# T3\_Redes\_complexas

November 27, 2020

# Trabalho #3 - Redes Complexas

Nesse trabalho você vai desenvolver uma RNA para realizar uma tarefa de geração de imagem. A tarefa consiste em gerar um nariz para um rosto de uma pessoa. Assim, dada uma imagem de um rosto de uma pessoa com uma máscara cobrindo o nariz, a RNA deve gerar uma imagem desse rosto com um nariz adequado.

Esse trabalho consiste de uma aplicação real de redes neurais, que foi desenvolvida para a Faculdade de Odontologia da USP para permitir criar próteses nasais adequadas para pacientes que perderam o nariz.

Para realizar essa tarefa iremos usar uma rede neural tipo residual.

## Coloque o seu nome aqui:

Nome: Bruno Rodrigues

```
[37]: from google.colab import drive drive.mount('/content/drive')
```

Drive already mounted at /content/drive; to attempt to forcibly remount, call drive.mount("/content/drive", force\_remount=True).

```
[38]: %cd /content/drive/My Drive/!ls
```

Em primeiro lugar é necessário importar alguns pacotes do Python que serão usados ao longo nesse trabalho:

- numpy: pacote de cálculo científico com Python
- matplotlib: biblioteca para gerar gráficos em Python
- h5py: biblioteca que permite ler e escrever arquivos no formato h5
- skimage: bilioteca para porcessar imagens
- TensorFlow

```
[6]: import numpy as np
  import h5py
  import matplotlib.pyplot as plt
  from skimage.io import imread
  from skimage.transform import resize
  import tensorflow as tf
```

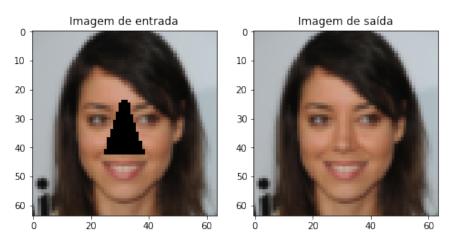
# Visão geral do problema

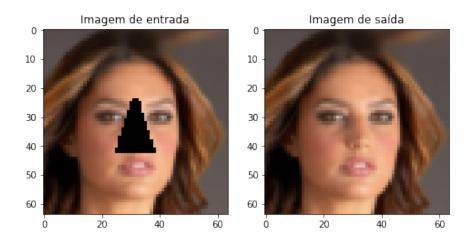
O objetivo desse problema é desenvolver uma RNA que recebe como entrada uma imagem de um rosto com uma máscara preta cobrindo a região do nariz e gera uma nova imagem do rosto com um nariz adequado.

O conjunto de dados usado nesse trabalho foi criado usando o banco de imagens de celebridades CELEBA-HQ-512, que possui 30.000 imagens de rostos de celebridades com resolução 512 por 512. Esse banco de dados pode ser visto no link: https://github.com/tkarras/progressive\_growing\_of\_gans.

Nesse trabalho iremos utilizar somente 1.800 imagens com dimensão reduzida para 64 por 64. Essa redução no número e na dimensão das imagens é feita somente para podermos realizar o treinamento da RNA em um tempo razoável.

As figuras abaixo mostram dois exemplos do conjunto de dados.





### 2 Dados de treinamento

As imagens que iremos utilizar nesse trabalho já foram processadas de forma a criar o par de imagens de entrada e saída. As imagens estão no arquivo data64.h5.

Características dos dados:

- As imagens são coloridas e estão no padrão RGB;
- Cada imagem de entrada e de saída tem dimensão de 64x64x3;
- As imagens já foram normalizadas, então, o valor da intensidade luminosa de cada pixels é um número real entre 0 e 1;
- As imagens de entrada consistem em rostos de celebridades com a máscara preta cobrindo o nariz;
- As imagens de saída consistem nos rostos das celebridades.

#### 2.1 Leitura dos dados

Para iniciar o trabalho é necessário ler o arquivo de dados. Assim, execute o código da célula abaixo para ler o arquivo de dados.

**Importante:** Para obter o arquivo de dados você deve copiar o link abaixo no seu browser e dar o download. Após isso colocar o arquivo em algum diretório que possa ser usado. https://drive.google.com/open?id=1G5Ot0SaVhyoSg3sEpDtMwTCh\_nLtFu7b

```
[7]: # Abre arquivo de dados data64.h5
     hf = h5py.File('data64.h5','r')
     # Le imagens do arquivo. As imagens estão em um dicionário, sendo que os dados e<sub>l</sub>
     →entrada e saída estão separados,
     # assim como os dados de treinamento, validação e teste.
     x_train0 = np.array(hf.get('x_train'))
     y_train0 = np.array(hf.get('y_train'))
     x_val0 = np.array(hf.get('x_val'))
     y_val0 = np.array(hf.get('y_val'))
     x_test0 = np.array(hf.get('x_test'))
     y_test0 = np.array(hf.get('y_test'))
     x_{train} = x_{train}0[:1200]
     y_train = y_train0[:1200]
     x_val = x_val0[:300]
     y_val = y_val0[:300]
     x_test = x_test0[:300]
     y_test = y_test0[:300]
     img_size = x_train.shape[1:4]
```

```
# Feche arquivo de dados
hf.close()

# Imprime dimensão dos conjuntos de dados
print('Dimensão dos dados de treinamento (entrada/saída) =', x_train.shape,

y_train.shape)
print('Dimensão dos dados de validação (entrada/saída) =', x_val.shape, y_val.

shape)
print('Dimensão dos dados de teste (entrada/saída) =1', x_test.shape, y_test.

shape)
```

```
Dimensão dos dados de treinamento (entrada/saída) = (1200, 64, 64, 3) (1200, 64, 64, 3)

Dimensão dos dados de validação (entrada/saída) = (300, 64, 64, 3) (300, 64, 64, 3)

Dimensão dos dados de teste (entrada/saída) =1 (300, 64, 64, 3) (300, 64, 64, 3)
```

