

6. Nehmen eine R-DNA Probe, die ^{an+} vielleicht diese Sequenz hat. Nehmen eine weitere Probe, die die ^{an-} hat, und eine d. ^{an-} ~~an+~~ hat. Durch Gel-Elekktrophorese kann ~~man~~ die Länge der markierten Sequenz bestimmen werden, nach Spaltung mit Msp II. Wenn die ~~längere~~ das ~~GAT~~ Längen ~~der~~ untersuchender Proteine und ^{an+} Gene und der GAT-haltige Gen ^{an-} übereinstimmen, hat man die Abwesenheit der Mutation bewiesen - und andernrum mit ~~GAT~~, die nicht gespalten wird. Sanger-Blotting schließt einen anderen Schnitt ab, indem man ~~mit~~ die ~~markierte~~ gespaltene Sequenz mit ^{32}P -markierter DNA weiterbehandelt um eine spezifische Sequenz ~~zu~~ herauszuspüren.

Obwohl diese Sequenzen zusammen passen sind sie auf der späteren Seite der Spaltfläche

8. ~~Die~~ Ein Vier Dr. U. genauer ist, wenn die die
richtig könnten. Einem kann, wenn man sagt,
ich weiß nicht wie.

ICH VERSTEHEN DIESE FRAGE NICHT. FÜGEN BEISPIELIGE
NUCLEINSÄUREN ZU SCHREIBEN UND ZU PIAFACH EINE
ANTWORT.

9. ~~Wissen~~ Wie wissen Sie, dass die DNA nicht mit fremder DNA verschw. war? Abhebt die Segmente? Vögeln oder Krokodile, aber Menschen oder Bakterien?