```
AICE\DNN_2025_09_26수정.py
```

```
1 import pandas as pd
2 import numpy as np
 3 import matplotlib.pyplot as plt
 4
    import seaborn as sns
   import random
 6
   from sklearn.model_selection import train_test_split
7
   from sklearn.preprocessing import RobustScaler, LabelEncoder
   from sklearn.metrics import accuracy_score, precision_score, recall_score, f1_score,
    classification report
   from sklearn.metrics import roc_curve, roc_auc_score
9
10
   import tensorflow as tf
    import matplotlib as mpl
11
12
   mpl.rcParams['font.family'] = 'Malgun Gothic'
13
   mpl.rcParams['axes.unicode_minus'] = False
14
   import warnings
15
   warnings.filterwarnings('ignore')
16
17 random.seed(42)
18
   np.random.seed(42)
19
   tf.random.set seed(42)
20
21 # load data, 컬럼명 소문자로 일괄 변경
22
   df = pd.read_csv("./titanic.csv")
23
   df.columns = df.columns.str.lower()
24
25 # 불필요한 컬럼 제거
   df.drop(columns=["class", "who"], inplace=True)
26
27
28 # 특정 컬럼 제거(.drop)
   df = df.drop(['col1', 'col2'], axis=1)
29
30
   df.drop(columns=['col1', 'col2'], inplace=True)
31
32
33 # 결측치 처리(제거, 대치)
34 df.dropna(ignore_index=True, inplace=True)
35
  # axis = 0 or 1 (행기준, 열기준)
36
37 df.dropna(axis=0, inplace=True) ; how='any'(default) or 'all' 지정가능
38 # 특정 컬럼들만 선택해서 결측치 제거
39 df.dropna(subset=['col1', 'col2'], inplace=True)
40
   # 결측치 대치
41 df.fillna({'col_name':df['col_name'].median()}, inplace=True) # 결측치를 중앙값으로 대치.
42
43
44
   # 이상치 제거 removing outliers
45
   num_cols = df.select_dtypes(include=[np.number]).columns.tolist()
   cat_cols = [c for c in df.columns if c not in num_cols and c != "survived"]
46
47
48
   for col in num cols:
49
       Q1 = df[col].quantile(0.25)
50
       Q3 = df[col].quantile(0.75)
       IQR = Q3 - Q1
51
```

```
52
        lower bound = Q1 - 1.5 * IQR
53
        upper_bound = Q3 + 1.5 * IQR
54
        df = df[ (df[col]>=lower_bound) & (df[col]<=upper_bound) ]</pre>
55
   이상치 제거하는 다른 방법:
56
57
    # index 사용해서 drop
58 | df = df.drop(df[df['col_name'] >= 10].index, axis=0)
    # .clip 사용해서 (lower, upper) 제한(행을 삭제하지 않고 대치)
59
    df = df.clip(-10, 200) 또는
60
    df['col'] = df['col'].clip(-10, 200) ; or .clip(lower=, upper=)
61
62
63
    # feature engineering
64
    df['family_size'] = df['sibsp'] + df['parch'] + 1
65
66
    # 인코딩 : 레이블 값 대치
67
    df['adult_male'] = df['adult_male'].map({True:1, False:0}).astype(int)
68
    df['alone'] = df['alone'].map({True:1, False:0}).astype(int)
69
    df['sex'] = df['sex'].map({'male':1, 'female':0}).astype(int)
70
71
72
    .map() 과 .replace() 는 다르다. map은 key를 찾지 못하면 NaN 을 반환한다.
73
    unit 컬럼에 metres, feet 두 종류의 값이 있다면,
74
    df['unit'] = df['unit'].replace({'feet':'metres'}) # 기존 metres 는 유지함.
    df['unit'] = df['unit'].map({'feet':'metres'}) # 기존 metres 는 NaN 으로 변경됨.
75
76
77
78 # 상관관계 출력
79
    plt.figure(figsize=(5,5))
80
    corr_mat = df[num_cols].corr()
81
    sns.heatmap(corr_mat, annot=True)
    plt.show()
82 |
83
    # heatmap 삼각형으로 출력
84
85
    mask = np.zeros_like(corr_mat, dtype=np.bool)
    mask[np.triu_indices_from(mask)] = True
86
    sns.heatmap(corr_mat, mask=mask, annot=True)
87
88
    # 클러스터맵
89
    sns.clustermap(corr_matrix, annot=True)
90
91
    # 범주형 변수는 자동으로 1/0으로 인코딩
92
93
    df = pd.get_dummies(data=df, drop_first=True).astype(int)
94
95
    # 종속변수(범주형) 수치형으로 인코딩
96
    le = LabelEncoder()
    df['survived'] = le.fit_transform(df['survived'])
97
98
    # .map({ key:value,... }) 로 값 대치
99
    df['col_name'] = df['col_name'].map({"Y":1, "N":0})
100
101
    # to_categorical() 함수는 정수형(integer) 클래스 레이블(label)을 원-핫 인코딩(one-hot encoding) 벡터
102
    로 변환
103
    from keras.utils import to_categorical
104
    df[col] = to_categorical(df[col], num_classes=2) 또는 y = to_categorical(y, num_classes=2)
```

```
105
    로 이진 분류도 출력층을 2개로 만들 수 있다.