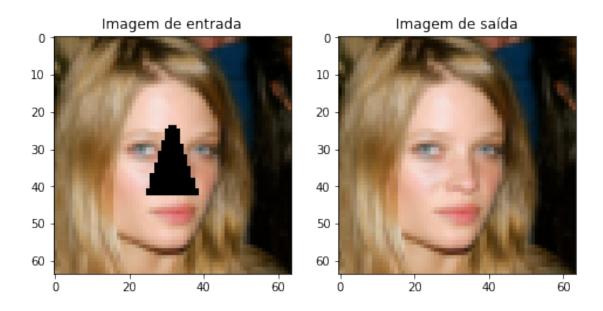
Pela dimensão dos tensores com os dados de treinamento, validação e teste temos:

- 1200 imagens de treinamento com dimensão de 64x64x3 pixels;
- 300 imagens de validação com dimensão de 64x64x3 pixels;
- 300 imagens de teste com dimensão de 64x64x3 pixels.

Execute a célula a seguir para visualizar um exemplo do banco de dados. Altere o valor da variável 'index' e execute a célula novamente para visualizar mais exemplos diferentes.

```
[8]: # Mostra exemplo de imagem de entrada e saída

# Trocar o valor de index para mostrar outras imagens
index = 300
f, pos = plt.subplots(1, 2, figsize=(8, 8))
pos[0].imshow(x_train[index])
pos[0].set_title('Imagem de entrada')
pos[1].imshow(y_train[index])
pos[1].set_title('Imagem de saída')
plt.show()
```



### 3 RNA convolucional

Nesse trabalho você irá usar uma RNA convolucional residual conforme visto em aula. Então a primeira etapa é criar um bloco reasidual para depois unir vários blocos em uma RNA.

**Importante:** a saída dessa RNA é uma imagem com a mesma dimensão da imagem de entrada, assim, a dimensão da imagem original deve ser preservada em todas as camadas convolucionais.

# 3.1 Exercício #1: Criar uma função que define um bloco residual

Na célula abaixo crie um bloco residual exatamente igual ao visto em aula. Não se esqueca de incluir a opção padding='same' nas camadas convolucionais que as saídas tenham a mesma dimensão.

```
[9]: # PARA VOCÊ FAZER: Função bloco_residual

from tensorflow.keras import layers

def bloco_residual(X, n, dim):
    """

    Entradas:
        X = tensor de entrada
        n = número de filtros
        dim = dimensão dos filtros

    Saída:
        A2 -> tensor de saída
    """
```

```
# Configuração do bloco
# Inclua o seu código aqui
#
A1 = layers.Conv2D(n, (dim, dim), strides=1, padding='same',
activation='relu')(X)
Z2 = layers.Conv2D(n, (dim, dim), strides=1, padding='same',
activation='linear')(A1)

ZX = layers.Add()([Z2, X])
A2 = layers.Activation('relu')(ZX)

# Retorna saída
return A2
```

#### 3.2 Exercício #2: Criar uma RNA com blocos residuais

Na célula abaixo crie uma RNA com 6 blocos residuais. Use o bloco residual definido na função bloco\_residual criada no exercício #1. Note que antes de um bloco residual pode ser necessária uma camada convolucional para ajustar a dimensão dos tensores para não ter problema na hora de realizar a soma dentro do bloco residual.

As configuração dessa rede é a seguinte:

- Camada de entrada que recebe as imagens de dimensão 64x64x3
- Camada convolucional: 128 filtros de dimensão 5x5, ativação relu
- 10 bloco residual: 128 filtros de dimensão 5x5
- Camada convolucional: 256 filtros de dimensão 5x5, ativação relu
- 20 e 30 blocos residuais: 256 filtros de dimensão 5x5
- Camada convolucional: 128 filtros de dimensão 5x5, ativação relu
- 4o e 5o blocos residuais: 128 filtros de dimensão 5x5
- Camada convolucional: 64 filtros de dimensão 5x5, ativação relu
- 60 bloco residual: 64 filtros de dimensão 5x5
- Camada convolucional: 3 filtros de dimensão 5x5, ativação linear

