

Ahmet Burak Şişçi

```
In [ ]: """
<b> - Bold text
<strong> - Important text
<i> - Italic text
<em> - Emphasized text
<mark> - Marked text
<small> - Smaller text
<del> - Deleted text
<ins> - Inserted text
<sub> - Subscript text
<sup> - Superscript text
"""
"""

Out[ ]: '\n<b> - Bold text\n<strong> - Important text\n<i> - Italic text\n<em> - Emphasized text\n<mark> - Marked text\n<small> - Smaller text\n<del> - Deleted text\n<ins> - Inserted text\n<sub> - Subscript text\n<sup> - Superscript text\n'
```

```
In [ ]: print("hello world")
hello world

tip deneme

escape + m --> markdown satırı
```

```
In [ ]: # escape + y --> kod satırı
```

```
In [ ]: a=3
b=4
```

```
In [ ]: a+b
```

```
Out[ ]: 7
```

```
In [ ]: c=a+b
c
```

```
Out[ ]: 7
```

```
In [ ]: c
```

```
Out[ ]: 7
```

```
In [ ]: a,c
```

```
Out[ ]: (3, 7)
```

```
In [ ]: a,b,c
```

```
Out[ ]: (3, 4, 7)
```

```
In [ ]: d = "Ahmet Burak"
d

Out[ ]: 'Ahmet Burak'

In [ ]: a,b,c,d
a,b,c,d

Out[ ]: (3, 4, 7, 'Ahmet Burak')

nicee

html kuralları markdown yazarken geçerli.

In [ ]: list1 = [1,2,3,5,6,4,3,35,78,5,3,56,78,5,3,5,7,4,3]
sonuc = {}

In [ ]: for i in list1:
        if i in sonuc:
            sonuc[i] += 1
        else:
            sonuc[i] = 1

sonuc
```

```
Out[ ]: {1: 1, 2: 1, 3: 5, 5: 4, 6: 1, 4: 2, 35: 1, 78: 2, 56: 1, 7: 1}

In [ ]: import pandas as pd # pandas ile okuma yap

In [ ]: df = pd.read_csv("diabetes_clean.csv")
df
```

```
Out[ ]:    pregnancies  glucose  diastolic  triceps  insulin  bmi  dpf  age  diabetes
0           6      148        72       35       0   33.6  0.627   50       1
1           1       85        66       29       0   26.6  0.351   31       0
2           8      183        64       0       0   23.3  0.672   32       1
3           1       89        66       23      94   28.1  0.167   21       0
4           0      137        40       35    168   43.1  2.288   33       1
...
763          10     101        76       48    180   32.9  0.171   63       0
764          2      122        70       27       0   36.8  0.340   27       0
765          5      121        72       23    112   26.2  0.245   30       0
766          1      126        60       0       0   30.1  0.349   47       1
767          1       93        70       31       0   30.4  0.315   23       0
```

768 rows × 9 columns

```
In [ ]: df.info()
```

```
<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
RangeIndex: 768 entries, 0 to 767
Data columns (total 9 columns):
 #   Column      Non-Null Count  Dtype  
--- 
 0   pregnancies    768 non-null   int64  
 1   glucose        768 non-null   int64  
 2   diastolic      768 non-null   int64  
 3   triceps        768 non-null   int64  
 4   insulin         768 non-null   int64  
 5   bmi            768 non-null   float64 
 6   dpf            768 non-null   float64 
 7   age            768 non-null   int64  
 8   diabetes        768 non-null   int64  
dtypes: float64(2), int64(7)
memory usage: 54.1 KB
```

```
In [ ]: """ders 1 son"""
```

```
Out[ ]: 'ders 1 son'
```

```
In [ ]: df.head()
```

```
Out[ ]:    pregnancies  glucose  diastolic  triceps  insulin  bmi  dpf  age  diabetes
0           6      148        72       35       0   33.6  0.627   50       1
1           1       85        66       29       0   26.6  0.351   31       0
2           8      183        64       0       0   23.3  0.672   32       1
3           1       89        66       23      94   28.1  0.167   21       0
4           0      137        40       35    168   43.1  2.288   33       1
```

```
In [ ]: df.head(30) # ilk satırları verir.
```

