

14. Ein Primer für das Ende der bekannten Sequenz
wird hergestellt, von dem die DNA-Synthese
bekanntes Rand. Der Primer soll ~~an~~ an der
Grenze zwischen die bekannte und unbekannte
Region liegen. ~~X~~ wir wollen es nicht ~~erzeugen~~,
sondern ~~bestimmen~~ ~~primär~~ ~~wird für~~

Sequenz bestimmen
Nur die obere beschreibende Primer wird für
PCR benutzt. Für den anderen Primer soll eine
beliebige, oder vorher bekannte, Sequenz des
untersuchenden Bereiches verwendet werden.

Das Genom ist nicht kontinuierlich gelagert, so wir können nicht davon ausgehen, dass beide Enden der bekannter Gen in einer Probe anwesend sind.

Wir sollen diese Tatsache nutzen, indem wir isolieren die Sequenzen, die eine ~~der~~ ^{der} Erbe der bekannten Gen erhalten, isolieren. Wie diese Isolierung stattdessen wird im Buch nicht erklärt.

15. Aminosäuresequenz. // Wege in den ⁵⁰⁰st. Codieren kann

Ala - mer-serben plo-TP	576
-------------------------	-----

764-700-ASD-Mer-Pis-Lup 32

Cys-Val-Trp_n-Lys Ile 96

Aug 5-58 Mex - Cen - Gen - Jan, 864

Beste sequence

10. weil Hunde genetisch ähnlich, aber bei Größe und anderer physische Merkmale sehr unterschiedlich sind. Auch weil es viele ~~Fur~~ Hundrassen gibt.

17. Abb 5.28 - Chanson 2.