, 32,32), anti_aliasing=True)
5
6 print('Dimensão dos dados de entrada de treinamento =', x_train.shape)
7 print('Dimensão dos dados de entrada de teste =', x_test.shape)
```

- Observe que a função `resize` da biblioteca Skimage já realiza a normalização dos pixels das imagens para valores reais entre 0 e 1.

Vamos usar um autoencoder com camadas convolucionais, assim, não precisamos transformar as imagens em vetores.

3.2 Introdução de ruído nas imagens

As imagens de entrada são as imagens originais adicionadas de ruído gaussiano. Vamos testar diferentes desvios padrões para verificar o desempenho do autoencoder em eliminar ruídos.

```
In [ ]: 1 # Número de exemplos de treinamento e teste
2 m_train = x_train.shape[0]
3 m_test = x_test.shape[0]
4
5 # Define desvio padrão do ruído
6 noise_std = 0.5
7
8 # Adiciona ruído na imagens de treinamento e teste
9 x_train_noise = x_train + noise_std*np.random.randn(m_train, 32, 32)
10 x_test_noise = x_test + noise_std*np.random.randn(m_test, 32, 32)
11
12 # Acerta pixles com valores maiores do que 1 e menores do que 0
13 x_train_noise = np.clip(x_train_noise, 0.0, 1.0)
14 x_test_noise = np.clip(x_test_noise, 0.0, 1.0)
```

Gráficos de alguns exemplos de imagens originais e com ruído

```
In [ ]: 1 image_dim = (32, 32)
2
3 # Mostra imagens originais e reconstruídas
4 f, pos = plt.subplots(2, 10, figsize=(24, 5))
5 for i in range(10):
6     pos[0,i].imshow(x_train[i], cmap='gray')
7     pos[1,i].imshow(x_train_noise[i], cmap='gray')
8 plt.show()
```

- Observa-se que o ruído inserido nas imagens é significativo, mas ainda é possível identificar os dígitos.

3.3 Adição do eixo de cores nas imagens

As camadas convolucionais do Keras esperam receber imagens coloridas, ou seja, imagens com 3 eixos. Como as imagens de dígitos MNIST são em tons de cinza, devemos adicionar um quarto eixo aos tensores de imagens com dimensão 1.

```
In [ ]: 1 # Adição do eixo de cores nas imagens
2 x_train_4 = np.expand_dims(x_train, axis=3)
3 x_test_4 = np.expand_dims(x_test, axis=3)
4 x_train_noise_4 = np.expand_dims(x_train_noise, axis=3)
5 x_test_noise_4 = np.expand_dims(x_test_noise, axis=3)
6
7 # Dimensão dos tensores de imagens
8 print('Dimensão do tensor de imagens de treinamento:', x_train_4.shape)
9 print('Dimensão do tensor de imagens de teste:', x_test_4.shape)
10 print('Dimensão do tensor de imagens com ruído de treinamento:', x_train_noise_4.shape)
11 print('Dimensão do tensor de imagens com ruído de teste:', x_test_noise_4.shape)
```

3.4 Configuração do autoencoder

Nesse exemplo vamos utilizar um autoencoder com camadas convolucionais e com um grande número de parâmetros em relação ao número total de pixels das imagens.

A arquitetura usada no codificador é a seguinte:

- Camada convolucional com 16 filtros, dimensão dos filtros=3x3, stride=2, função de ativação ReLu, padding=same;
- Camada convolucional com 24 filtros, dimensão dos filtros=3x3, stride=2, função de ativação ReLu, padding=same;
- Camada convolucional com 32 filtros, dimensão dos filtros=3x3, stride=2, função de ativação ReLu, padding=same.

A arquitetura usada no decodificador é a seguinte:

- Camada de deconvolução com 16 filtros, dimensão dos filtros=3x3, stride=2, função de ativação ReLu, padding=same;
- Camada de deconvolução com 8 filtros, dimensão dos filtros=3x3, stride=2, função de ativação ReLu, padding=same
- Camada de deconvolução com 4 filtros, dimensão dos filtros=3x3, stride=2, função de ativação ReLu, padding=same
- Camada convolucional com 1 filtro, dimensão dos filtros=1x1, stride=1, função de ativação sigmode, padding=same.

Note que o objetivo desse autoencoder é eliminar ruído de imagens e não obter um espaço latente compacto para representar as imagens. Assim, não é importante que o número de características do código seja muito menor do que o número de pixels das imagens originais.