Out[]:

	pregnancies	glucose	diastolic	triceps	insulin	bmi	dpf	age	diabetes
0	6	148	72	35	0	33.6	0.627	50	1
1	1	85	66	29	0	26.6	0.351	31	0
2	8	183	64	0	0	23.3	0.672	32	1
3	1	89	66	23	94	28.1	0.167	21	0
4	0	137	40	35	168	43.1	2.288	33	1
5	5	116	74	0	0	25.6	0.201	30	0
6	3	78	50	32	88	31.0	0.248	26	1
7	10	115	0	0	0	35.3	0.134	29	0
8	2	197	70	45	543	30.5	0.158	53	1
9	8	125	96	0	0	0.0	0.232	54	1
10	4	110	92	0	0	37.6	0.191	30	0
11	10	168	74	0	0	38.0	0.537	34	1
12	10	139	80	0	0	27.1	1.441	57	0
13	1	189	60	23	846	30.1	0.398	59	1
14	5	166	72	19	175	25.8	0.587	51	1
15	7	100	0	0	0	30.0	0.484	32	1
16	0	118	84	47	230	45.8	0.551	31	1
17	7	107	74	0	0	29.6	0.254	31	1
18	1	103	30	38	83	43.3	0.183	33	0
19	1	115	70	30	96	34.6	0.529	32	1
20	3	126	88	41	235	39.3	0.704	27	0
21	8	99	84	0	0	35.4	0.388	50	0
22	7	196	90	0	0	39.8	0.451	41	1
23	9	119	80	35	0	29.0	0.263	29	1
24	11	143	94	33	146	36.6	0.254	51	1
25	10	125	70	26	115	31.1	0.205	41	1
26	7	147	76	0	0	39.4	0.257	43	1
27	1	97	66	15	140	23.2	0.487	22	0
28	13	145	82	19	110	22.2	0.245	57	0
29	5	117	92	0	0	34.1	0.337	38	0

In []: df.tail()

Out[]:

	pregnancies	glucose	diastolic	triceps	insulin	bmi	dpf	age	diabetes
763	10	101	76	48	180	32.9	0.171	63	0
764	2	122	70	27	0	36.8	0.340	27	0
765	5	121	72	23	112	26.2	0.245	30	0
766	1	126	60	0	0	30.1	0.349	47	1
767	1	93	70	31	0	30.4	0.315	23	0

In []: df.info() # bilgi verir işte

```
# boş cell var mı?
# satır sayısı.
# sütunların başlıklarını.
# veri tipleri
# memory usage = bellekte kapladığı alan.
```

```
<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
RangeIndex: 768 entries, 0 to 767
Data columns (total 9 columns):
 #   Column      Non-Null Count Dtype  
 --- 
 0   pregnancies    768 non-null   int64  
 1   glucose        768 non-null   int64  
 2   diastolic       768 non-null   int64  
 3   triceps        768 non-null   int64  
 4   insulin         768 non-null   int64  
 5   bmi            768 non-null   float64 
 6   dpf            768 non-null   float64 
 7   age             768 non-null   int64  
 8   diabetes        768 non-null   int64  
dtypes: float64(2), int64(7)
memory usage: 54.1 KB
```

In []: df.describe()
özet istatistikleri verir. okunması zor olduğu için transpozunu alarak okunur

Out[]:

	pregnancies	glucose	diastolic	triceps	insulin	bmi
count	768.000000	768.000000	768.000000	768.000000	768.000000	768.000000
mean	3.845052	120.894531	69.105469	20.536458	79.7799479	31.992578
std	3.369578	31.972618	19.355807	15.952218	115.244002	7.884160
min	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000
25%	1.000000	99.000000	62.000000	0.000000	0.000000	27.300000
50%	3.000000	117.000000	72.000000	23.000000	30.500000	32.000000
75%	6.000000	140.250000	80.000000	32.000000	127.250000	36.600000
max	17.000000	199.000000	122.000000	99.000000	846.000000	67.100000

In []: df.describe().T # sayısal veriler.