    --> 따라서, model.add(Dense(2, activation='softmax')) 로 해야 한다.
106
107
108
    ex)
109
        labels = [0, 1, 2, 1, 0]
        one hot labels = to categorical(labels)
110
111
        print(one_hot_labels)
112
113
        Out[]:
114
        [[1. 0. 0.]
115
        [0. 1. 0.]
        [0. 0. 1.]
116
117
        [0. 1. 0.]
118
        [1. 0. 0.]]
    1.1.1
119
120
    y = df.pop('survived')
121
    X = df
122
123
124
    # split dataset
125
    X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.2, random_state=42)
126
    # 데이터셋 분리 후 스케일링
127
128
    scaler = RobustScaler()
    X_train = scaler.fit_transform(X_train)
129
130
    X_test = scaler.transform(X_test)
131
132
    from tensorflow.keras.models import Sequential
133
    from tensorflow.keras.layers import Dense, Dropout, Input
134
    from keras.utils import to_categorical
135
136
    model = Sequential()
    model.add(Input((X train.shape[1],))) # keras recommend this
137
138
    # model.add(Dense(32, activation='relu', input_shape=(X_train.shape[1],))), # input_dim =
    X_train.shape[1]
139
    model.add(Dense(32, activation='relu'))
    model.add(Dense(16, activation='relu'))
140
    model.add(Dropout(rate=0.2))
141
142
    model.add(Dense(8, activation='relu'))
    model.add(Dropout(rate=0.2))
143
144
    model.add(Dense(4, activation='relu'))
145
    model.add(Dropout(rate=0.2))
    # 출력층 시그모이드 함수 사용(이진분류문제)
146
    model.add(Dense(1, activation='sigmoid'))
147
    # 출력층이 2개이상인 경우 model.add(Dense(n, activation='softmax'))
148
149
    keras에서 activation 의 default 값은 없다. activation 함수의 종류:
150
151
            입력과 동일한 값을 출력합니다. 결과적으로 입력에 가중치를 곱하여 모두 더한 값을 그대로 출력
152
    합니다.
153
            시그모이드 함수를 사용하여 출력값을 Ø과 1 사이의 값으로 변환합니다. 이진 분류 모델 출력층에
154
    많이 사용됩니다.
155
        tanh:
```

```
156
          하이퍼볼릭 탄젠트 함수를 사용하여 출력값을 -1과 1 사이의 값으로 변환합니다. 은닉층에 많이 사
    용됩니다.
       relu:
157
158
           Rectified Linear Unit 함수를 사용하여 출력값을 0 이상의 값으로 변환합니다. 은닉층에 많이 사
    용됩니다.
159
       softmax:
           softmax 함수를 사용하여 출력값을 다중 클래스 분류에 적합한 확률 값으로 변환합니다. 다중 클래
160
    스 분류 모델 출력층에 많이 사용됩니다.
       selu:
161
           Scaled Exponential Linear Unit 함수를 사용하여 출력값을 0과 1 사이로 스케일링합니다. 자기 정
162
    규화(Self-Normalizing) 효과로 인해 딥러닝 모델의 성능을 향상시킬 수 있습니다.
163
       leaky_relu :
           ReLU 함수의 단점을 보완하기 위해 제안된 활성화 함수입니다. ReLU 함수는 음수 입력에 대해 항상
164
    0을 출력하는데, 이는 뉴런이 죽는 문제(dying ReLU)를 야기할 수 있습니다. Leaky ReLU는 이러한 문제를
    해결하기 위해 음수 입력에 대해 아주 작은 기울기 (보통 0.01)를 부여합니다.
