Opdracht evolutie (10 min)

Beantwoord de volgende vragen in je eigen woorden. Gebruik eventueel pagina 439 (13.6) van het boek:

- Wat zijn allelen?
- Wat is het verschil tussen mutatie en recombinatie?
- Wat is het verschil tussen homologe en niet-homologe recombinatie?
- De meeste mutaties zijn _____ voor een bacterie. (kies uit: nadelig/voordelig/ neutraal)
- Wat is het verschil tussen selectie en genetische drift?
- Noem twee situaties waarin genetische drift een groot effect kan hebben.

Selectie

op basis van fitness → vermogen om te overleven en te reproduceren (vergeleken met competerende organismen)

mutaties kunnen neutraal, nadelig of voordelig zijn

LET OP: mutaties ontstaan toevallig (en niet a.g.v. selectie)

Genetic drift

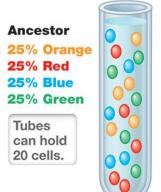
genfrequenties in populatie veranderen

geen gevolg selectie, maar van willekeurige veranderingen in hoeveelheid nageslacht

willekeurig proces

Vooral in kleine populaties en bij 'bottleneck events' (→ b.v. pathogenen die gastheer koloniseren)

Genetic drift



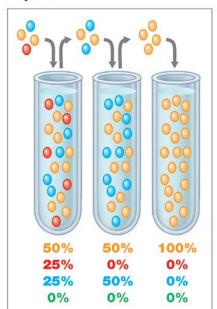
Four cells taken at random from the ancestor tube are transferred to the first (far left) tube of each population.

For all populations:

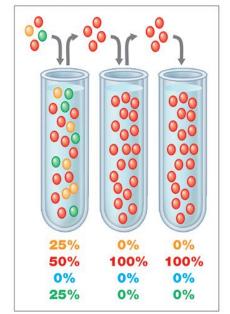
After ancestral cells grow to fill the first tube, 4 random cells are transferred to the second tube. This process is then repeated between the second and third tubes.

Genetic drift causes evolutionary divergence of populations due to random processes and is independent of selection.

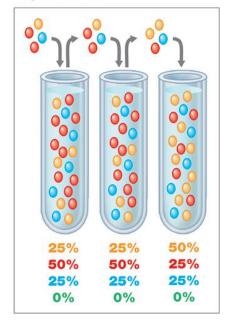
Population 1



Population 2



Population 3



Molecular clock

Sequence changes can be used as a molecular clock

Approach based on the assumptions that nucleotide changes:

- accumulate in sequence in proportion to time
- are generally neutral
- do not interfere with gene function
- are random

Calibration with evidence from geological record

Example: Escherichia coli and Salmonella typhimiurium

- 2.8% dissimilarity in 16S rRNA gene
- last shared common ancestor 100-140 million years ago

Experimental evolution: Rhodobacter

Fototrofe paarse bacterie (anoxigene fotosynthese)