	count	mean	std	min	25%	50%	75%	max
pregnancies	768.0	3.845052	3.369578	0.000	1.00000	3.0000	6.00000	17.0
glucose	768.0	120.894531	31.972618	0.000	99.00000	117.0000	140.25000	199.0
diastolic	768.0	69.105469	19.355807	0.000	62.00000	72.0000	80.00000	122.0
triceps	768.0	20.536458	15.952218	0.000	0.00000	23.0000	32.00000	99.0
insulin	768.0	79.799479	115.244002	0.000	0.00000	30.5000	127.25000	846.0
bmi	768.0	31.992578	7.884160	0.000	27.30000	32.0000	36.60000	67.0
dpf	768.0	0.471876	0.331329	0.078	0.24375	0.3725	0.62625	2.4
age	768.0	33.240885	11.760232	21.000	24.00000	29.0000	41.00000	81.0
diabetes	768.0	0.348958	0.476951	0.000	0.00000	0.0000	1.00000	1.0

	glucose	age
0	148	50
1	85	31
2	183	32
3	89	21
4	137	33
...
763	101	63
764	122	27
765	121	30
766	126	47
767	93	23

In []: df.glucose # sadece belirli bir sütundaki bilgileri getirir.

```
Out[ ]: 0    148
1    85
2    183
3    89
4    137
...
763   101
764   122
765   121
766   126
767   93
Name: glucose, Length: 768, dtype: int64
```

In []: df["glucose"] # isimde boşluk karakteri varsa bu şekilde yaz

```
Out[ ]: 0    148
1    85
2    183
3    89
4    137
...
763   101
764   122
765   121
766   126
767   93
Name: glucose, Length: 768, dtype: int64
```

In []: df[["glucose", "age"]]

768 rows × 2 columns

In []: df[(df.diabetes==1) & (df.age>40)]

	pregnancies	glucose	diastolic	triceps	insulin	bmi	dpf	age	diabetes
0	6	148	72	35	0	33.6	0.627	50	1
8	2	197	70	45	543	30.5	0.158	53	1
9	8	125	96	0	0	0.0	0.232	54	1
13	1	189	60	23	846	30.1	0.398	59	1
14	5	166	72	19	175	25.8	0.587	51	1
...
754	8	154	78	32	0	32.4	0.443	45	1
757	0	123	72	0	0	36.3	0.258	52	1
759	6	190	92	0	0	35.5	0.278	66	1
761	9	170	74	31	0	44.0	0.403	43	1
766	1	126	60	0	0	30.1	0.349	47	1

102 rows × 9 columns

hocalının slayt notları:

İstatistik 2 ye ayrılır. bunları bil.

(Sınavda yorum soruları olacak. bunlar önemli.)

veri türleri:

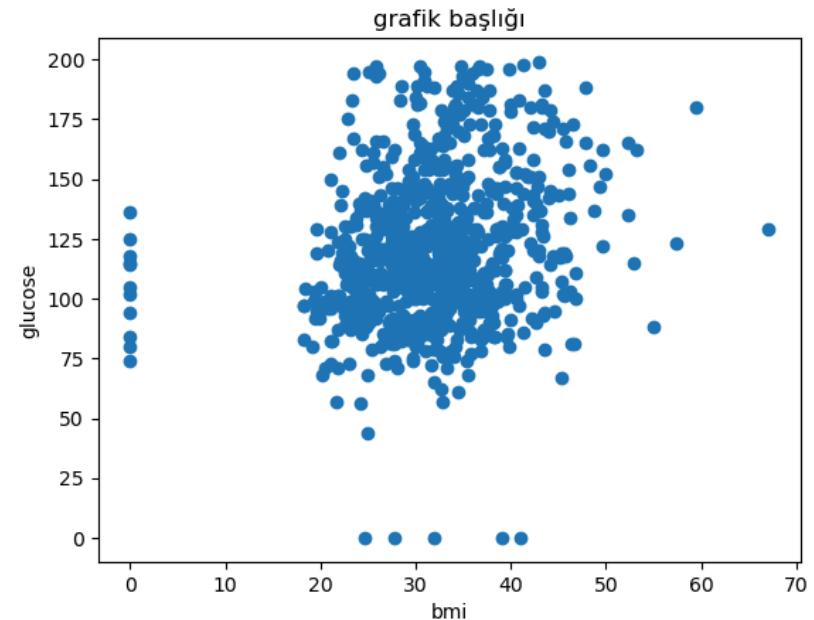
1. sürekli veriler(continuous): tam sayı olmayan, analog veriler. sürekli akar. hisse senedi fiyatları.
2. ayrık veriler: tma sayısıdır. satış adeti, sınıfındaki öğrenci sayısı vb.

