

# Practica 2 - Visualizacion de datos

Carlos Santiago Martinez Torres

2025-05-24

## Contents

Configuracion inicial	1
Ejercicio 1	1
Ejercicio 2	9
Ejercicio 3	13
Ejercicio 4	23
Ejercicio 5	31
Ejercicio 6	43
Ejercicio 7	50

## Configuracion inicial

```
# Instalacion de librerias con pacman

# Asegurarse de que el paquete 'pacman' está instalado
if (!require("pacman")) install.packages("pacman")

# Poner las librerias necesarias
pacman::p_load(tidyverse, knitr, datasets, RColorBrewer)

# Con tidyverse: ggplot2, dplyr, tidyr, readr, purrr, tibble, stringr, forcats
```

## Ejercicio 1

- Carga el fichero `weatherAUS.RData` utilizando lo aprendido en la práctica 1.

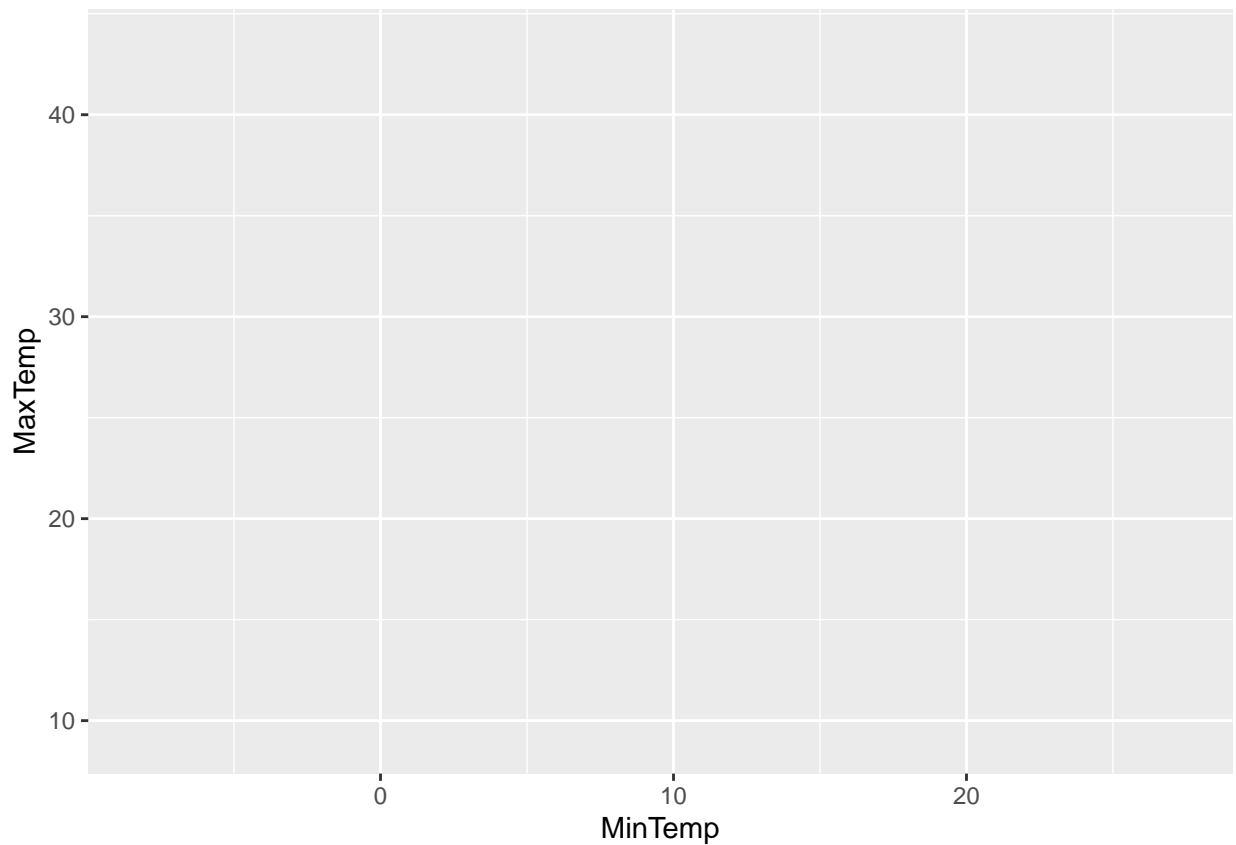
```
# Directorio que contiene los ficheros
carpeta <- 'data/'

f1 <- 'weatherAUS.RData'
f1 <- paste0(carpeta, f1)

load(file = f1)
```