165
166
167
168
    # 모델 요약
    model.summary()
169
170
171
    # 모델 컴파일 (클래스가 2개인 2진 분류: 0 or 1)
    model.compile(optimizer='adam', loss='binary crossentropy', metrics=['accuracy'])
172
173
    # loss = 'name' 으로 지정하는 기본값
174
    # 회귀문제 : 'mean_squared_error'
175
176
    # 2진 분류 : 'binary crossentropy'
    # 다중 클래스 분류
177
       - 'categorical_crossentropy' : 원핫인코딩 했을 경우 (pd.get_dummies)
178
       - 'sparse_categorical_crossentropy' : 원핫인코딩 안했을 경우 (LabelEncoder 정수 인코딩)
179
180
    tf.keras.losses._ : 클래스로 지정
181
     ex) tf.keras.losses.BinaryCrossentrophy(from_logits=True)
182
183
    # metrics 기본 옵션: 'accuracy', 'binary_accuracy', 'mse'
       다중 레이블 분류에서는 일반적인 accuracy가 성능을 과소평가 할 수 있음
184
          - binary accuracy: 레이블별 정확도를 평가
185
           - precision, recall, f1_score: 클래스 불균형이나 특정 클래스(양성)에 초점을 맞출 때 유용
186
           - auc: 클래스 분리 능력을 평가
187
188
       tf.keras.metrics._ : precision, recall, f1_score, AUC 등 여러개 지정 가능
189
           tf.keras.metrics.AUC(or Accuracy, BinaryAccuracy, CategoricalAccuracy, CosineSimilarity,
190
                               F1Score, Mean, MeanAbsoluteError, R2Score, Recall,
    RootMeanSquaredError,...)
    # 클래스로 지정
191
       optimizer = tf.keras.optimizers.SGD(learning_rate=0.01)
192
193
194
    # 모델 학습
195
    # model.fit(X_train, y_train, epochs=30, batch_size=16, verbose=1)
196
197
    # 모델 학습을 history 로 저장하려면,
198
199
    from tensorflow.keras.callbacks import EarlyStopping, ModelCheckpoint # point 는 소문자임에 주의
200
201
    es = EarlyStopping(monitor='val_loss', patience=9, verbose=1)
202
    mc = ModelCheckpoint('best_model.keras', monitor='val_loss', save_best_only=True, verbose=1)
```

```
203
204
    history = model.fit(
205
        X_train,
206
        y_train,
207
        validation_split=0.2,
208
        # validation_data=(X_test, y_test),
209
        epochs=30,
210
        batch_size=16,
        callbacks=[es, mc]
211
212
        )
213
214
    y_pred = (model.predict(X_test) > 0.5).astype(int)
    # 시그모이드 출력층과 binary_crossentropy 손실 함수를 사용하는 이진 분류 DNN 모델
215
    # model.predict(X_test) > 0.5는 각 샘플의 예측 확률이 0.5보다 크면 True
216
    # .astype(int)는 boolean 값을 0 or 1 로 변환
217
218
219
    softmax 함수로 2개 output 출력되었을 경우,
        y_pred = np.argmax(model.predict(X_test), axis=1) 로 큰 값을 저장한다. axis=1 은 컬럼방향 최대
220
     값 선택의 의미
221
        np.argmax() : 행(axis=0) 또는 열(axis=1)을 따라 가장 큰 값(높은 확률)의 index 반환
222
    다중 클래스 분류(하나의 클래스 선택)와 달리, 다중 레이블 분류(여러 클래스 동시 선택 가능)에서는
223
     softmax 대신 클래스별로 독립적인 sigmoid를 사용하고, binary_crossentropy를 적용
224
225
226
227
    # 점수 출력
228
    print("Accuracy:", accuracy_score(y_test, y_pred))
229
    print("Precision:", precision_score(y_test, y_pred))
230
    print("Recall:", recall_score(y_test, y_pred))
231
232
    print("F1 Score:", f1_score(y_test, y_pred))
    print("Classification Report", classification_report(y_test, y_pred)) # 모아서 출력
233
234
235
    # 모델 성능 시각화
    def plot_training_history(history):
236
237
        plt.figure(figsize=(10, 4))
238
239
        # 손실 값 (Loss)
240
        plt.subplot(1, 2, 1)
241
        plt.plot(history.history['loss'], label='Training Loss', marker='o')
242
        plt.plot(history.history['val_loss'], label='Validation Loss', marker='o')
243
        plt.title('Loss Over Epochs')
244
        plt.xlabel('Epochs')
245
        plt.ylabel('Loss')
246
        plt.legend()
247
        plt.grid(True)
        # 정확도 (Accuracy)
248
249
        plt.subplot(1, 2, 2)
        plt.plot(history.history['accuracy'], label='Training Accuracy', marker='o')
250
251
        plt.plot(history.history['val_accuracy'], label='Validation Accuracy', marker='o')
252
        plt.title('Accuracy Over Epochs')
        plt.xlabel('Epochs')
253
        plt.ylabel('Accuracy')
254
255
        plt.legend()
```

```
256
        plt.grid(True)
257
258
        plt.tight layout()
259
        plt.show()
260
261
    def plot_roc_curve(y_test, y_pred_proba_pos):
262
       fpr, tpr, _ = roc_curve(y_test, y_pred_proba_pos)
263
       auc_score = roc_auc_score(y_test, y_pred_proba_pos) # ← 추가
       plt.plot(fpr, tpr, label=f'ROC curve (AUC = {auc_score:.2f})')
264
       plt.plot([0, 1], [0, 1], 'k--', label='Classifier')
265
266
       plt.xlabel('False Positive Rate')
       plt.ylabel('True Positive Rate')
267
       plt.title('Receiver Operating Characteristic (ROC) Curve')
268
       plt.legend(loc='lower right')
269
270
       plt.show()
271
272
   # 모델 학습 결과 시각화
273
274
    plot_training_history(history)
275
276
   # plot ROC curve with auc score
277
    y_prob = model.predict(X_test).ravel()
278
    plot_roc_curve(y_test, y_prob)
    0.00
279
280
    scikit-learn 추정기(분류기)에는 관례적으로 predict_proba가 있다.