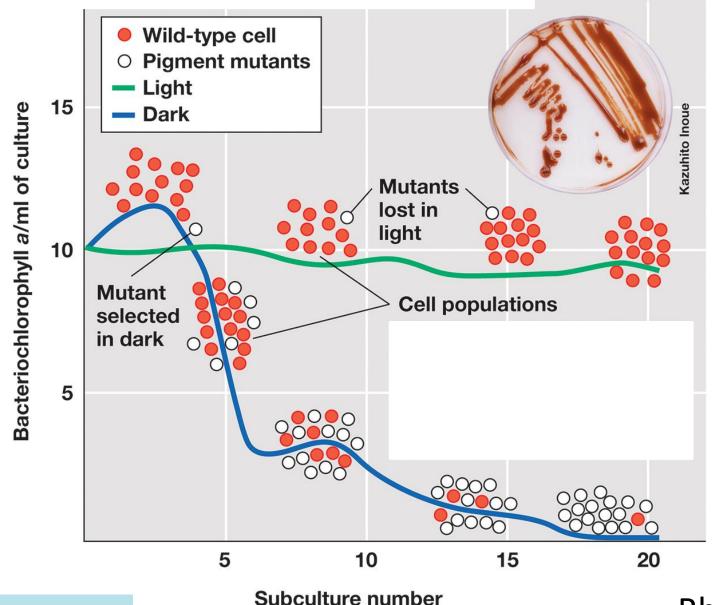
Modelorganisme onderzoek fotosynthese

Anaeroob omstandigheden (licht of donker): productie bacteriochlorophyl en carotenoiden

Random mutaties: synthese fotopigmenten \downarrow



Voorbeeld: Rhodobacter



Rhodobacter

Voorbeeld: E. coli long-term evolution experiment

- Richard Lenski, vanaf 24 februari 1988
- Genetische aanpassingen in 12 Escherichia coli populaties
 - minimal medium met glucose (energie- en koolstofbron) en citraat (buffer)
 - Invriezen 'fossil records'
 - Sequencen
- Begin 2020: 73,500 generaties!

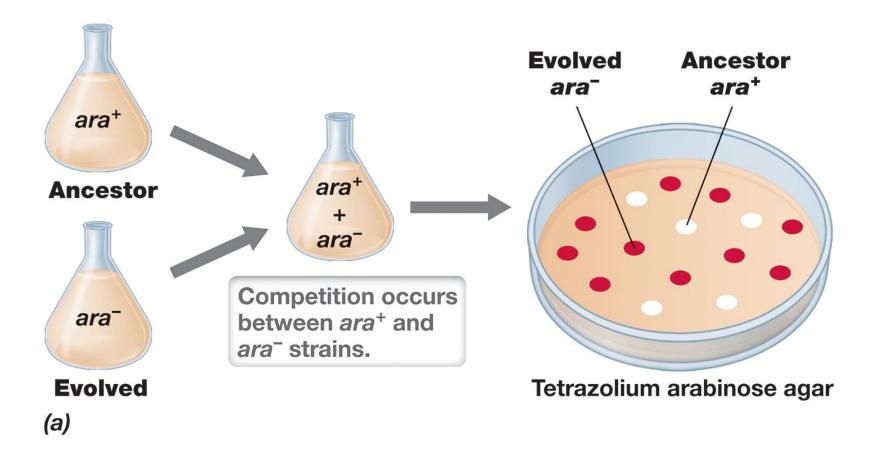


Brian Baer and Neerja Hajela, CC BY-SA 1.0 https://creativecommons.org/licenses/by-sa/1.0, via Wikimedia Commons

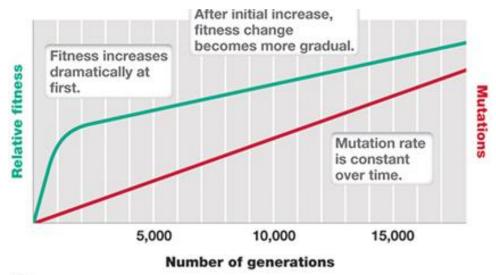
LTEE

strains engineered to contain a neutral marker

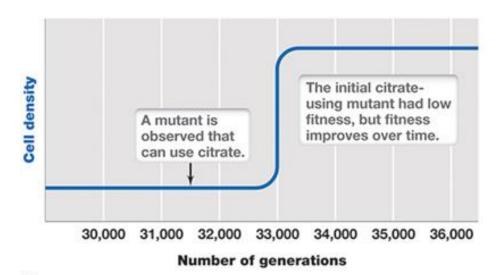
→ competitie experimenten mogelijk



LTEE



(b)



(c)