Observe que todas as camadas convoluciionais devem ser com padding='same'.

```
[10]: # PARA VOCÊ FAZER: Rede residual

from tensorflow.keras import Input
from tensorflow.keras.models import Model
from tensorflow.keras.layers import Conv2D
from tensorflow.keras.utils import plot_model

# Definição da dimensão da entrada e da camada de entrada (use camada tipo Input)
# Inclua seu código aqui
#
input_shape = (64, 64, 3)
```

```
X0 = Input(input_shape)
# Inclua seu código aqui
# Camada convolucional para ajustar número de canais para poder ser somada<sub>u</sub>
→dentro do bloco residual
X1 = Conv2D(128, (5, 5), strides=1, activation='relu', padding='same')(X0)
# Primeiro bloco residual com 128 filtros
X2 = bloco_residual(X1, 128, 5)
# Camada convolucional para ajustar número de canais para poder ser somada<sub>u</sub>
→ dentro do bloco residual
X3 = Conv2D(256, (5,5), strides=1, activation='relu', padding='same')(X2)
# Segundo bloco residual com 256 filtros
X4 = bloco_residual(X3, 256, 5)
# Terceiro bloco residual com 256 filtros
X5 = bloco_residual(X4, 256, 5)
# Camada convolucional para ajustar número de canais para poder ser somada_{\sqcup}
→ dentro do bloco residual
X6 = Conv2D(128, (5,5), strides=1, activation='relu', padding='same')(X5)
# Quarto bloco residual com 128 filtros
X7 = bloco_residual(X6, 128, 5)
# Quinto bloco residual com 128 filtros
X8 = bloco_residual(X7, 128, 5)
# Camada convolucional para ajustar número de canais para poder ser somada<sub>u</sub>
→dentro do bloco residual
X9 = Conv2D(64, (5,5), strides=1, activation='relu', padding='same')(X8)
# Sexto bloco residual com 64 filtros
X10 = bloco_residual(X9, 64, 5)
# Camada convolutional para acertar profundidade da imagem resultante no padrãou
\hookrightarrow RGB
X11 = Conv2D(3, (5,5), strides=1, activation='linear', padding='same')(X10)
# Criação da RNA
# Inclua seu código aqui
rna = Model(X0, X11)
# Mostra resumo da RNA
rna.summary()
```

# Se quiser visualizar o gráfico da rede criada tire o comentário da linha de⊔
→ baixo. Esse comando cria um gráfico
# da rede e salva no arquivo rna.png
#plot\_model(rna, to\_file='rna.png', show\_shapes=True)

Model: "functional_1"			
 Layer (type) ====================================	Output Shape	Param #	Connected to
	[(None, 64, 64, 3)]	0	
conv2d (Conv2D)	(None, 64, 64, 128)		input_1[0][0]
conv2d_1 (Conv2D)	(None, 64, 64, 128)	409728	conv2d[0][0]
conv2d_2 (Conv2D)	(None, 64, 64, 128)		
 add (Add)	(None, 64, 64, 128)		conv2d[0][0]
activation (Activation)		0	add[0][0]
conv2d_3 (Conv2D) activation[0][0]	(None, 64, 64, 256)	819456	
conv2d_4 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	1638656	conv2d_3[0][0]
conv2d_5 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	1638656	conv2d_4[0][0]
 add_1 (Add)	(None, 64, 64, 256)	0	conv2d_5[0][0] conv2d_3[0][0]
activation_1 (Activation)	(None, 64, 64, 256)	0	add_1[0][0]

conv2d_6 (Conv2D) activation_1[0][0]	(None,					
conv2d_7 (Conv2D)						conv2d_6[0][0]
add_2 (Add) activation_1[0][0]					0	conv2d_7[0][0]
activation_2 (Activation)	(None,	64,	64,	256)	0	add_2[0][0]
conv2d_8 (Conv2D) activation_2[0][0]	(None,	64,	64,	128)	819328	
conv2d_9 (Conv2D)	(None,	64,	64,	128)	409728	conv2d_8[0][0]
conv2d_10 (Conv2D)	(None,	64,	64,	128)	409728	conv2d_9[0][0]
add_3 (Add)	(None,	64,	64,	128)	0	conv2d_10[0][0] conv2d_8[0][0]
activation_3 (Activation)	(None,	64,	64,	128)	0	add_3[0][0]
conv2d_11 (Conv2D) activation_3[0][0]	(None,	-				
conv2d_12 (Conv2D)	(None,	64,	64,	128)	409728	conv2d_11[0][0]
add_4 (Add) activation_3[0][0]	•					conv2d_12[0][0]
activation_4 (Activation)	(None,	64,	64,	128)	0	add_4[0][0]
conv2d_13 (Conv2D) activation_4[0][0]	(None,	64,	64,	64)	204864	

conv2d_14 (Conv2D)	(None, 6	 64,	64,	64)	102464	conv2d_13[0][0]
conv2d_15 (Conv2D)	(None, 6	64, 	64,	64)	102464	conv2d_14[0][0]
add_5 (Add)	(None, 6	64,	64,	64)	0	conv2d_15[0][0] conv2d_13[0][0]
activation_5 (Activation)	(None, 6	64, 	64,	64)	0	add_5[0][0]
conv2d_16 (Conv2D) activation_5[0][0]	(None, 6	64,	64,	3)	4803	
		_===		====	========	

Total params: 11,076,099
Trainable params: 11,076,099

Non-trainable params: 0

\_\_\_\_\_\_

# Saída esperada:

Model: "model"