```
In [ ]: 1 # Importa camadas necessárias
2 from tensorflow.keras.models import Sequential
3 from tensorflow.keras.layers import Conv2D, Conv2DTranspose, BatchNormalization, LeakyReLU
4
5 # Configura codificador
6 encoder = Sequential()
7 encoder.add(Conv2D(16, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation=LeakyReLU(), input_shape=(
8 encoder.add(Conv2D(24, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation=LeakyReLU()))
9 encoder.add(Conv2D(32, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation=LeakyReLU()))
10
11 # Configura decodificador
12 decoder = Sequential()
13 decoder.add(Conv2DTranspose(16, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation='relu', input_sha
14 decoder.add(Conv2DTranspose(8, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation='relu'))
15 decoder.add(Conv2DTranspose(4, kernel_size=3, strides=2, padding='same', activation='relu'))
16 decoder.add(Conv2D(1, kernel_size=1, strides=1, padding='same', activation='sigmoid'))
17
18 # Configura autoencoder
19 autoencoder = Sequential([encoder, decoder])
20
21 # Sumario do codificador
22 print('Codificador:')
23 print(encoder.summary(), '\n\n')
24
25 # Sumario do decodificador
26 print('Decodificador:')
27 print(decoder.summary(), '\n\n')
28
29 # Sumario do autoencoder
30 print('Autoencoder:')
31 print(autoencoder.summary())
```

- A saída do codificar é um tensor de dimensão 4x4x32, que possui 512 elementos. Note que as imagens originais com dimensão 28x28 possuem 784 pixels, portanto, o espaço latente consiste de uma pequena redução de cerca de 1,5 vezes em relação às imagens originais.

3.5 Compilação do autoencoder

Vamos compilar o autoencoder com a seguinte configuração:

- Otimizador: Adam com taxa de aprendizado de 0.001;
- Função de custo: "binary cross entropy"
- Métrica: "binary_accuracy"

```
In [ ]: 1 # Define otimizador Adam
2 adam = tf.keras.optimizers.Adam(learning_rate=0.001)
3
4 # Compilação do autoencoder
5 autoencoder.compile(optimizer=adam, loss='binary_crossentropy', metrics=['binary_accuracy'])
```

3.6 Treinamento do autoencoder

Vamos treinar o autoencoder usando 30 épocas e lotes de 1024 elementos.

```
In [ ]: 1 results = autoencoder.fit(x_train_noise_4, x_train_4, epochs=30, batch_size=1024, validation_data=(x_t
```

```
In [ ]: 1 def plot_train(history):
2         history_dict = history.history
3
4         # Salva custos, métricas e épocas em vetores
5         custo = history_dict['loss']
6         acc = history_dict['binary_accuracy']
7         val_custo = history_dict['val_loss']
8         val_acc = history_dict['val_binary_accuracy']
9
10        # Cria vetor de épocas
11        epocas = range(1, len(custo) + 1)
12
13        # Gráfico dos valores de custo
14        plt.plot(epocas, custo, 'b', label='Custo - treinamento')
15        plt.plot(epocas, val_custo, 'r', label='Custo - validação')
16        plt.title('Valor da função de custo - treinamento e validação')
17        plt.xlabel('Épocas')
18        plt.ylabel('Custo')
19        plt.legend()
20        plt.show()
21
22        # Gráfico dos valores da métrica
23        plt.plot(epocas, acc, 'b', label='exatidão- treinamento')
24        plt.plot(epocas, val_acc, 'r', label='exatidão- validação')
25        plt.title('Valor da métrica - treinamento e validação')
26        plt.xlabel('Épocas')
27        plt.ylabel('Exatidão')
28        plt.legend()
29        plt.show()
30
31    plot_train(results)
```

3.7 Avaliação do AE

Para avaliar o desempenho do AE vamos calcular o valor da função de custo e da métrica.