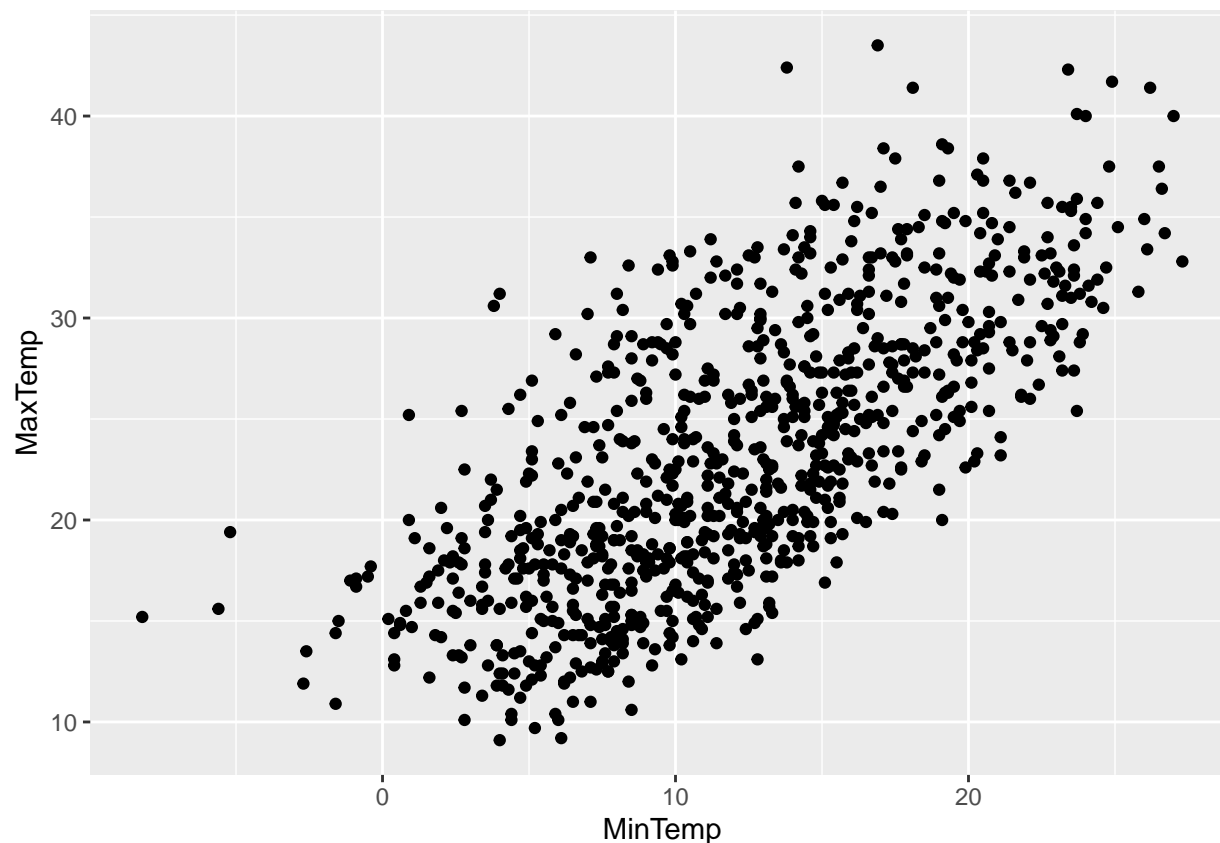
- Crea un objeto ggplot denominado **grafico1** en el que esté definido el conjunto de datos **ds** alojado en el fichero **weatherAUS.RData** y un *aesthetics* en el que en el eje *x* esté definida la variable **MinTemp** y en el eje *y* esté definida la variable **MaxTemp**.

```
grafico1 <- ggplot(data = ds, mapping = aes(x = MinTemp, y = MaxTemp))
grafico1
```



- Añade una capa que defina el objeto geométrico necesario para construir un gráfico de dispersión de las variables **MinTemp** y **MaxTemp**.