Layer (type)	Output Shape	Param #	Connected to
input_1 (InputLayer)	[(None, 64, 64, 3)]		
conv2d (Conv2D)	(None, 64, 64, 128)		input_1[0][0]
conv2d_1 (Conv2D)	(None, 64, 64, 128)	409728	conv2d[0][0]
conv2d_2 (Conv2D)	(None, 64, 64, 128)	409728	conv2d_1[0][0]
add (Add)	(None, 64, 64, 128)	0	conv2d_2[0][0] conv2d[0][0]
activation (Activation)	(None, 64, 64, 128)	0	add[0][0]
conv2d_3 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	819456	activation[0][0]
conv2d_4 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	1638656	conv2d_3[0][0]
conv2d_5 (Conv2D)	(None, 64, 64, 256)	1638656	conv2d_4[0][0]

	(None 64		2E6)		
add_1 (Add)	(None, 64	, 04,	∠30 <i>)</i>		conv2d_5[0][0] uv2d_3[0][0] 
activation_1 (Activation)	(None, 64	, 64,	256)	0	add_1[0][0]
conv2d_6 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	256)	1638656	activation_1[0][0]
conv2d_7 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	256)	1638656	conv2d_6[0][0]
add_2 (Add)	(None, 64	, 64,	256)	0	conv2d_7[0][0] activation_1[0][0]
activation_2 (Activation)	(None, 64	, 64,	256)	0	add_2[0][0]
conv2d_8 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	128)	819328	activation_2[0][0]
conv2d_9 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	128)	409728	conv2d_8[0][0]
conv2d_10 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	128)	409728	conv2d_9[0][0]
add_3 (Add)	(None, 64	, 64,	128)	0	conv2d_10[0][0] conv2d_8[0][0]
activation_3 (Activation)	(None, 64	, 64,	128)	0	add_3[0][0]
conv2d_11 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	128)	409728	activation_3[0][0]
conv2d_12 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	128)	409728	conv2d_11[0][0]
add_4 (Add)	(None, 64	, 64,	128)	0	conv2d_12[0][0] activation_3[0][0]
activation_4 (Activation)	(None, 64	, 64,	128)	0	add_4[0][0]
conv2d_13 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	64)	204864	activation_4[0][0]
conv2d_14 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	64)	102464	conv2d_13[0][0]
conv2d_15 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	64)	102464	conv2d_14[0][0]
add_5 (Add)	(None, 64	, 64,	64)	0	conv2d_15[0][0] conv2d_13[0][0]
activation_5 (Activation)	(None, 64	, 64,	64)	0	add_5[0][0]
conv2d_16 (Conv2D)	(None, 64	, 64,	3)	4803 =======	activation_5[0][0]

Total params: 11,076,099 Trainable params: 11,076,099 Non-trainable params: 0

\_\_\_\_\_\_

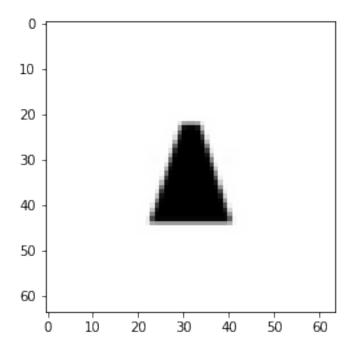
# 4 Função de custo e métrica

### 4.1 Máscara

Para implementar essa função de custo é necessário usar uma imagem com a máscara. Essa máscara está no arquivo mask512.h5 e tem dimensão 512x512x3. Execute a célula abaixo para visualizar a máscara utilizada, já redimensionada para 64x64x3 pixels.

```
[23]: mask0 = imread('mask512.jpg')
mask0 = np.array(mask0)/255.
mask = resize(mask0, (64, 64, 3), preserve_range=True)
plt.imshow(mask)
plt.show()
```

Clipping input data to the valid range for imshow with RGB data ([0..1] for floats or [0..255] for integers).



# 4.2 Função de custo

Como a RNA processa toda a imagem e não somente a região escondida pela máscara que se deseja reconstruir, então, a função de custo deve diferenciar a reconstrução da parte que contém

a máscara (o triângulo que omite o nariz) das outras regiões da imagem. Para isso usa-se uma função de custo desenvolvida por Liu et al. (2018) na qual são atribuídos pesos maiores para os pixels internos à máscara e pesos menores para os pixels fora da máscara. A função de custo  $L_{total}$  é definida por:

$$L_{total} = L_{valid} + 10L_{hole}$$

onde,

$$L_{hole} = rac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} (1-m_i) |y_{orig(i)} - y_{prev(i)}|$$

$$L_{valid} = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} (m_i) |y_{orig(i)} - y_{prev(i)}|$$

onde  $m_i$  é o valor do pixel i da máscara,  $y_{orig(i)}$  é o valor do pixel i da imagem original sem a máscara,  $y_{prev(i)}$  é o valor do pixel i da imagem reconstruída pela rede e N é o número total de pixels das imagens, que no caso é 64643.

Nota-se que na função  $L_{hole}$  são considerados somente os pixels que estão dentro da região da máscara e na função  $L_{valid}$  são considerados os pixels externos à máscara. Os pesos atribuídos para  $L_{valid}$  e  $L_{hole}$  na função de custo total  $L_{total}$  foram determinados por meio de uma processo de otimização usando 100 imagens.

**Referência:** Liu ewt al., Image Inpainting for Irregular Holes Using. Computer Vision Foundation.Liu, et al., 2018. (http://openaccess.thecvf.com/content\_ECCV\_2018/html/Guilin\_Liu\_Image\_Inpainting\_to...)

