**Background**

Fasta bestanden zijn qua vorm vrij simpel; een header en een DNA of RNA sequentie. Echter, is dit lastig om te lezen en weet men alleen dat de nucleotiden in een bepaalde volgorde staan.

**Objectives**

1. Weergave nucleotide percentage kunnen geven van elke nucleotide;
2. Weergave hoeveelheid codons/aminozuren;
3. Mogelijke weergave eiwitsequentie (gebruiker kan kiezen of deze van belang is);
4. Mogelijk andere ideeen die later opkomen.

**Visualisation**

1. Nucleotide percentage: taartdiagram of tabel
2. Weergave codons: staafdiagram of tabel
3. Eiwitsequentie: output file

**Scope**

1. Een werkende website
2. Product moet juiste informatie weergeven
3. Verschillende elementen van het bestand kunnen uitleggen?

**Timeframe**

?

**Monitoring and evaluation**

Dit idee zou elk fasta bestand moeten kunnen inlezen en de gewenste resultaten laten zien. Hiervoor kan er elk fasta bestand worden ingevoerd.