    tf.keras 모델은 model.predict가 "마지막 층의 출력값"을 그대로 반환한다.
281
282
283
    마지막 층이 sigmoid(이진 분류)면 predict 결과가 곧 양성 확률.
284
    마지막 층이 softmax(다중 분류)면 predict 결과가 각 클래스 확률 분포(합=1.0).
285
    numpy.ravel(a, order='C') : Return a contiguous flattened array.
286
287
    numpy.array.ravel()은 모양(차원)을 (N,1) → (N,)으로 축소함.
    이진 분류에서 predict가 (샘플수, 1) 형태로 나오므로,
288
289
    y_prob = model.predict(X_test).ravel()로 1차원 벡터로 바꿔
290
    roc_auc_score, roc_curve 같은 sklearn 지표에 맞춥니다.
291
292
293
    ###### y값 Imbalance Handling with SMOTE ######
    # pip install -U imbalanced-learn
294
    from imblearn.over sampling import SMOTE
295
296
    smote = SMOTE(random_state=42)
297
    X_train_ovr, y_train_ovr = smote.fit_resample(X_train, y_train)
298
    print("SMOTE 적용 전 train/test 데이터셋", X_train.shape, y_train.shape)
299
    print("SMOTE 적용 후 train/test 데이터셋", X_train_ovr.shape, y_train_ovr.shape)
300
301
302
    # SMOTE 적용 후 레이블값 분포 확인
    pd.Series(y_train_ovr).value_counts()
303
304
    # 다중클래스로 인코딩(softmax 함수를 출력층에 사용하려고)
305
306
    y_train_ovr = to_categorical(y_train_ovr)
307
308
   # build DNN model
    model = Sequential()
309
```

```
310
    model.add(Input((X_train_ovr.shape[1],))) # Keras recommend this
     # model.add(Dense(32, activation='relu', input_shape=(X_train.shape[1],))), # input_dim =
311
     X_train.shape[1]
    model.add(Dense(32, activation='relu')),
312 |
    model.add(Dropout(rate=0.2)),
313
    model.add(Dense(16, activation='relu')),
314
315 |
    model.add(Dropout(rate=0.2)),
316
    model.add(Dense(8, activation='relu')),
     model.add(Dropout(rate=0.2)),
317
    model.add(Dense(2, activation='softmax'))
318
319
    # model compile
320
    model.compile(optimizer='adam', loss='binary_crossentropy', metrics=['accuracy'])
321
322
    es = EarlyStopping(monitor='val_loss', patience=9, verbose=1)
    mc = ModelCheckpoint('best_model_smote.keras', monitor='val_loss', save_best_only=True, verbose=1)
323
324
    history = model.fit(
325
326
        X_train_ovr,
327
        y_train_ovr,
328
        validation_split=0.2,
        # validation_data=(X_test, y_test),
329
330
         epochs=30,
         batch_size=16,
331
         callbacks=[es, mc]
332
333
         )
334
     # np.argmax() : 행(axis=0) 또는 열(axis=1)을 따라 가장 큰 값(높은 확률)의 index 반환
335
     y_pred = np.argmax(model.predict(X_test), axis=1)
336
337
338
     print("Accuracy:", accuracy_score(y_test, y_pred))
     print("Precision:", precision_score(y_test, y_pred))
339
340
     print("Recall:", recall_score(y_test, y_pred))
     print("F1 Score:", f1_score(y_test, y_pred))
341
     print("Classification Report", classification_report(y_test, y_pred)) # 모아서 출력
342
343
    # 모델 학습 결과 시각화
344
345
     plot_training_history(history)
346
347 # plot ROC curve with auc score
348
     y_prob_pos = model.predict(X_test)[:,1]
349 | plot_roc_curve(y_test, y_prob_pos)
```