Execute a célula abaixo para definir as funções  $L_{hole}$  e  $L_{valid}$  para serem usadas na função de custo  $L_{total}$ .

```
[24]: # Função L1, usadas pelas funções L_hole e L_ valid para calcula o erro absolutoumédio de dois tensores.

import tensorflow.keras.backend as K

def l1(y_true, y_pred):
    """Calculate the L1 loss used in loss calculations"""
    return K.mean(K.abs(y_pred - y_true))

# Função L_hole

def loss_hole(mask, y_true, y_pred):
    """Pixel L1 loss within the mask"""
    return l1((1-mask) * y_true, (1-mask) * y_pred)

# Função L_valid

def loss_valid(mask, y_true, y_pred):
    """Pixel L1 loss outside the mask"""
    return l1(mask * y_true, mask * y_pred)
```

# 4.3 Exercício #3: Função de custo

Usando as funções  $L_{valid}$  e  $L_{hole}$  complete a célula abaixo para implementar a função de custo Ltotal conforme as equações definidas acima.

```
[27]: # PARA VOCÊ FAZER: Função de custo L_total

def L_total(y_true, y_pred):
    """
    Entradas:
        y_true = saída desejada
        y_pred = saída calculada pela rede

Retorna:
        Função de custo Ltotal
    """

    # ler máscara e redimensiona para 64x64
    # Inclua seu código aqui
    #

    Ltotal = loss_valid(mask, y_true, y_pred) + 10*loss_hole(mask, y_true, u_vy_pred)
    # Calcula componentes da função de custo e depois a função de custo total
    # (use as funções definidas na célula de código anterior)
    #

# Retorna função de custo
    return Ltotal
```

Execute a célula abaixo para testar a sua função de custo  $L_{total}$ .

```
[28]: # Define imagem de teste
index = 0

# Expande número de eixos para incluir 10 eixo dos exemplos
yorig = np.expand_dims(y_train[index], axis=0)
yprev = np.expand_dims(x_train[index], axis=0)

# Calcula função de custo
loss = L_total(yorig, yprev)

# Abre sessão do TensorFlow para excutar a função L_total
print('L_total = ', format(loss))
```

L\_total = 0.2263141871348749

#### Saída esperada:

 $L_{total} = 0.22633828$ 

#### 4.4 Métrica

A métrica adequada para esse problema é a relação sinal ruído, geralmente abreviada por PSNR, ver https://en.wikipedia.org/wiki/Peak\_signal-to-noise\_ratio. A PSNR define a relação entre o valor máximo de um sinal e o ruído presente no sinal, que afeta a sua fidelidade.

PSNR é definida em termos da base logaritmica de decibel, sendo mais fácilmente entendida usando o erro quadrático médio (MSE), dado pela seguinte equação:

$$MSE = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} [y_{orig(i)} - y_{prev(i)}]^2$$

onde  $y_{orig(i)}$  é o valor do pixel i da imagem original,  $y_{prev(i)}$  é o valor do pixel i da imagem gerada pela rede e N é o número total de pixels das imagens. Assim, o MSE representa a média do erro quadrático entre os valores dos pixels das imagens original e gerada pela rede.

Tendo o MSE a PSNR é definida por:

$$PSNR = 10.log_{10}(\frac{max^2}{MSE}) = 20.log_{10}(max) - 10.log_{10}(MSE)$$

onde max é o valor máximo que um pixel das imagens pode assumir. No caso as imagens estão normalizadas entre 0 e 1, ou seja, max = 1, mas como  $log_{10}(1) = 0$ , então, a equação acima é simplificada para:

$$PSNR = -10.log_{10}(MSE)$$

Note que se a imagem reconstruída for igual a imagem original, então,  $PSNR = \infty$ , ou seja, quanto melhor for a imagem reconstruída maior o valor de PSNR.

#### 4.5 Exercício #4: Métrica PSNR

A métrica PSNR não está disponível no Keras então temos que implementá-la. Assim, na célula abaixo crie a função que calcula essa métrica de acordo com a equação definida acima. Observe que uma métrica do Keras deve receber como parâmetros a saída desejada e a saída calculada pela rede. Para implementar facilmente essa métrica você pode usar as funções square, mean e log da classe backend do Keras.

Observe que a função  $\log$  do keras calcula o logaritmo na base e, assim, para calcular o logaritmo de um número x na base  $\log$ 0, deve-se fazer a mudança de base usando a seguinte equação:

$$log_{10}(x) = \frac{log_e(x)}{log_e(10)}$$

#### Observação:

Note que o TensorFlow-Keras Backend foi importado como K. Isso significa que para usar as funções do Keras é necessário escrever K.function(...).

```
[29]: # PARA VOCÊ FAZER: Função da métrica PSNR
      def PSNR(y_true, y_pred):
          Entradas:
              y_true = saida desejada
              y_pred = saída calculada pela rede
          Retorna:
              psrn
          # Define uma constante iqual a 10.0 do mesmo tipo dos tensores de entrada
       \rightarrowpara poder calcular log(10)
          tipo = y_true.dtype
          dez = tf.constant(10.0, dtype=tipo)
          # Cálculo de mse e psnr
          # Inclua seu código aqui
          mse = K.mean(K.square(y_pred - y_true))
          log_mse = K.log(mse)
          psnr = - dez * log_mse/K.log(dez)
          return psnr
```