```
In [ ]: 1 # Calcula função de custo e métrica
2         autoencoder.evaluate(x_train_noise_4, x_train_4)
3         autoencoder.evaluate(x_test_noise_4, x_test_4)
```

- Observa-se que a exatidão obtida é da ordem de 74% tanto para os dados de treinamento como de teste. Esse resultado não é muito bom, tendo em vista o fato do espaço latente ter quase o mesmo número de características do que as imagens originais tem de pixels. Porém, nota-se que a amplitude do ruído presente nas imagens de entrada é significativa.

3.8 Espaço latente das imagens

O espaço latente de cada imagem é um tensor de dimensão 4x4x32, assim, ele pode ser visto como sendo composto por 32 imagens de dimensão 4x4.

Vamos visualizar a representação latente de algumas imagens.

```
In [ ]: 1 # Calcula códigos das imagens de teste
2         code = encoder.predict(x_test_noise_4)
3         print('Dimensão do espaço latente:', code.shape)
4
5         # Seleciona imagem do conjunto de teste
6         index = 0
7
8         # Mostra canais do espaço latente
9         cont = 0
10        f, pos = plt.subplots(4, 8, figsize=(24, 16))
11        for i in range(4):
12            for j in range(8):
13                pos[i,j].imshow(code[index,:,:,:cont], cmap='gray')
14                cont += 1
15        plt.show()
```

- Obviamente não é possível analisar esses dados, pois eles somente tem algum significado para o decodificador.
- Observa-se que cada imagem de dimensão 4x4 do espaço latente representa a presença (pixel mais claro) ou não (pixel mais escuro) de uma determinada característica em 16 regiões diferentes das imagens.

3.9 Comparação das saídas previstas pelo autoencoder com as imagens sem ruído

As saídas previstas pelo autoencoder representam como são reconstruídos os dados de entrada a partir da representação latente dos dados de entrada.

Vamos reconstruir as primeiras 10 imagens de teste a partir das representações latentes calculadas no item anterior e visualizá-las junto com as imagens originais.

```
In [ ]: 1 # Reconstrução das imagens usando o espaço latente e o decodificador
2 x_prev = decoder.predict(code)
3 #x_prev = x_prev.astype(int)
4
5 # Mostra imagens originais e reconstruídas
6 f, pos = plt.subplots(3, 10, figsize=(24, 10))
7 for i in range(10):
8     img_prev = np.reshape(x_prev[i], (32, 32))
9     pos[0,i].imshow(np.squeeze(x_test_4[i]), cmap='gray')
10    pos[1,i].imshow(np.squeeze(x_test_noise_4[i]), cmap='gray')
11    pos[2,i].imshow(np.squeeze(img_prev), cmap='gray')
12 plt.show()
```

- Observe que as imagens reconstruídas são muito semelhantes às originais.
- Pode-se concluir que o autoencoder apresenta um desempenho muito bom mesmo com a grande amplitude do ruído presente nas imagens.
- É interessante analisar a influência da amplitude do ruído na qualidade das imagens reconstruídas.

4. Detecção de anomalias

Neste exemplo, vamos treinar um autoencoder para detectar anomalias em sinais de eletrocardiograma usando o conjunto de dados ECG5000 (<http://www.timeseriesclassification.com/description.php?Dataset=ECG5000> (<http://www.timeseriesclassification.com/description.php?Dataset=ECG5000>)). Este conjunto de dados contém 5.000 eletrocardiogramas, cada um com 140 amostras.

Nesse exemplo usaremos uma versão simplificada do conjunto de dados, onde cada exemplo é rotulado como 0 (correspondendo a um ritmo anormal) ou 1 (correspondendo a um ritmo normal). O objetivo é identificar os ritmos anormais.

Observação: esse conjunto de dados é rotulado, portanto, pode ser usado como um problema de aprendizado supervisionado. Porém, o objetivo deste exemplo é ilustrar o conceito de detecção de anomalias que pode ser aplicado a conjuntos de dados maiores, onde não há rótulos disponíveis (por exemplo, se tiver milhares de ritmos normais e apenas um pequeno número de ritmos anormais).

Um autoencoder é treinado para minimizar o erro de reconstrução. Assim, se for desejado que o autoencoder detecte anomalias, então, deve-se treiná-lo apenas com eletrocardiogramas normais e, utilizá-lo para reconstruir todos os dados. A hipótese é que os ritmos anormais terão maior erro de reconstrução. Dessa forma, é possível classificar um ritmo como uma anomalia se o erro de reconstrução ultrapassar um determinado limiar.

4.1 Carregar e processar dados

Os dados estão disponíveis no TensorFlow e estão em um CSV. Vamos utilizar o Pandas para carregar os dados.