Voorbeeld: antibioticum resistentie

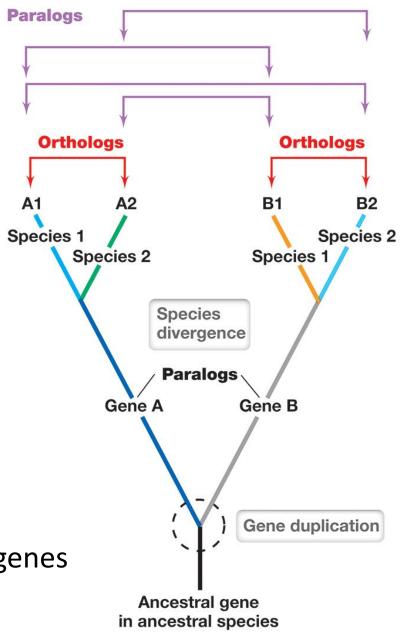
https://www.youtube.com/watch?v=yybsSqcB7mE

Homologs

Orthologs share the same function

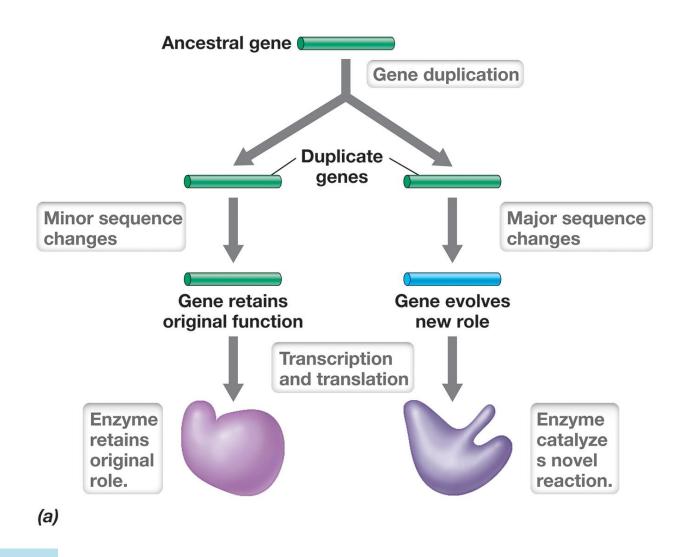
Paralogs <u>not</u> the same function

Gene family = group of homologous genes



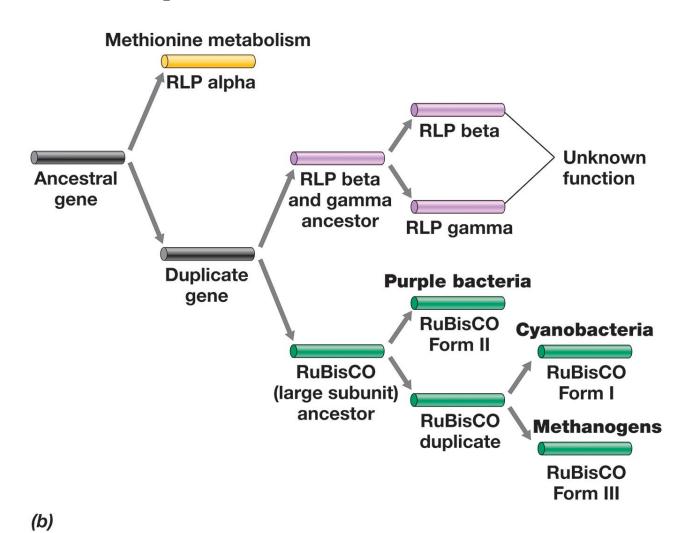
Gene duplication

Thought to be a major driving force behind the evolution of gene families



Voorbeeld: RuBisCo

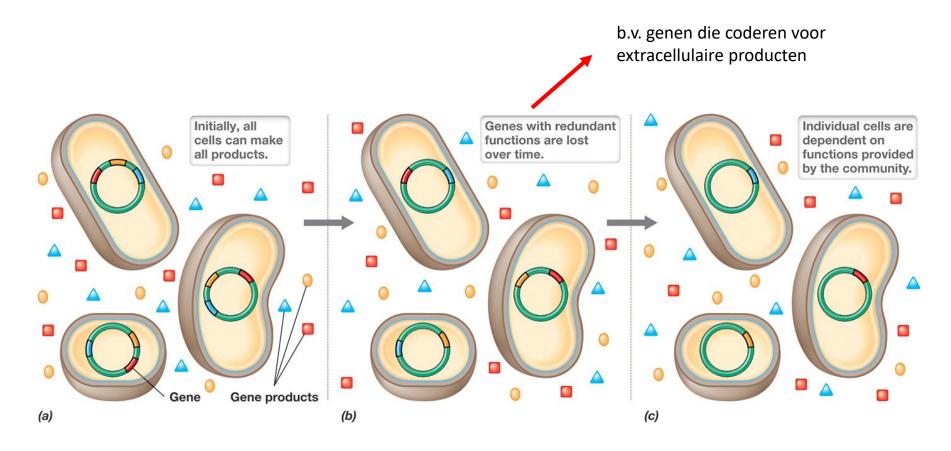
RuBisCo: betrokken bij CO₂ fixatie



Waar of niet waar?

Evolutie leidt ertoe dat organismen steeds complexer worden.

Evolutie van afhankelijkheid

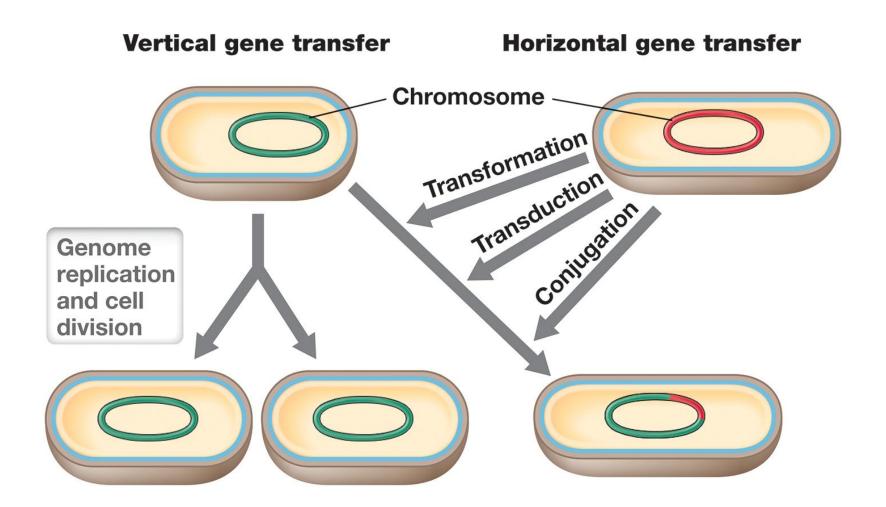


Verschillende strategieën:

- Verlies van functies
- Behouden alle functies

Beide strategieën hebben vooren nadelen

Horizontal and vertical gene transfer



Horizontal gene transfer

Groot effect op evolutie van micro-organismen

Verschillende mechanismen

- Transformatie (opname DNA uit de omgeving)
- Transductie (bacteriofagen brengen DNA over)
- Conjungatie (overdracht van bacterie naar bacterie m.b.v. pili)

Horizontal gene transfer

Mogelijke effecten:

- Bij non-homologe recombinatie: additief
- Bij homologe recombinatie: gen conversie

Verschil met sexuele recombinatie:

- HGT is unidirectioneel
- HGT is assymetrisch (alleen klein deel DNA wordt overgedragen)
- HGT kan ook tussen verschillende soorten plaatsvinden

Mobiele genetische segmenten

Vergemakkelijken horizontal gene transfer

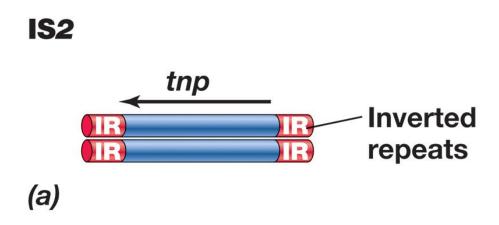
Voorbeelden:

