

SEQ-29757-29784 VS 29784-29757

SEQ 29757-29784 VS NCOA1

SEQ-29828-29855-docked-IGSF9B

SEQ-29792-29819-docked-RB1

NT	DIST HEX	AVER DIST DM	COMP NT
G1	DIST		C56
O6	2.72	3.03 +/- 0.51	N4
N1	2.91	3.01 +/- 0.33	N3
N2	3.08	3.76 +/- 0.28	O2

NT	DIST HEX	AVER DIST DM	COMP NT
G1	DIST		T56

NT	DIST HEX	AVER DIST DM	COMP NT
G1	DIST		U56
O6			N4
N1			N3
N2			O2

NT	DIST HEX	AVER DIST DM	COMP NT
A1			A56

T2			A55
N3	2.95	2.98 +/- 0.28	N1
O4	2.84	3.19 +/- 0.58	N6

T2	DIST		C55

U2			C55

T2			T55

G3			C54
O6	2.72	2.95 +/- 0.06	N4
N1	2.91	2.93 +/- 0.087	N3
N2	3.08	2.85 +/- 0.11	O2

G3	DIST		C54
N1	4.38	6.45 +/- 1.22	N3
N2	4.8	7.07 +/- 1.67	O2
O6	3.94	5.88 +/- 1.86	N4

G3			T54

G3			T54

T4			A53
N3	2.95	2.99 +/- 0.33	N1
O4	2.83	3.16 +/- 0.62	N6

T4	DIST		A53
N3	4.63	6.78 +/- 1.48	N1
O4	4.25	5.88 +/- 1.37	N6

C4			G53
O2	4.54	3.06 +/- 0.44	N2
N4	4.06	5.55 +/- 1.68	O6
N3	4.32	4.24 +/- 0.83	N1

G4			T53

A5			T52
N1	2.95	2.95 +/- 0.14	N3
N6	2.84	3.04 +/- 0.27	O4

A5	DIST		T52
N1	4.98	3.56 +/- 1.33	N3
N6	4.58	3.52 +/- 1.13	O4

U5			T52

A5			T52
N1	9.68	13.55 +/- 2.68	N3
N6	6.79	10.30 +/- 2.48	O4

C6			G51
O2	3.08	2.85 +/- 0.02	N2
N4	2.73	2.95 +/- 0.357	O6
N3	2.91	2.95 +/- 0.14	N1

C6	DIST		G51
N3	4.85	3.55 +/- 1.3	N1
N4	4.4	3.76 +/- 1.74	O6
O2	5.24	3.27 +/- 0.93	N2

A6			T51
N1	2.75	2.93 +/- 0.11	N3
N6	2.54	3.08 +/- 0.29	O4

A6			A51

A7			T50
N1	2.96	3.06 +/- 0.13	N3
N6	2.83	3.28 +/- 0.32	O4

A7	DIST		T50
N1	4.24	2.95 +/- 0.11	N3
N6	3.89	2.99 +/- 0.21	O4

T7			G50

G7			T50

G8			C49
O6	2.72	2.95 +/- 0.28	N4
N1	2.91	2.94 +/- 0.12	N3
N2	3.08	2.84 +/- 0.08	O2

G8	DIST		C49
O6	3.08	2.99 +/- 0.23	N4
N1	3.5	2.95 +/- 0.12	N3
N2	3.87	2.85 +/- 0.11	O2

C8			T49

A8			T49
N1	9.68	9.05 +/- 2.3	N3
N6	6.79	7.64 +/- 1.87	O4

T9			A48
O4	2.83	3.11 +/- 0.52	N6
N3	2.95	2.96 +/- 0.03	N1

T9			A48
O4	2.84	2.99 +/- 0.19	N6
N3	2.96	2.95 +/- 0.11	N1

C9			G48
O2	2.56	2.86 +/- 0.11	N2
N3	2.13	2.95 +/- 0.09	N1
N4	1.73	2.96 +/- 0.16	O6

G9			T48

G10			C47
N2	3.08	2.88 +/- 0.12	O2
N1	2.91	2.94 +/- 0.18	N3
O6	2.73	2.95 +/- 0.09	N4

G10			C47
N2	2.94	2.89 +/- 0.12	O2
N1	2.93	2.95 +/- 0.08	N3
O6	2.81	2.93 +/- 0.14	N4

C10			G47
O2	2.76	2.85 +/- 0.11	N2
N3	2.39	2.94 +/- 0.08	N1
N4	2.04	2.94 +/- 0.15	O6

C10			T47

A11			T46
N6	2.83	3.01 +/- 0.21	O4
N1	2.95	2.96 +/- 0.11	N3

A11			T46
N6	2.85	3.01 +/- 0.22	O4
N1	3.26	2.96 +/- 0.12	N3

C11			G46
O2	3.15	2.85 +/- 0.1	N2
N3	2.87	2.94 +/- 0.08	N1
N4	2.58	2.93 +/- 0.15	O6

C11			A46

A12			T45
N1	2.95	2.96 +/- 0.01	N3
N6	2.83	3.03 +/- 0.11	O4

A12			T45
N1	3.01	2.95 +/- 0.12	N3