```
In [ ]: 1 # Importa Pandas
2 import pandas as pd
3
4 # Carrega dados em um DataFrame
5 dataframe = pd.read_csv('http://storage.googleapis.com/download.tensorflow.org/data/ecg.csv', header=None)
6
7 # Salva valores do DataFrame em tensor Numpy
8 raw_data = dataframe.values
9
10 # Mostra 5 primeiras linhas do DataFrame
11 dataframe.head()
```

- Observe que cada linha do DataFrame é um exame de eletrocardiograma com 140 amostras.
- A última coluna do DataFrame é a classificação do exame.

Vamos analisar as estatísticas dos dados.

```
In [ ]: 1 dataframe.describe()
```

Separação das saídas das entradas e divisão dos dados em conjuntos de treinamento e validação.

```
In [ ]: 1 # Importa função para dividir dados
2 from sklearn.model_selection import train_test_split
3
4 # Separa as saídas
5 labels = raw_data[:, -1]
6
7 # Separa as entradas
8 data = raw_data[:, 0:-1]
9
10 # Divide dados em conjuntos de treinamento e validação
11 x_train, x_test, y_train, y_test = train_test_split(data, labels, test_size=0.2, random_state=21)
12
13 print('Dimensão do tensor de dados de entrada de treinamento:', x_train.shape)
14 print('Dimensão do tensor de dados de entrada de teste:', x_test.shape)
15 print('Dimensão do tensor de dados de saída de treinamento:', y_train.shape)
16 print('Dimensão do tensor de dados de saída de teste:', y_test.shape)
```

Normalização dos dados no intervalo [0,1] .

```
In [ ]: 1 # Calcula valores mínimos e máximos de cada coluna
2 min_val = tf.reduce_min(train_data)
3 max_val = tf.reduce_max(train_data)
4
5 # Normalização das entradas
6 x_train = (x_train - min_val) / (max_val - min_val)
7 x_test = (x_test - min_val) / (max_val - min_val)
8
9 # Transformação em números reais
10 x_train = tf.cast(x_train, tf.float32)
11 x_test = tf.cast(x_test, tf.float32)
```

Vamos treinar o autoencoder usando somente os eletrocardiogramas normais, que são rotulados com saída igual a 1. Dessa forma temos que separa os exames normais dos com problema.

```
In [ ]: 1 # Transforma saídas em variáveis booleanas
2 y_train = y_train.astype(bool)
3 y_test = y_test.astype(bool)
4
5 # Dados de entrada com exames normais
6 x_train_normal = x_train[y_train]
7 x_test_normal = x_test[y_test]
8
9 # Dados de entrada com exames com problemas
10 x_train_anormal = x_train[~y_train]
11 x_test_anormal = x_test[~y_test]
```

Gráfico de ECG normal.

```
In [ ]: 1 plt.grid()
2 plt.plot(np.arange(140), x_train_normal[0], 'b')
3 plt.plot(np.arange(140), x_train_normal[10], 'r')
4 plt.title("ECG normal")
5 plt.show()
```

Gráfico de ECG anormal.

```
In [ ]: 1 plt.grid()
2 plt.plot(np.arange(140), x_train_anormal[0], 'b')
3 plt.plot(np.arange(140), x_train_anormal[20], 'r')
4 plt.title("ECG anormal")
5 plt.show()
```

4.2 Configuração do autoencoder

Vamos usar camadas densas e modelos sequenciais para configurar o codificador, o decodificador e o autoencoder.

```
In [ ]: 1 # Importa classe de modelos e camadas
2 from tensorflow.keras import layers
3 from tensorflow.keras import models
4
5 # Define dimensões dos dados e do espaço latente
6 ecg_dim = x_train.shape[1]
7 latent_dim = 8
8
9 # Configura encoder
10 encoder = models.Sequential()
11 encoder.add(layers.Dense(32, activation="relu", input_shape=(ecg_dim,)))
12 encoder.add(layers.Dense(16, activation="relu"))
13 encoder.add(layers.Dense(8, activation="relu"))
14 print('Codificador')
15 encoder.summary()
16
17 # Configura decoder
18 print('\nDecodificar')
19 decoder = models.Sequential()
20 decoder.add(layers.Dense(16, activation="relu", input_shape=(latent_dim,)))
21 decoder.add(layers.Dense(32, activation="relu"))
22 decoder.add(layers.Dense(140, activation="sigmoid"))
23 decoder.summary()
24
25 # Configura autoencoder
26 print('\nAutoencoder')
27 autoencoder = models.Sequential([encoder, decoder])
28 autoencoder.summary()
```

4.3 Compilação e treinamento do autoencoder

Para compilar o autoencoder, vamos usar o método de otimização Adam com taxa de aprendizagem 0,001, a função de custo erro quadrático médio (mae) e a métrica erro absoluto médio (mae).

