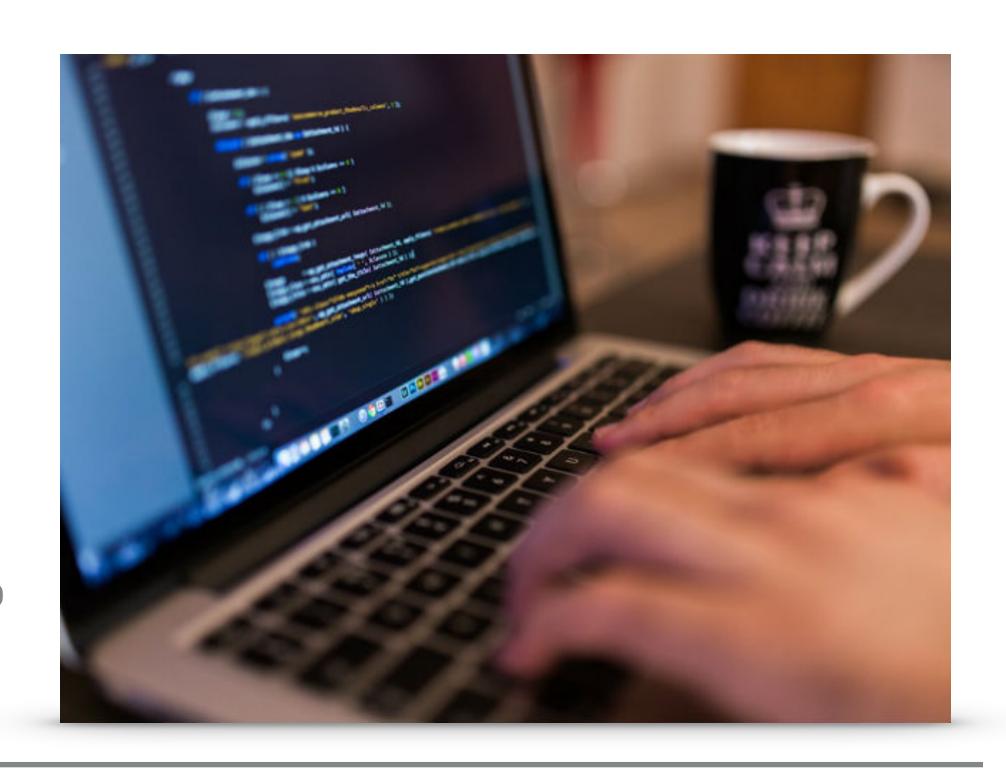
Profa. Dra. Raquel C. de Melo-Minardi Departamento de Ciência da Computação Instituto de Ciências Exatas Universidade Federal de Minas Gerais



# MÓDULO 2 - PROGRAMAÇÃO Sequências - Conjuntos

#### TIPOS DE VARIÁVEIS OU ESTRUTURAS DE DADOS EM PYTHON

- As sequências podem ser de dois tipos:
  - sequências imutáveis: são objetos ordenados e finitos
    - strings: cadeias de caracteres
    - tuples: dois ou mais elementos de qualquer tipo dentro de parênteses e separados por vírgula
  - sequências mutáveis
    - lists: conhecidas em outras linguagens como vetores ou arranjos
    - sets: coleções não ordenadas e não indexadas escritas entre chaves

#### CONJUNTOS

- Um conjunto é uma coleção não ordenada e não indexada
  - No Python, os conjuntos são escritos com chaves

```
nucleotideos = {'A', 'C', 'G', 'T'}
```

 Os conjuntos não são ordenados, portanto, você não pode ter certeza da ordem na qual os itens serão exibidos

## OPERADORES PARA MANIPULAÇÃO DE CONJUNTOS

Há alguns operadores que podem ser usados para operar em objetos do tipo conjunto

### VERIFICAÇÃO DE PERTENCIMENTO EM CONJUNTOS

O operador in pode ser usado para retornar se um determinado elemento existe (pertence a) em um conjunto:

```
'A' <u>in</u> nucleotideos # Retornará True
```

#### TROCA DE ELEMENTOS EM CONJUNTOS

- Depois que um conjunto é criado, você não pode alterar seus itens
  - Você pode adicionar novos itens

#### ADICIONANDO ELEMENTOS EM CONJUNTOS

Adicione um item a um conjunto, usando o método add ()

```
nucleotideos.add('X')
```

Também é possível adicionar vários elementos de uma só vez usando o método update () e passando uma lista como argumento

```
nucleotideos.update(['A','B','C'])
```

### SOMA E MULTIPLICAÇÃO (CONCATENAÇÃO) DE CONJUNTOS

- Existem várias maneiras de associar dois ou mais conjuntos no Python
- Você pode usar o método union() que retorna um novo conjunto contendo todos os itens de ambos os conjuntos

```
nucleotideosM = {'A', 'C', 'G', 'T'}
nucleotideosm = {'a', 'c', 'g', 't'}
nucleotideos = nucleotideosM.union(nucleotideosm)
```

ou o método update () que insere todos os itens de um conjunto em outro:

```
nucleotideosM = {'A', 'C', 'G', 'T'}
nucleotideosm = {'a', 'c', 'g', 't'}
nucleotideosM.update(nucleotideosm)
```

ltens duplicados são sempre unificados

### OPERAÇÕES TÍPICAS DE CONJUNTOS

- É possível:
  - identificar a diferença entre conjuntos: difference()
  - verificar se dois conjuntos possuem interseção: intersection()
  - verificar se dois conjuntos são disjuntos: isdisjoint()
  - verificar se um conjunto é subconjunto de outro: issubset ()
  - vertical se um conjunto é superconjunto de outro: issuperset ()
  - Entre outras funções

### REMOÇÃO DE ITENS DE UM CONJUNTO

Os métodos remove(), discard() e pop() removem um elemento particular de um conjunto

```
nucleotideos = {'A', 'C', 'G', 'T'}
nucleotideos.remove('A')
```

- A diferença é que o método remove () gera erro se o elemento não existe no conjunto e o discard () não levanta esse erro
- O método pop () remove e retorna o último elemento do conjunto
  - Como um conjunto não é ordenado, não se tem como prever que elemento será retornado

#### LIMPEZA OU ESVAZIAMENTO DE UM CONJUNTO

Os métodos clear () esvazia um conjunto

```
nucleotideos.clear()
```

#### TAMANHO DE UM CONJUNTO

▶ O método len () nativo de Python retorna o tamanho de um conjunto:

len (conjunto)

### SÍNTESE

	String	Tupla	Lista	Conjunto
Criar	s = ''	t = ()	1 = []	c = {'t'}
Obter parte	s[6:9]	t[6:9]	1[6:9]	-
Substituir	s. <u>replace</u> ('AAA','CCC')	_	_	_
Contar	s.count('AAA')	t.count('AAA')	1.count('AAA')	-
Encontrar	s. <u>find</u> ('AAA')	t. <u>index</u> ('AAA')	1. <u>index</u> ('AAA')	_
Verificar pertencimento	'AAA' <u>in</u> s	'AAA' <u>in</u> t	'AAA' <u>in</u> l	'AAA' <u>in</u> c
Quebrar	s. <u>split</u> ('A')	-	-	_