





PROPIEDADES ADMET Y FILTROS DE SELECCIÓN DE CANDIDATOS A FÁRMACO

Alumnos: Magalí Arazi (62568), Candela Fagnani (62635), Nicolás Falabella (62796), Sofía Goldszer (62024), Camila Sanchez (62781) y Vicente Vleugels (63660)





Contenidos

O1 Ejercicio 1

02 Ejercicio 2

O3 Ejercicio 3

04 Ejercicio 4

O5 Ejercicio 5

Ejercicio 1.a

Selección de compuestos:
Ingresar a PubChem. Utilizar la
barra de búsqueda, para encontrar
información de los siguientes
compuesto: aspirin, paracetamol y
caffeine. Obtener el "Canonical
SMILES" del compuesto para los
pasos anteriores

aspirin --> SMILES: CC(=0)OC1=CC=CC=C1C(=0)O

paracetamol --> SMILES: CC(=0)NC1=CC=C(C=C1)O

caffeine --> SMILES: CN1C=NC2=C1C(=O)N(C(=O)N2C)C

Ejercicio 1.b

Seleccionar 3 fármacos conocidos y 2 experimentales utilizando las palabras clave: anticancer candidate, natural product, experimental drug.

FDA Approved:

- Teniposide
- Ecteinascidins
- Imatinib

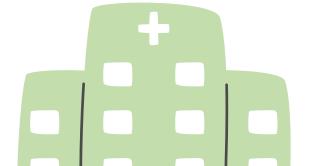
FDA Not Approved:

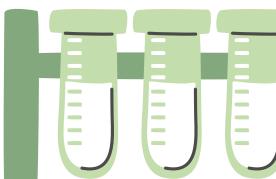
- Luteolin-7-O-glucoside
- (10E)-9-oxo-10-octadecenoic acid











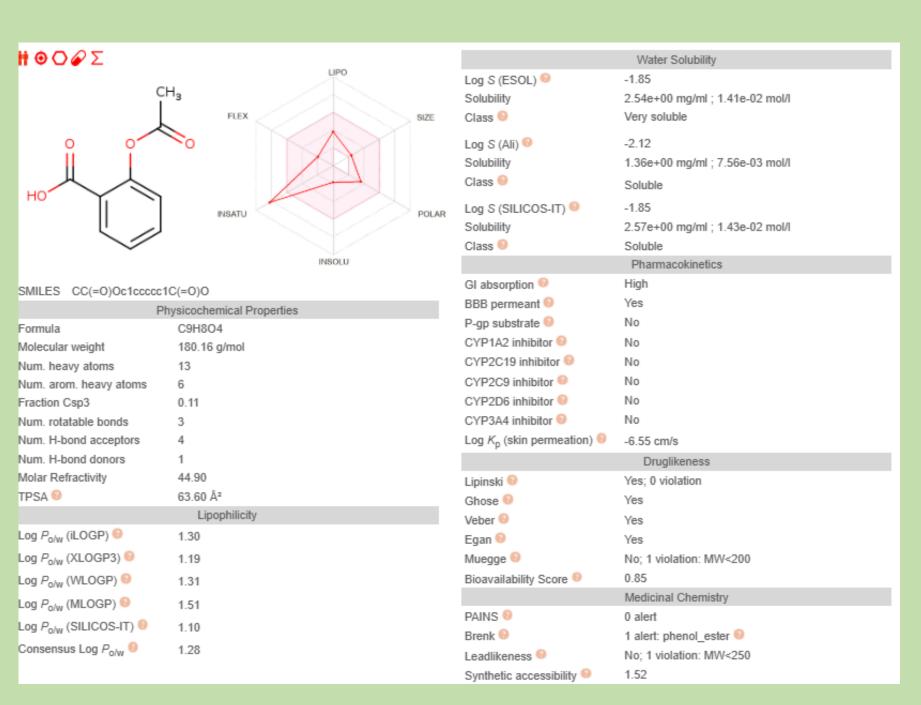
Realizar la predicción de propiedades fisicoquímicas de las moléulas obtenidas en el punto 1.a, mediante el uso de la herramienta SwissADME.

Utilizando los SMILES obtenidos en el punto anterior, obtener de ambos fármacos:

- a. Peso molecular
- b. LogP (índice de lipofilicidad)
- c. H-bond acceptors
- d. H-bond donors
- e. TPSA (Superficie polar)
- f. Rotatable bonds

Aspirin

- Peso molecular --> 180.16 g/mol
- LogP (índice de lipofilicidad) --> 1.30
- H-bond acceptors --> 4
- H-bond donors --> 1
- TPSA (Superficie polar) --> 63.60 Å²
- Rotatable bonds --> 3



Realizar la predicción de propiedades fisicoquímicas de las moléulas obtenidas en el punto 1.a, mediante el uso de la herramienta SwissADME.