```
In [ ]: 1 autoencoder.compile(optimizer='adam', loss='mse', metrics=['mae'])
```

Para treinar o autoencoder vamos usar 200 épocas e um lote de 256 exemplos.

Note que o autoencoder é treinado usando somente os exames normais, mas é avaliado usando todos os dados.

Notice that the autoencoder is trained using only the normal ECGs, but is evaluated using the full test set.

```
In [ ]: 1 results = autoencoder.fit(x_train_normal, x_train_normal,
2                               epochs=200,
3                               batch_size=512,
4                               validation_data=(x_test_normal, x_test_normal))
```

Gráfico do processo de treinamento.

```
In [ ]: 1 history = results.history
2
3 plt.plot(history["loss"], 'b', label="Custo treinamento")
4 plt.plot(history["val_loss"], 'r', label="Custo validação")
5 plt.legend()
6 plt.show()
7
8 plt.plot(history["mae"], 'b', label="Métrica treinamento")
9 plt.plot(history["val_mae"], 'r', label="Métrica validação")
10 plt.legend()
11 plt.show()
```

- Observe que não aparece problema de overfitting no treinamento.
- O erro de absoluto médio é de cerca de 0.013, o que é um bom resultado. Porém, como não está ocorrendo overfitting poderia testar dimensões maiores para o espaço latente para reduzir esse erro.

4.4 Avaliação e teste

Para avaliar o autoencoder vamos fazer o gráfico de exames normais/anormais originais, das suas reconstruções pelo autoencoder e do erro de reconstrução

Gráficos de exames normais.

```
In [ ]: 1 # Reconstrução de exames normais
2 code = encoder(x_test_normal).numpy()
3 exames_rec = decoder(code).numpy()
4
5 # Mostra exames normais originais, reconstruídos e erro
6 print('Exames normais')
7 f, pos = plt.subplots(4, 1, figsize=(10, 16))
8 for i in range(4):
9     pos[i].plot(x_test_normal[i], 'b')
10    pos[i].plot(exames_rec[i], 'r')
11    pos[i].fill_between(np.arange(140), exames_rec[i], x_test_normal[i], color='lightcoral' )
12    pos[i].legend(labels=["Exame normal", "Reconstrução", "Erro"])
13 plt.show()
```

Gráficos de exames com problemas.

```
In [ ]: 1 code = encoder(x_test_anormal).numpy()
2 exames_rec = decoder(code).numpy()
3
4 # Mostra exames normais originais, reconstruídos e erro
5 print('Exames com problemas')
6 f, pos = plt.subplots(4, 1, figsize=(10, 16))
7 for i in range(4):
8     pos[i].plot(x_test_anormal[i], 'b')
9     pos[i].plot(exames_rec[i], 'r')
10    pos[i].fill_between(np.arange(140), exames_rec[i], x_test_anormal[i], color='lightcoral' )
11    pos[i].legend(labels=["Exame normal", "Reconstrução", "Erro"])
12 plt.show()
```

- Observe que o erro de reconstrução é bem maior para os casos dos exames com problemas.

4.5 Detecção de anomalias

Anomalias nos exames são detectadas se o erro de reconstrução é maior que um determinado limiar.

Vamos usar o erro absoluto médio para calcular o erro de reconstrução e vamos considerar exames como sendo anormais se o erro de reconstrução for maior do que um desvio padrão do conjunto de treinamento.

Cálculo do erro de reconstrução dos exames normais

```
In [ ]: 1 # Reconstrução dos exames normais
2 exames_normais_rec = autoencoder.predict(x_train_normal)
3
4 # Cálculo do erro de reconstrução dos exames normais
5 erro_rec = tf.keras.losses.mae(exames_normais_rec, x_train_normal)
6
7 # Gráfico do histograma do erro de reconstrução
8 plt.title('Erro de reconstrução - exames normais')
9 plt.hist(erro_rec, bins=50)
10 plt.xlabel("Erro de reconstrução")
11 plt.ylabel("Número de exemplos")
12 plt.show()
```

Cálculo do limiar de normalidade

Vamos calcular o desvio padrão do erro de reconstrução dos exames normais para usar como limiar para identificar anomalias.