bunları bil:

1. static type programing language
2. dynamic type programing language

numerik verileri görselleştirme:

matplotlib kütüphanesi kullanılır. iki veri arasındaki ilişkiyi verir.



```
In [ ]: import matplotlib.pyplot as plt
```

```
In [ ]: plt.title("grafik başlığı")
plt.xlabel('bmi')
plt.ylabel('glucose')
plt.scatter(x=df.bmi, y=df.glucose)
```

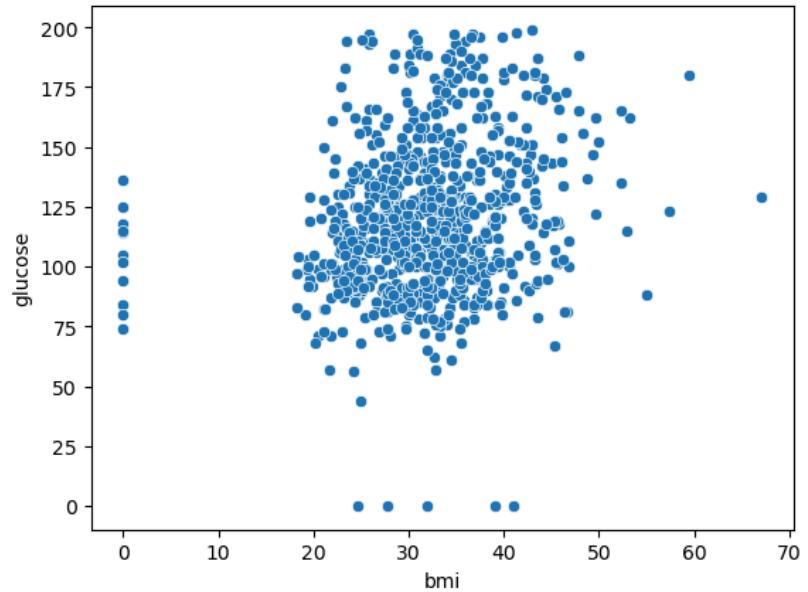
```
Out[ ]: <matplotlib.collections.PathCollection at 0x746fc00d7e00>
```

```
In [ ]: # daha iyi görselliği olan seaborn kütüphanesi de grafik çizmek içim kullanılır.
```

```
In [ ]: import seaborn as sns
```

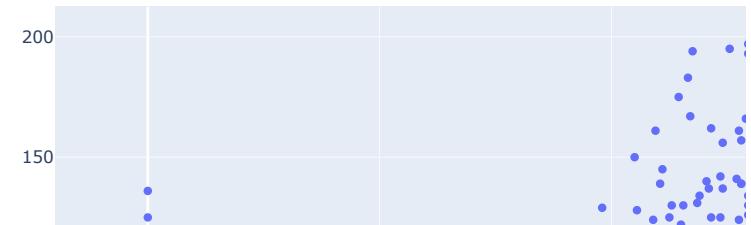
```
In [ ]: import seaborn as sns
sns.scatterplot(data=df, x='bmi', y='glucose')
```

```
Out[ ]: <Axes: xlabel='bmi', ylabel='glucose'>
```



```
import plotly.express as px
```

```
In [ ]: import plotly.express as px
px.scatter(data_frame=df, x='bmi', y='glucose')
```



descriptive statistic: ...kaçırdım bu kısmı...

inferential statistic: bir çıkarım yapmamız gereklidir

"facebooktaki insanların %25 i reklam görünce kyafet alır"
çıkarımı

merkez ölçümleri:

çünürde ev fiyatları.
turkiyede en yaygın saç tipi.