N6	2.8	3.01 +/- 0.23	O4

A12			T45
N1	3.89	2.95 +/- 0.14	N3
N6	3.65	3.07 +/- 0.29	O4

C12			G45
O2	3	15.42 +/- 1.84	N2
N3	2.95	13.83 +/- 3.07	N1
N4	2.8	12.47 +/- 4.23	O6

C13			G44
O2	3.08	2.85 +/- 0.13	N2
N3	2.91	2.94 +/- 0.17	N1
N4	2.73	2.94 +/- 0.31	O6

C13			G44
O2	3	2.86 +/- 0.11	N2
N3	2.95	2.99 +/- 0.09	N1
N4	2.8	2.95 +/- 0.16	O6

T13			A44
O4	3.87	3.11 +/- 0.57	N6
N3	4.05	2.99 +/- 0.30	N1

T13			A44
O4	3.96	13.79 +/- 2.75	N6
N3	5.87	15.91 +/- 2.02	N1

A14			T43
N1	2.95	2.96 +/- 0.07	N3
N6	2.83	3.06 +/- 0.36	O4

A14			T43
N1	4.16	2.96 +/- 0.11	N3
N6	3.67	2.99 +/- 0.21	O4

G14			C43
O6	4.37	2.99 +/- 0.37	N4
N1	4.63	2.99 +/- 0.41	N3
N2	4.84	2.92 +/- 0.57	O2

A14			T43
N1	9.7	17.50 +/- 2.64	N3
N6	7.52	14.87 +/- 3.11	O4

A15			T42
N1	2.95	2.96 +/- 0.1	N3
N6	2.83	3.06 +/- 0.34	O4

A15			T42
N1	5.11	3.15 +/- 0.68	N3
N6	4.9	3.21 +/- 0.7	O4

T15			A42
O4	4.58	3.07 +/- 0.29	N6
N3	4.8	3.00 +/- 0.30	N1

A15			T42
N1	10.19	15.89 +/- 2.84	N3
N6	9.74	21.328 +/- 2.94	O4

T16			A41
O4	2.83	3.89 +/- 0.19	N6
N3	2.95	3.03 +/- 0.42	N1

T16			A41
O4	4.47	3.06 +/- 0.25	N6
N3	4.93	2.94 +/- 0.12	N1

G16			C41
O6	4.36	2.92 +/- 0.15	N4
N1	4.63	2.94 +/- 0.09	N3
N2	4.85	2.88 +/- 0.12	O2

T16			A41
O4	10.75	8.22 +/- 1.17	N6
N3	13.41	10.51 +/- 1.17	N1

G17			C40
N2	3.08	2.85 +/- 0.061	O2
N1	2.91	2.94 +/- 0.03	N3
O6	2.73	2.94 +/- 0.17	N4

G17			C40
N2	3.57	2.88 +/- 0.13	O2
N1	3.21	2.95 +/- 0.09	N3
O6	2.82	2.95 +/- 0.17	N4

A17			T40
N1	4.31	2.95 +/- 0.11	N3
N6	4.11	3.04 +/- 0.24	O4

G17			C40
O6	12.34	9.04 +/- 0.99	N4
N1	15.22	9.37 +/- 1.32	N3
N2	18.12	14.19 +/- 1.72	O2

C18			G39
O2	3.08	2.85 +/- 0.13	N2
N3	2.91	2.94 +/- 0.17	N1
N4	2.73	2.94 +/- 0.31	O6

C18			A39

T18			A39
O4	3.9	3.05 +/- 0.25	N6
N3	4.18	2.95 +/- 0.11	N1

T18			A39
O4	12.74	9.37 +/- 1.32	N6
N3	15.61	11.09 +/- 1.2	N1

T19			A38
O4	2.83	3.89 +/- 0.19	N6
N3	2.95	3.03 +/- 0.42	N1

T19			T38

T19			A38
O4	3.14	2.90 +/- 2.91	N6
N3	3.43	2.96 +/- 0.11	N1

G19			C38
O6	11.19	13.55 +/- 2.33	N4
N1	13.68	15.15 +/- 2.08	N3
N2	16.27	17.38 +/- 1.78	O2

A20			T37
N1	2.95	2.96 +/- 0.07	N3
N6	2.83	3.06 +/- 0.36	O4

A20			A37

T20			A37
O4	2.16	2.96 +/- 0.18	N6
N3	2.47	2.98 +/- 0.12	N1

T20			A37
O4	10.82	18.40 +/- 2.46	N6
N3	12.95	19.82 +/- 2.54	N1

G21			C36
N2	3.08	2.85 +/- 0.061	O2
N1	2.91	2.94 +/- 0.03	N3
O6	2.73	2.94 +/- 0.17	N4

G21			A36

T21			A36
O4	1.15	2.98 +/- 0.18	N6
N3	1.52	2.97 +/- 0.11	N1

A21			T36
N1	7.37	20.05 +/- 3.31	N3
N6	6.61	18.57 +/- 3.11	O4

G22			C35
N2	3.08	2.85 +/- 0.061	O2
N1	2.91	2.94 +/- 0.03	N3
O6	2.73	2.94 +/- 0.17	N4

G22			A35