```
In [ ]: 1 # Calculo do desvio padrão
2 std = np.std(erro_rec)
3
4 # Limiar de normalidade
5 limiar = np.mean(erro_rec) + std
6 print("Limiar: ", limiar)
```

Oberve que existem outras estratégias que podem ser usadas para selecionar um valor limite acima do qual os exames devem ser classificados como anormais → a abordagem adequada depende do conjunto de dados.

Se forem examinados os erros de reconstrução para os exemplos anormais do conjunto de teste, é possível notar que a maioria tem um erro de reconstrução maior do que o limiar adotado.

Observa-se que Variando o limiar é possível ajustar a "precisão" e a "revocação" do detector de anomalias.

Cálculo do erro de reconstrução dos exames anormais

```
In [ ]: 1 # Reconstrução dos exames normais
2 exames_anormais_rec = autoencoder.predict(x_train_anormal)
3
4 # Cálculo do erro de reconstrução dos exames anormais
5 erro_rec = tf.keras.losses.mae(exames_anormais_rec, x_train_anormal)
6
7 # Gráfico do histograma do erro de reconstrução
8 plt.hist(erro_rec, bins=50)
9 plt.title('Erro de reconstrução - exames anormais')
10 plt.xlabel("Erro de reconstrução")
11 plt.ylabel("Número de exemplos")
12 plt.show()
```

- Observe que o erro de reconstrução de praticamente todos os exames anormais é maior do que o limiar calculado de 0.01956.

Identificação de anomalias

Para identificar anomalias vamos criar uma função (`diagnostico()`) que calcula o erro de reconstrução e o compara com o limiar e retorna o diagnóstico.

```
In [ ]: 1 # Importa funções da biblioteca Sklearn
2 from sklearn.metrics import accuracy_score, precision_score, recall_score
3
4 # Função para diagnosticar anomalia em exame ECG
5 def diagnostico(model, data, limiar):
6     reconstrucao = model(data)
7     erro = tf.keras.losses.mae(reconstrucao, data)
8     return tf.math.less(erro, limiar)
9
10 # Função para mostrar resultados
11 def print_stats(prevs, labels):
12     print("Exatidão = {}".format(accuracy_score(labels, prevs)))
13     print("Precisão = {}".format(precision_score(labels, prevs)))
14     print("Revocação = {}".format(recall_score(labels, prevs)))
```

```
In [ ]: 1 prevs = diagnostico(autoencoder, x_test, limiar)
2 print_stats(prevs, y_test)
```

- A função `tf.math.less(x, y)`, retorna `False` se $y \geq x$ e `True` se $y < x$.
- As funções `accuracy_score()`, `precision_score()` e `recall_score()` da biblioteca Sklearn calculam a exatidão, a precisão e a revocação entre dois conjuntos de dados.

5. Conclusão

Como vimos, os autoencoders são muito eficientes para realizar alguns tipos de tarefas, tais como: compressão de dados, eliminação de ruídos, restauração de dados, detecção de anomalias e até geração de novos dados de forma limitada.

Um problema dos autoencoders que faz com eles sejam ruins para gerar novos exemplos é que o espaço latente criado por eles contém lacunas e não é possível saber como são os dados gerados nessas lacunas. Isso equivale à falta de dados em um problema de aprendizado supervisionado, pois o modelo não é treinado para essas regiões do espaço latente.

Outro problema dos autoencoders é a separabilidade dentre as regiões do espaço latente que representam cada classe, várias classes ficam bem separadas, mas também existem regiões onde as classes se misturam aleatoriamente, tornando difícil separá-las.

Esses problemas com os autoencoders são resolvidos nos autoencoders variacionais, que aprendem a distribuição de probabilidade dos dados usados no treinamento.

In []: 1