- Plasmiden
- Profagen (in bacteriele genoom geintegreerde bacteriofaag)
- Insertie sequenties
- Transposons
- Integrons

Mobilome: totaal van alle mobiele genetische elementen in een cel

Insertiesequenties

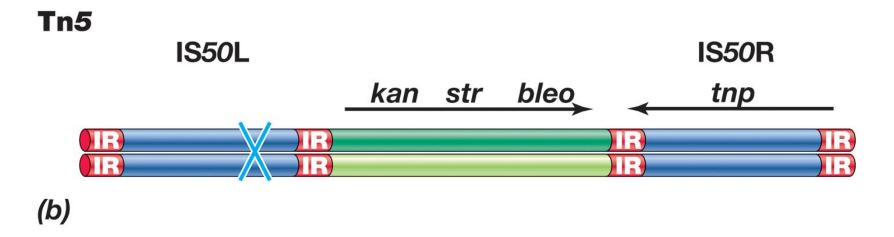
- Transposase gen, geflankeerd door inverted repeats
- Transposase herkent inverted repeats en katalyseert homologe recombinatie
- Als er meerdere insertie sequenties in een genoom aanwezig zijn, kan dit leiden tot deleties, inversies en translocaties



21

Transposons

- Vergelijkbaar met insertie sequentie, maar langer en meerdere genen (niet gerelateerd aan transposase, b.v. antibioticum resistentiegenen)
- Uitwisseling genen tussen verschillende segmenten van het DNA
- Bevatten soms genen voor conjungatieve overdracht

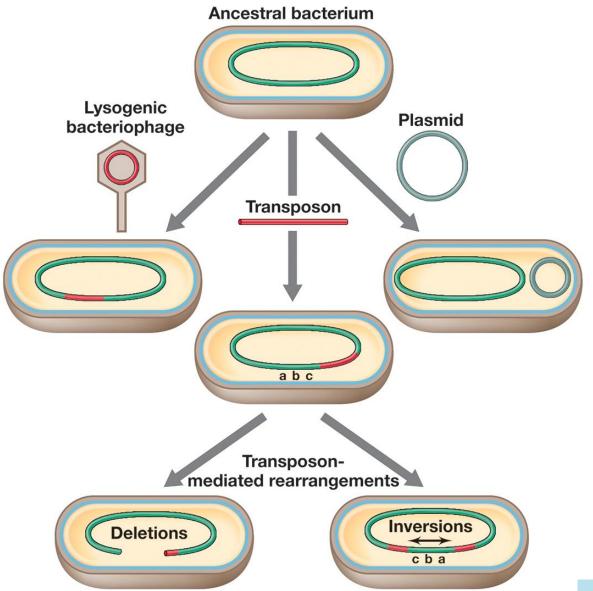


22

Integrons

- Integrase gen, promoter en recombinatie site met direct repeats
- Faciliteren recombinatie en uitwisseling van DNA
- Bevatten gen cassette waarvan expressie gereguleerd wordt door de integron promoter
- Vaak op andere mobiele elementen (plasmiden, transposons)
- Snelle acquisition/ rearrangement van genen

Mobiele genetische elementen



Horizontal gene transfer

Snelheid per cel per generatie laag, maar meeste genen in een microbieel genoom hebben ergens in de hun evolutionaire geschiedenis HGT doorgemaakt.

Hoe detecteer je dit?

