

# Dokumentacja wstępna

POP

Michał Brzeziński, Michał Sadlej

## Zadanie: Sieć ograniczenia

Przy użyciu Algorytmu Ewolucyjnego zaprojektować sieć teleinformatyczną minimalizującą liczbę użytych systemów teletransmisyjnych o różnej modularności  $m$ , dla  $(m = 1, m > 1, m \gg 1)$ .

Sieć opisana za pomocą grafu  $G = (N, E)$ , gdzie  $N$  jest zbiorem węzłów, a  $E$  jest zbiorem krawędzi.

Funkcja pojemności krawędzi opisana jest za pomocą wzoru  $f_e(o) = \lceil o/m \rceil$ .

Zbiór zapotrzebowań  $D$ , pomiędzy każdą parą węzłów opisuje macierz zapotrzebowań i jest dany.

Dla każdego zapotrzebowania istnieją co najmniej 2 predefiniowane ścieżki.

Sprawdzić jak wpływa na koszt rozwiązania agregacja zapotrzebowań, tzn. czy zapotrzebowanie realizowane jest na jednej ścieżce (agregacja), czy dowolnie na wszystkich ścieżkach w ramach zapotrzebowania (pełna dezagregacja).

Dobrać optymalne prawdopodobieństwo operatorów genetycznych oraz licznosc populacji.

Dane pobrać ze strony <http://sndlib.zib.de/home.action>, dla sieci {it polska}.

linki do danych:

<https://sndlib.put.poznan.pl/download/sndlib-networks-native/polska.txt>

<https://sndlib.put.poznan.pl/home.action>

link do opisu danych:

<https://sndlib.put.poznan.pl/html/docu/io-formats/native/network.description.html>

## Wnioski

- Każde połączenie ma podstawową modułowość o danym koszcie z możliwością zainstalowania lepszej modułowości za odpowiednią dopłatą
- Rozwiązanie musi spełniać warunki z części DEMANDS
- ADMISSIBLE PATHS określa potencjalne ścieżki połączeń w DEMANDS
- Modularność - "pojemność" łącza
- Sieć opisana zbiorem węzłów i krawędzi
- Funkcja pojemności krawędzi -  $\text{ceil}(o/m)$
- $o$  - ilość danych do przesłania
- np
  - Jednostki w zadaniu nie zostały podane. Dla jasności przykładu użyto Mbps
  - potrzebne przesłanie  $o = 25$  Mbps
  - modularność  $m = 10$  Mbps
  - $f_e(o) = \text{ceil}(25/10) = 3$
  - potrzebna ilość systemów transmisyjnych do przesłania wiadomości = 3
- Prawdopodobnie agregacja jest łatwiejsza do implementacji ale podatniejsza na przeciążenia przy skalowaniu w górę

## Przykład

- Istnieją połączenia sieci Szczecin-Poznań-Wrocław i Bydgoszcz-Poznań-Wrocław
- Szczecin i Bydgoszcz muszą się połączyć z Wrocławiem i przesyłać 10 Mbps
- Mogą to robić wyłącznie przesyłając dane przez Poznań
- Jeśli modułowość krawędzi Poznań-Wrocław jest mniejsza niż 20 Mbps to nie będzie to możliwe

## Założenia

- Modułowość można rozszerzyć, dopłacając.
- Nie można od razu wybudować rozszerzenia bez bazowej instalacji
- Rozwiązanie musi spełniać warunki z części DEMANDS

## Realizacja

- gen został zaimplementowany jako słownik o podanej strukturze

'''

```
ADMISSABLE_PATHS = {                                # <- gen
    "Demand_0_1" : {                                # <- chromosom
        "Path_0": int(sent_amount)                  # <- allele
        .
        .
        .
        'Path_6 ': int(sent_amount)
    },
    .
    .
    .
    "Demand_10_11" : {
        "Path_0": int(sent_amount)
        .
        .
        .
    },
}
```

'''

- 
- Stworzyliśmy klasę EvolutionAlgorithm posiadającą wszystkie metody, by umożliwić łączenie modułów różnych algorytmów w jeden
- generatory
  - rand\_split\_without\_aggregation - rozdzielający demand po wszystkich możliwych ścieżkach
  - rand\_split\_for\_aggregation - rozdzielający wartość z demand na dwie różne ścieżki z admissible paths po równo
- mutacje
  - mutate\_for\_aggregation - zabierający najmniejszą wartość przypisaną do admissible path i dodającą ją do innego admissible path danego demand

- `mutate_without_aggregation` - odejmuje losową wartość z allelu i dodaje ją do innego allelu danego chromosomu
- `mutate_with_switch` - zamieniający losowo dwie wartości allelów jednego chromosomu
- krzyżowanie
  - `cross_for_aggregation` - wybiera którego rodzica chromosom weźmie na podstawie, tego które wykorzystują mniej zasobów (na podstawie ilości ścieżek i ilości linków w ścieżce)
  - `cross_without_aggregation` - allele są liczone na podstawie średniej obu rodziców
- rodzice są wybierani poprzez tournament selection
- funkcja kosztu `evaluate_cost`, zlicza
  - "setup cost" dla każdego linku
  - koszty rozbudowania o moduły potrzebne by rozwiązanie z genu działało
  - funkcje kary za każdy link gdzie rozwiązanie w genie przekroczyło pojemność największego modułu
- nie jest to jeszcze w pełni zaimplementowane, ale wszystkie te opcje i moduły będzie możliwość wybrania w `run_evolution_algorithm()`

## **Eksperymenty**

- Sprawdzenie wydajności i wyników algorytmu którego generator i funkcja krzyżowania może generować dane faworyzujące agregację albo dezagregację w każdym układzie.
  - Na przykład jak radzi sobie algorytm z generatorem agregacyjnym i krzyżowaniem dezagregacyjnym w porównaniu z algorytmem z generatorem i krzyżowaniem agregacyjnym
- Eksperymenty związane z wykorzystywaniem rozbudowy. Na przykład wprowadzenie kary lub nagrody w funkcji kosztów za rozbudowywanie struktur ponad bazową wersję
- Porównanie algorytmu priorytetyzującego najkrótsze połączenia i algorytmu który na to nie uważa
- Porównanie algorytmu genetycznego i ewolucyjnego różniczkowego

## Wyniki

Wyniki aktualnych eksperymentów zostały umieszczone w pliku `analysis.pdf` w repozytorium