(bu tür verilerde tam netlik olmaz. yaklaşım olur.)

```
In [ ]: import pandas as pd
df_animal = pd.read_csv("msleep.csv")
df_animal
```

Out[]:

	name	genus	vore	order	conservation	sleep_total	sleep_rem	sle
0	Cheetah	Acinonyx	carni	Carnivora	Ic	12.1	NaN	
1	Owl monkey	Aotus	omni	Primates	NaN	17.0	1.8	
2	Mountain beaver	Aplodontia	herbi	Rodentia	nt	14.4	2.4	
3	Greater short-tailed shrew	Blarina	omni	Soricomorpha	Ic	14.9	2.3	
4	Cow	Bos	herbi	Artiodactyla	domesticated	4.0	0.7	
...	
78	Tree shrew	Tupaia	omni	Scandentia	NaN	8.9	2.6	
79	Bottle-nosed dolphin	Tursiops	carni	Cetacea	NaN	5.2	NaN	
80	Genet	Genetta	carni	Carnivora	NaN	6.3	1.3	
81	Arctic fox	Vulpes	carni	Carnivora	NaN	12.5	NaN	
82	Red fox	Vulpes	carni	Carnivora	NaN	9.8	2.4	

83 rows × 11 columns

Out[]:

	sleep_total
12.5	4
10.1	3
9.1	2
8.7	2
14.4	2
	..
8.6	1
4.4	1
15.6	1
8.9	1
5.2	1

Name: count, Length: 65, dtype: int64

In []:

```
#mode yöntemi2
df_animal.vore.value_counts(dropna=False)
```

Out[]:

	vore
herbi	32
omni	20
carni	19
NaN	7
insecti	5

Name: count, dtype: int64

In []:

```
import statistics as stat

stat.mode(df_animal.vore), df_animal.vore.mode()
```

Out[]:

```
('herbi',
 0
Name: vore, dtype: object)
```

In []:

```
df_animal[df_animal.vore == "insecti"] # df_animal içinden "insecti" olanları ç
```

Out[]:

	name	genus	vore	order	conservation	sleep_total	sleep_rem
21	Big brown bat	Eptesicus	insecti	Chiroptera	Ic	19.7	3.9
42	Little brown bat	Myotis	insecti	Chiroptera	NaN	19.9	2.0
61	Giant armadillo	Priodontes	insecti	Cingulata	en	18.1	6.1
66	Eastern american mole	Scalopus	insecti	Soricomorpha	Ic	8.4	2.1
74	Short-nosed echidna	Tachyglossus	insecti	Monotremata	NaN	8.6	NaN

In []:

```
df_animal[df_animal.vore == "insecti"]["sleep_rem"].agg(["mean", "median"])
# beslenme türü (vore) "böcekçil" (insecti) olan hayvanların
```

```
# REM uykusu (sleep_rem) sürelerinin ortalamasını ve medyanını (ortanca değerini
```

```
Out[ ]: mean      3.525  
median     3.000  
Name: sleep_rem, dtype: float64
```

```
In [ ]: # add outlier # en son satırı ekleme  
df_animal.loc[len(df_animal.index)] = ["New Insect", "", "insecti", "", "", 0.0,  
df_animal
```

```
Out[ ]:   name    genus   vore      order  conservation  sleep_total  sleep_rem  sl  
0  Cheetah  Acinonyx  carni  Carnivora       lc      12.1      NaN  
1  Owl monkey    Aotus  omni  Primates      NaN      17.0      1.8  
2  Mountain beaver  Aplodontia  herbi  Rodentia      nt      14.4      2.4  
3  Greater short-tailed shrew  Blarina  omni  Soricomorpha       lc      14.9      2.3  
4  Cow        Bos  herbi  Artiodactyla  domesticated      4.0      0.7  
...  
79  Bottle-nosed dolphin  Tursiops  carni  Cetacea      NaN      5.2      NaN  
80  Genet      Genetta  carni  Carnivora      NaN      6.3      1.3  
81  Arctic fox    Vulpes  carni  Carnivora      NaN      12.5      NaN  
82  Red fox      Vulpes  carni  Carnivora      NaN      9.8      2.4  
83  New Insect    insecti      NaN      NaN      0.0      0.0  
  
84 rows × 11 columns
```



```
In [ ]: df_animal[df_animal.vore == "insecti"]["sleep_rem"].agg(["mean", "median"])
```

```
Out[ ]: mean      2.82  
median     2.10  
Name: sleep_rem, dtype: float64
```

