

18. ~~Es~~ Es gibt viele Schwefel-Aciden, mit nur ein fixieren Bindungs-Parader per Schwefel.

Ich habe gedacht, dass die Antwort ist: die ~~richtige~~ richtige Struktur des Insulins ist thermodynamisch stabil ist. Ich dachte: "nein, alle Proteine sind der thermodynamisch stabil".

19. Ich verstehe diese Frage gar nicht. Vielleicht aus Deutsch noch Englisch.

Ich verstehe die Antwort auch nicht. Ich meine, dass es nicht wichtig ist, diese Frage zu verstehen.

20. Es ist die einzige Aminosäure. Diese Einzelsäure hat ~~keine~~ Vorteile, und es gibt Fase keine Veränderungen zu machen, ohne eine andere Aminosäure, ~~meist~~ häufig. ✓

21.  $\text{CO}_2$ ,  $\text{OH}$ ,  $\text{NH}_2$   
die andere Konkurrenz, sauerstoff bindung ( $\text{CO}_2$ ), Schwefel,

In die Frage ist "Gruppen" geschrieben, aber Aminosäuren sind in die Lösungen gespülten.

22. Die Disulfidbrücken sind zwar stark, aber flexibel, Nein. Die Bindungen ~~sind~~ wirkt ausgetauscht und nachher das Paar wieder ausgebildet.