Utilizando los SMILES obtenidos en el punto anterior, obtener de ambos fármacos:

- a. Peso molecular
- b. LogP (índice de lipofilicidad)
- c. H-bond acceptors
- d. H-bond donors
- e. TPSA (Superficie polar)
- f. Rotatable bonds

Aspirin

- Peso molecular --> 180.16 g/mol
- LogP (índice de lipofilicidad) --> 1.30
- H-bond acceptors --> 4
- H-bond donors --> 1
- TPSA (Superficie polar) --> 63.60 Å²
- Rotatable bonds --> 3

Paracetamol

- Peso molecular --> 151.16 g/mol
- LogP (índice de lipofilicidad) --> 1.21
- H-bond acceptors --> 2
- H-bond donors --> 2
- TPSA (Superficie polar) --> 49.33 Å²
- Rotatable bonds --> 2

Caffeine

- Peso molecular --> 194.19 g/mol
- LogP (índice de lipofilicidad) --> 1.79
- H-bond acceptors --> 3
- H-bond donors --> 0
- TPSA (Superficie polar) --> 61.82 Å²
- Rotatable bonds --> 0

Identificar subestructuras indeseables de los compuestos del punto 1.ay 1.b

molecula	subestructuras_indeseables
aspirin	
paracetamol	
caffeine	
teniposide	
ecteinascidin	mannich_A(296); 2 toxicidad
imatinib	
luteolin-7-O-glucoside	catechol_A(92)

Moléculas con subestructuras indeseables

- Ecteinascidin: Mannich_A(296); 2 toxicidad
- Luteolin-7-O-glucoside: Catechol_A(92)

Moléculas sin subestructuras indeseables

- Aspirina
- Paracetamol
- Cafeina
- Teniposide
- Imatinib

Predicción de Toxicidad (ProTox-II)

- Aspirina
 - LD50: 250 mg/kg → Clase III (tóxica si se ingiere)
- Paracetamol
 - LD50: 338 mg/kg → Clase IV (nociva si se ingiere)
- Cafeína
 - LD50: 127 mg/kg → Clase III (tóxica si se ingiere)

¿Cuál de las moléculas seleccionadas muestra menor toxicidad según ProTox-II?

Teniendo en cuenta:

- Class I: fatal if swallowed (LD50 ≤ 5)
- Class II: fatal if swallowed (5 < LD50 ≤ 50)
- Class III: toxic if swallowed (50 < LD50 ≤ 300)
- Class IV: harmful if swallowed (300 < LD50 ≤ 2000)
- Class V: may be harmful if swallowed (2000 < LD50 ≤ 5000)
- Class VI: non-toxic (LD50 > 5000)

LD50: dosis necesaria para causar la muerte en el 50% de la población de prueba → un valor más bajo significa una molécula más tóxica, porque basta con menos cantidad para producir el mismo efecto.

Por eso, la molécula menos tóxica es el paracetamol.

Riesgos Específicos Probabilidades de efectos adversos

Aspirin

Hepatotoxicidad: 0.51 Carcinogenicidad: 0.86 Mutagenicidad: 0.97

Paracetamol

Hepatotoxicidad: 0.74 Carcinogenicidad: 0.51 Mutagenicidad: 0.90

Caffein

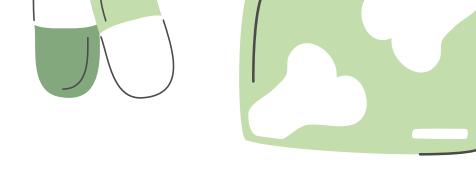
Hepatotoxicidad: 0.97 Carcinogenicidad: 0.93 Mutagenicidad: 0.94 Aunque la cafeína tiene mayor probabilidad de riesgos crónicos (hepato, muta, carcino), en términos de toxicidad el Paracetamol es el menos tóxico.

Construir una ficha técnica de cada compuesto que considere las respuestas a las siguientes preguntas: ¿Qué compuestos cumplen mejor con los filtros de Lipinski y Veber? ¿Aparecieron moléculas con alertas PAINS? ¿Cuál es su toxicidad?

Ficha Técnica

Nombre	Lipinski	Veber	Pains	Toxicidad
Aspirin	Si	Si	No	Clase 3 (tóxica si se ingiere)
Paracetamol	Si	Si	No I	Clase 4 (Nocivo por ingestión)
Caffeine	Si	Si	No	Clase 3 (tóxica si se ingiere)









iMUCHAS GRACIAS!