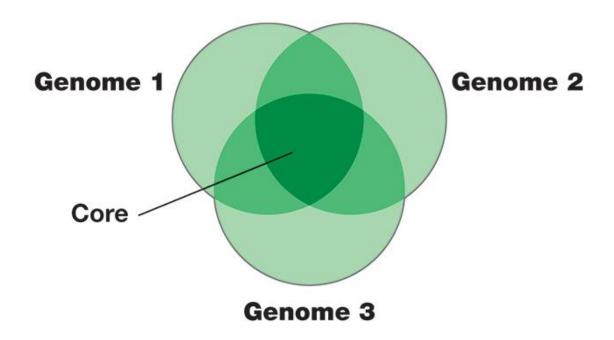
Bijvoorbeeld:

- Methoden om verschillen in GC-content of codon bias in het genoom te vinden.
- Fylogenetische methoden: fylogenetische bomen voor meerdere genen → afwijkend patroon is indicatie voor HGT

Evolutie van microbiele genomen

Microbiele genomen zijn erg divers en dynamisch

Core en pan genoom

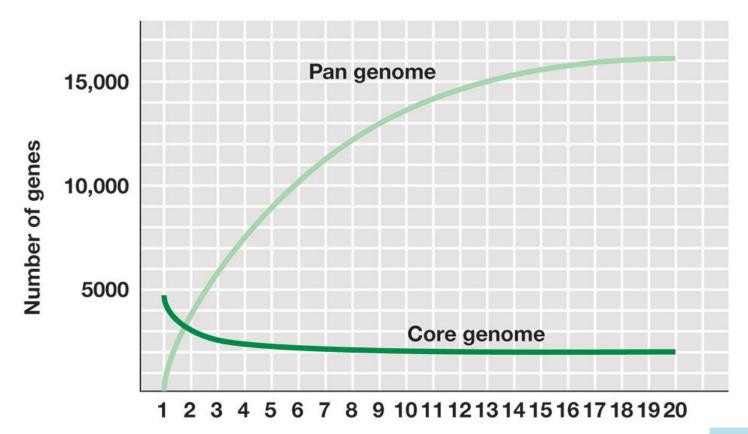


Core genoom: aantal genen dat aanwezig is in elke stam

Pan genoom: totaal aantal genen (van alle stammen samen)

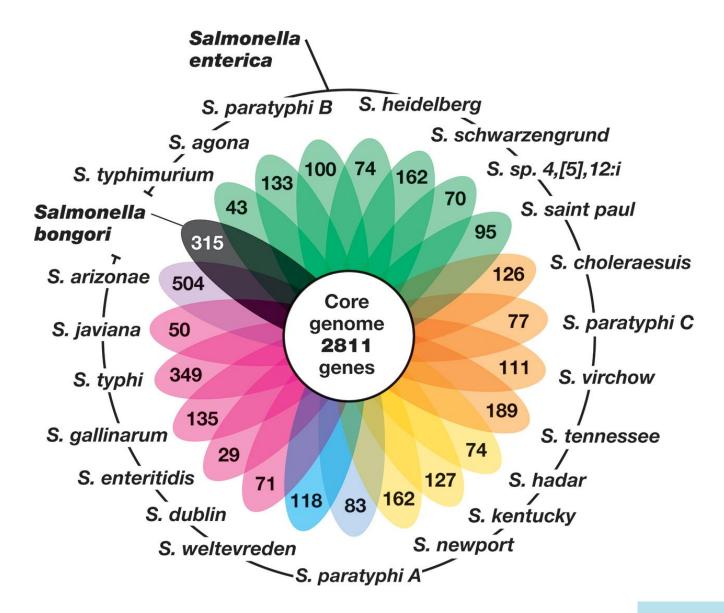
Voorbeeld: Escherichia coli

- gemiddeld 4721 genen
- core genome bestaat uit maar 1976 genen
- 15.826 genen niet in alle stammen (vaak via horizontal gene transfer)



Number of genomes analyzed

Voorbeeld: Salmonella enterica



Alle figuren in deze PowerPoint zijn eigen werk of afkomstig uit Brock Biologiy of Microorganisms (16th edition, Pearson) tenzij anders vermeld.