Execute a célula abaixo para testar a sua função PSNR.

```
[30]: import tensorflow as tf

# Define imagens
index = 0

# Expande eixos (10 eixo dos exemplos)
yorig = np.expand_dims(y_train[index], axis=0)
yprev = np.expand_dims(x_train[index], axis=0)

# Calcula PSNR
psnr = PSNR(yorig, yprev)

# Abre sessão do TensorFlow para excutar a função PSNR
print('PSNR = ', format(psnr))
```

PSNR = 18.41677174785432

#### Saída esperada:

```
PSNR = 18.41677
```

Veja o que acontece com o resultado da métrica PSNR se no lugar de x\_train[index] você usar y\_train[index].

# 5 Compilação e treinamento da RNA

# 5.1 Exercício #5: Compilação e treinamento da RNA

Agora você vai treinar a sua RNA usando o método de otimização ADAM. Assim, na célula abaixo, compile e treine a sua RNA usando os seguinte hiperparâmetros:

- taxa de aprendizado = 0,001;
- função de custo: L\_total
- métrica: PSNR
- número de épocas = 50

Essa operação deve demorar pleo menos 20 minutos.

```
PSNR: 32.4650 - val_loss: 0.0370 - val_PSNR: 33.3087
Epoch 5/50
1200/1200 [============ ] - 94s 78ms/step - loss: 0.0399 -
PSNR: 32.5924 - val_loss: 0.0370 - val_PSNR: 33.4751
Epoch 6/50
1200/1200 [============ ] - 94s 78ms/step - loss: 0.0403 -
PSNR: 32.4825 - val_loss: 0.0368 - val_PSNR: 33.3442
Epoch 7/50
1200/1200 [============ ] - 94s 78ms/step - loss: 0.0388 -
PSNR: 32.7337 - val_loss: 0.0335 - val_PSNR: 34.1081
PSNR: 33.0631 - val_loss: 0.0364 - val_PSNR: 33.3113
PSNR: 32.6932 - val_loss: 0.0353 - val_PSNR: 33.7809
Epoch 10/50
1200/1200 [============] - 94s 79ms/step - loss: 0.0372 -
PSNR: 33.0945 - val_loss: 0.0374 - val_PSNR: 33.1124
Epoch 11/50
1200/1200 [============ ] - 94s 79ms/step - loss: 0.0380 -
PSNR: 32.8913 - val_loss: 0.0377 - val_PSNR: 32.7355
Epoch 12/50
1200/1200 [============] - 94s 78ms/step - loss: 0.0371 -
PSNR: 33.1434 - val_loss: 0.0515 - val_PSNR: 29.4006
Epoch 13/50
PSNR: 32.7604 - val_loss: 0.0488 - val_PSNR: 30.4540
Epoch 14/50
1200/1200 [===========] - 94s 78ms/step - loss: 0.0370 -
PSNR: 33.0627 - val_loss: 0.0463 - val_PSNR: 31.2401
Epoch 15/50
1200/1200 [============] - 94s 78ms/step - loss: 0.0376 -
PSNR: 32.8810 - val_loss: 0.0460 - val_PSNR: 30.8271
Epoch 16/50
PSNR: 33.2299 - val_loss: 0.0353 - val_PSNR: 33.8861
Epoch 17/50
PSNR: 33.3313 - val_loss: 0.0323 - val_PSNR: 34.6195
Epoch 18/50
1200/1200 [===========] - 94s 79ms/step - loss: 0.0367 -
PSNR: 33.1080 - val_loss: 0.0417 - val_PSNR: 31.9395
Epoch 19/50
PSNR: 32.8411 - val_loss: 0.0346 - val_PSNR: 33.9183
Epoch 20/50
```

```
PSNR: 33.1870 - val_loss: 0.0386 - val_PSNR: 32.8305
Epoch 21/50
1200/1200 [============ ] - 95s 79ms/step - loss: 0.0348 -
PSNR: 33.5497 - val_loss: 0.0322 - val_PSNR: 34.6011
Epoch 22/50
1200/1200 [============ ] - 95s 79ms/step - loss: 0.0358 -
PSNR: 33.2796 - val_loss: 0.0365 - val_PSNR: 33.4422
Epoch 23/50
1200/1200 [============ ] - 95s 79ms/step - loss: 0.0349 -