Ödev

Örneğin, kazakların maliyeti 30 TL ise ancak 10-200 TL aralığında başka yerlerden alınabiliyorsa, 30 TL'den bir tane bulma olasılığımız nedir?

Kazak fiyatları 20-50 TL arasında olursa bu olasılık değişir mi?

Soru 1: Örneğin, kazakların maliyeti 30 TL ise ancak 10-200 TL aralığında başka yerlerden alınabiliyorsa, 30 TL'den bir tane bulma olasılığımız nedir? Bu soruyu cevaplamak için kazak fiyatlarının dağılımı hakkında daha fazla bilgiye ihtiyaç vardır. Eğer fiyatların 10 TL ile 200 TL arasında düzgün bir dağılıma sahip olduğunu varsayarsak (yani her fiyatın gelme olasılığı eşitse), bu durumda belirli bir fiyatta (30 TL) rastlama olasılığı teorik olarak sıfır çok yakındır. Sürekli bir dağılımda tek bir noktanın olasılığı sıfır kabul edilir. Ancak, eğer kazak fiyatları tamsayı değerler alıysa (10, 11, 12, ..., 200 TL gibi), bu aralıkta toplam 191 farklı fiyat bulunur. Bu durumda 30 TL'lik bir kazak bulma olasılığı 1/191 olur.

Soru 2: Kazak fiyatları 20-50 TL arasında olursa bu olasılık değişir mi? Evet, olasılık değişir. Fiyat aralığı daraldığı için, belirli bir fiyatta kazağı bulma olasılığı artar. Yine fiyatların tamsayı olduğunu varsayarsak, 20 TL ile 50 TL arasında 31 farklı fiyat değeri vardır ($50 - 20 + 1 = 31$). Bu durumda 30 TL'lik bir kazak bulma olasılığı 1/31'e yükselir.

varyans nedir?

Varyans, bir veri setindeki her bir değerin, o setin ortalamasından ne kadar uzakta olduğunun karelerinin ortalamasıdır. Standart sapma gibi, verilerin ne kadar yayıldığını ölçer.

standart sapma nedir?

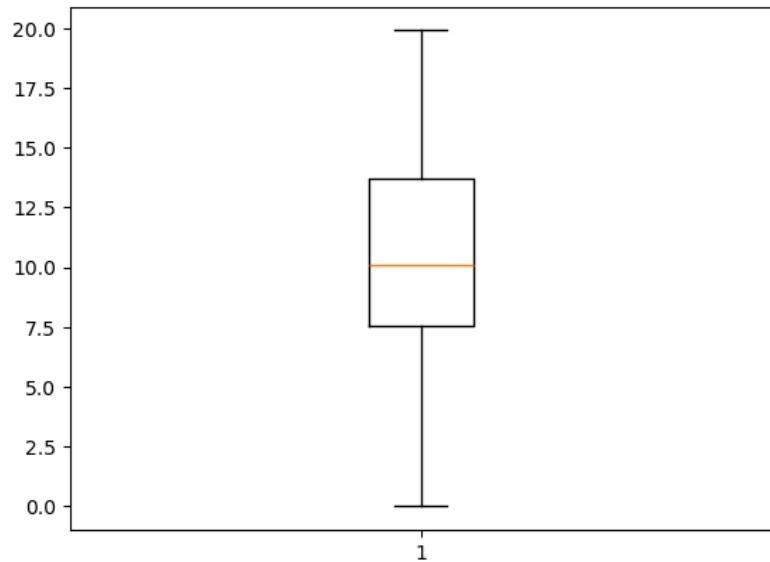
Standart sapma, bir veri setindeki değerlerin, o setin ortalamasından ne kadar uzakta yayıldığını gösteren bir ölçütür

quartiles() nedir?