PSNR: 33.5169 - val_loss: 0.0348 - val_PSNR: 33.9957
PSNR: 33.4168 - val_loss: 0.0608 - val_PSNR: 28.0754
PSNR: 33.4437 - val_loss: 0.0400 - val_PSNR: 32.2410
Epoch 26/50
1200/1200 [============] - 94s 79ms/step - loss: 0.0350 -
PSNR: 33.4432 - val_loss: 0.0372 - val_PSNR: 33.1310
Epoch 27/50
1200/1200 [============] - 94s 79ms/step - loss: 0.0351 -
PSNR: 33.4274 - val_loss: 0.0413 - val_PSNR: 32.4486
Epoch 28/50
1200/1200 [============ ] - 94s 78ms/step - loss: 0.0346 -
PSNR: 33.5702 - val_loss: 0.0429 - val_PSNR: 31.6043
Epoch 29/50
1200/1200 [===========] - 94s 79ms/step - loss: 0.0347 -
PSNR: 33.5541 - val_loss: 0.0378 - val_PSNR: 32.7916
Epoch 30/50
1200/1200 [===========] - 94s 79ms/step - loss: 0.0357 -
PSNR: 33.2310 - val_loss: 0.0367 - val_PSNR: 33.2147
Epoch 31/50
1200/1200 [============ ] - 94s 79ms/step - loss: 0.0337 -
PSNR: 33.8368 - val_loss: 0.0337 - val_PSNR: 33.9747
Epoch 32/50
PSNR: 33.7925 - val_loss: 0.0378 - val_PSNR: 32.9651
Epoch 33/50
1200/1200 [============ ] - 94s 79ms/step - loss: 0.0358 -
PSNR: 33.1997 - val_loss: 0.0434 - val_PSNR: 31.5528
Epoch 34/50
1200/1200 [===========] - 94s 78ms/step - loss: 0.0334 -
PSNR: 33.8506 - val_loss: 0.0476 - val_PSNR: 30.5261
Epoch 35/50
PSNR: 33.5331 - val_loss: 0.0333 - val_PSNR: 34.1236
Epoch 36/50
```

```
PSNR: 33.5492 - val_loss: 0.0308 - val_PSNR: 35.0449
Epoch 37/50
1200/1200 [============ ] - 95s 79ms/step - loss: 0.0340 -
PSNR: 33.6900 - val_loss: 0.0354 - val_PSNR: 33.3660
Epoch 38/50
1200/1200 [============ ] - 94s 79ms/step - loss: 0.0327 -
PSNR: 34.0450 - val_loss: 0.0351 - val_PSNR: 33.7904
Epoch 39/50
1200/1200 [============ ] - 94s 79ms/step - loss: 0.0339 -
PSNR: 33.6683 - val_loss: 0.0310 - val_PSNR: 34.9440
PSNR: 33.8131 - val_loss: 0.0367 - val_PSNR: 33.3490
PSNR: 33.6796 - val_loss: 0.0316 - val_PSNR: 34.7204
Epoch 42/50
1200/1200 [============ ] - 94s 79ms/step - loss: 0.0344 -
PSNR: 33.5845 - val_loss: 0.0346 - val_PSNR: 33.8374
Epoch 43/50
1200/1200 [============ ] - 94s 79ms/step - loss: 0.0329 -
PSNR: 33.9695 - val_loss: 0.0591 - val_PSNR: 28.0645
Epoch 44/50
1200/1200 [============ ] - 94s 79ms/step - loss: 0.0337 -
PSNR: 33.7510 - val_loss: 0.0450 - val_PSNR: 30.6531
Epoch 45/50
PSNR: 33.6172 - val_loss: 0.0455 - val_PSNR: 31.5434
Epoch 46/50
1200/1200 [===========] - 94s 79ms/step - loss: 0.0331 -
PSNR: 33.9512 - val_loss: 0.0534 - val_PSNR: 29.5085
Epoch 47/50
1200/1200 [============] - 94s 79ms/step - loss: 0.0335 -
PSNR: 33.7311 - val_loss: 0.0470 - val_PSNR: 31.1289
Epoch 48/50
1200/1200 [============ ] - 95s 79ms/step - loss: 0.0341 -
PSNR: 33.5894 - val_loss: 0.0334 - val_PSNR: 34.2327
Epoch 49/50
1200/1200 [===========] - 95s 79ms/step - loss: 0.0338 -
PSNR: 33.6823 - val_loss: 0.0575 - val_PSNR: 27.9645
Epoch 50/50
PSNR: 33.4256 - val_loss: 0.0424 - val_PSNR: 31.6989
Saída esperada:
```

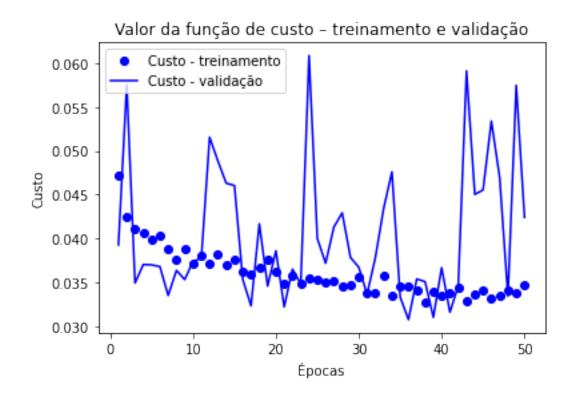
Train on 1200 samples, validate on 300 samples Epoch 1/50

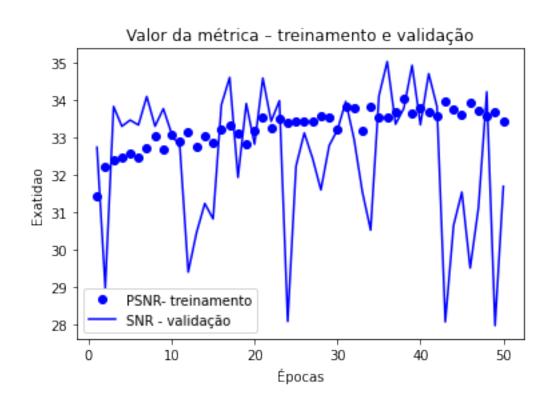
### 6 Resultados

Execute as células abaixo para visualizar os valores da função de custo e da métrica durante o treinamento.

```
[32]: # Verificação das variáveis salvas no processo de treinamento
history_dict = history.history
history_dict.keys()
[32]: dict_keys(['loss', 'PSNR', 'val_loss', 'val_PSNR'])
```

```
[33]: # Salva custos, métricas e epocas em vetores
      custo = history_dict['loss']
      acc = history_dict['PSNR']
      val_custo = history_dict['val_loss']
      val_acc = history_dict['val_PSNR']
      # Cria vetor de épocas
      epocas = range(1, len(custo) + 1)
      # Gráfico dos valores de custo
      plt.plot(epocas, custo, 'bo', label='Custo - treinamento')
      plt.plot(epocas, val_custo, 'b', label='Custo - validação')
      plt.title('Valor da função de custo - treinamento e validação')
      plt.xlabel('Épocas')
      plt.ylabel('Custo')
      plt.legend()
      plt.show()
      # Gráfico dos valores da métrica
      plt.plot(epocas, acc, 'bo', label='PSNR- treinamento')
      plt.plot(epocas, val_acc, 'b', label='SNR - validação')
      plt.title('Valor da métrica - treinamento e validação')
      plt.xlabel('Épocas')
      plt.ylabel('Exatidao')
      plt.legend()
      plt.show()
```





#### 6.1 Exercício #6: Resumo dos resultados

Usando o método evaluate, na célula abaixo calcule o valor da função de custo e da métrica para os dados de treinamento, validação e teste.

```
[34]: # PARA VOCÊ FAZER: Calcular resultados finais da função de custo e métrica apósu
      \rightarrow treinamento
     # Avaliação do custo e métrica para os dados de treinamento, valdação e teste
     # Inclua seu código aqui
     custo_e_metricas_train = rna.evaluate(x_train, y_train, batch_size=1)
     custo_e_metricas_val = rna.evaluate(x_val, y_val, batch_size=1)
     custo_e_metricas_test = rna.evaluate(x_test, y_test, batch_size=1)
     print('Resultados - dados treinamento:', custo_e_metricas_train)
     print('Resultados - dados validação:', custo_e_metricas_val)
     print('Resultados - dados teste:', custo_e_metricas_test)
       1/1200 [...] - ETA: 18s - loss: 0.0292 - PSNR:
    33.5461WARNING:tensorflow:Callbacks method `on_test_batch_end` is slow compared
    to the batch time (batch time: 0.0045s vs `on_test_batch_end` time: 0.0167s).
    Check your callbacks.
    1200/1200 [============] - 27s 23ms/step - loss: 0.0376 -
    PSNR: 32.4153
      1/300 [...] - ETA: 4s - loss: 0.0428 - PSNR:
    31.7876WARNING:tensorflow:Callbacks method `on_test_batch_end` is slow compared
    to the batch time (batch time: 0.0029s vs `on_test_batch_end` time: 0.0162s).
    Check your callbacks.
    300/300 [============== ] - 7s 23ms/step - loss: 0.0424 - PSNR:
    31.6989
      1/300 [...] - ETA: 4s - loss: 0.0353 - PSNR:
    31.8382WARNING:tensorflow:Callbacks method `on_test_batch_end` is slow compared
    to the batch time (batch time: 0.0042s vs `on_test_batch_end` time: 0.0161s).
    Check your callbacks.
    300/300 [============== ] - 7s 23ms/step - loss: 0.0422 - PSNR:
    31.7623
    Resultados - dados treinamento: [0.03759576007723808, 32.415340423583984]
    Resultados - dados validação: [0.042420677840709686, 31.698938369750977]
    Resultados - dados teste: [0.04219052940607071, 31.76229476928711]
    Saída esperada:
    300/300 [=============== ] - 1s 3ms/sample - loss: 0.0457 - PSNR: 30.2404
    Resultados - dados treinamento: [0.04251373956600825, 30.729645]
    Resultados - dados validação: [0.04573282207051913, 30.240355]
    Resultados - dados teste: [0.04573282207051913, 30.240355]
```

# 6.2 Visualização do resultado de um exemplo do conjunto de teste

Execute a célula abaixo para visualizar as imagens original e a reconstruída de um exemplo do conjunto de teste. Troque o valor da variável index para visualizar vários exemplos.

```
# Mostra o resultado de uma imagem

# Escolhe imagem e expande o número de eixos
index = 0
xindex = np.expand_dims(x_test[index], axis=0)

# Calcula imagem reconstruída pela RNA
y_pred = rna.predict(xindex)

# Mostra imagens
f, pos = plt.subplots(1, 3, figsize=(16, 16))
pos[0].imshow(x_test[index])
pos[0].set_title('Imagem de entrada')
pos[1].imshow(y_pred[0])
pos[1].set_title('Imagem recostruida')
pos[2].imshow(y_test[index])
pos[2].set_title('Imagem original')
plt.show()
```

Clipping input data to the valid range for imshow with RGB data ([0..1] for floats or [0..255] for integers).