Kuartiller (Quartiles), sıralanmış bir veri setini dört eşit parçaya bölen üç değerdir. (çeyreklikler)

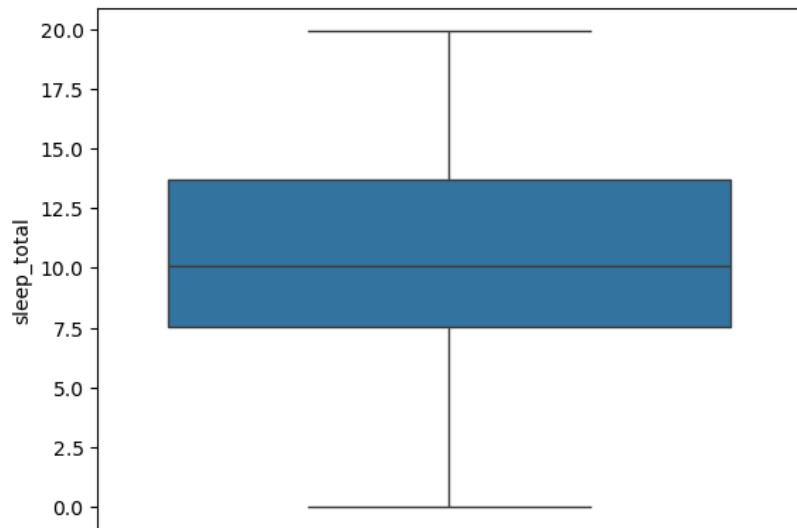
```
In [ ]: plt.boxplot(df_animal.sleep_total)
```

```
Out[ ]: {'whiskers': [,  
<matplotlib.lines.Line2D at 0x746fba7a2ad0>],  
'caps': [<matplotlib.lines.Line2D at 0x746fba7a2d50>],  
'boxes': ['medians': ['fliers': ['means': []}
```

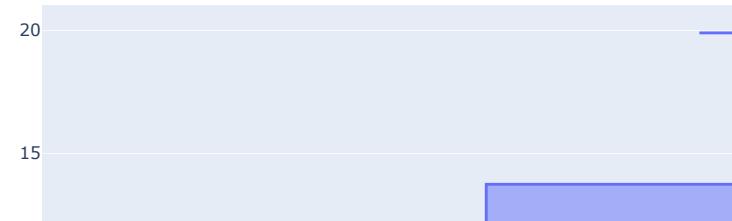


```
In [ ]: sns.boxplot(data=df_animal, y='sleep_total')
```

```
Out[ ]: <Axes: ylabel='sleep_total'>
```



```
In [ ]: # daha görsel olmasını istersem:  
px.box(data_frame=df_animal, y='sleep_total')
```



```
In [ ]: import numpy as np  
np.var(df_animal.sleep_total, ddof=1)
```

```
Out[ ]: 20.863040734366034
```

```
In [ ]: np.sqrt(np.var(df_animal.sleep_total, ddof=1))
```

```
Out[ ]: np.float64(4.56760776932149)
```

```
In [ ]: np.std(df_animal.sleep_total, ddof=1)
```

```
Out[ ]: 4.56760776932149
```

ödev 2

yukarıdaki 3 cell de "ddof=1" nedir

$ddof=1$ 'in anlamı şudur: Hesaplama yapılırken, veri sayısının (n) kendisi yerine ($n-1$) değerinin kullanılmasını sağlar. Bu, istatistikte "Örneklem Standart Sapması" veya "Örneklem Varyansı" olarak bilinen hesaplama yöntemidir.

```
In [ ]: # Mean Absolute Deviation  
# Ortalama Mutlak Sapma (translate)
```

```
dists = df_animal.sleep_total - \
np.mean(df_animal.sleep_total)
np.mean(np.abs(dists))
```

```
Out[ ]: np.float64(3.6387755102040815)
```

Mean Absolute Deviation (Ortalama Mutlak Sapma), bir veri setindeki her bir değerin, o setin ortalamasından mutlak olarak ne kadar saplığınıın ortalamasıdır.

```
In [ ]:
```