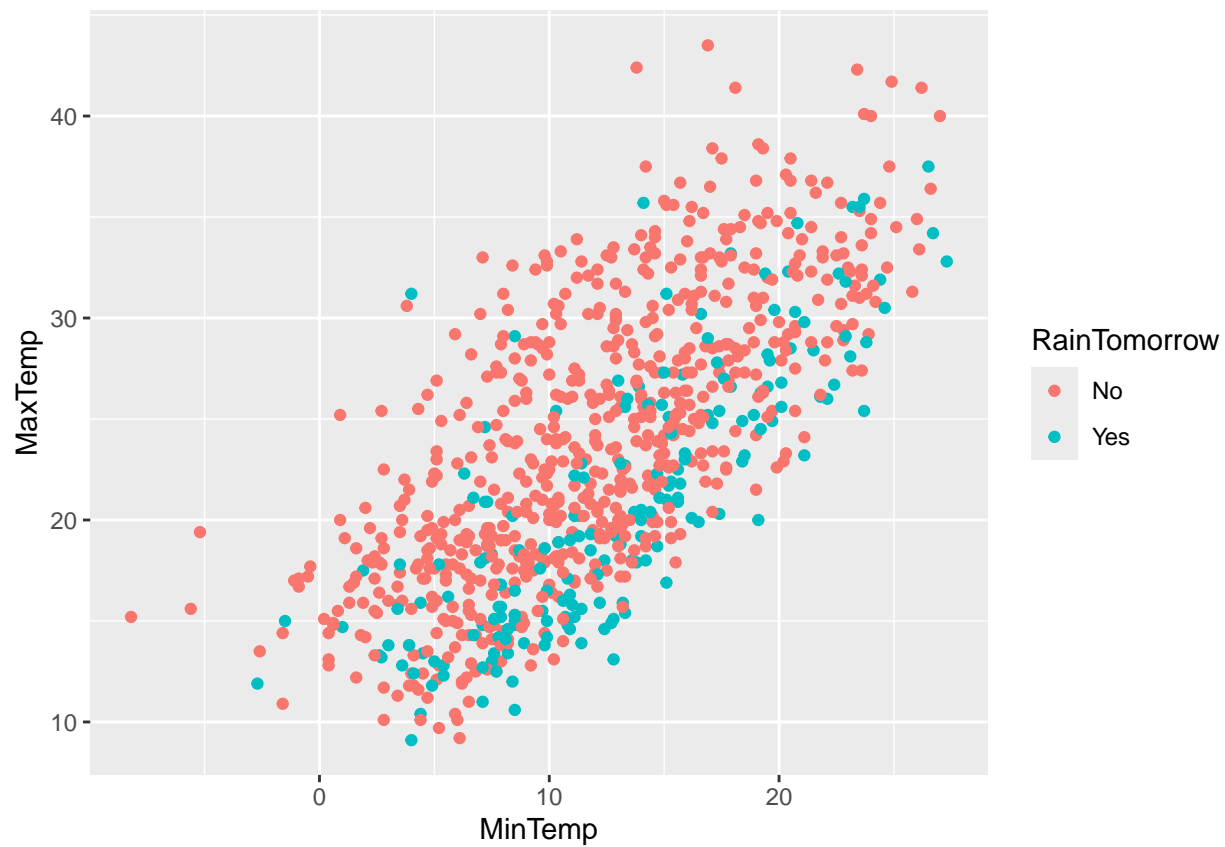
```
grafico1 <- grafico1 + geom_point()
grafico1
```



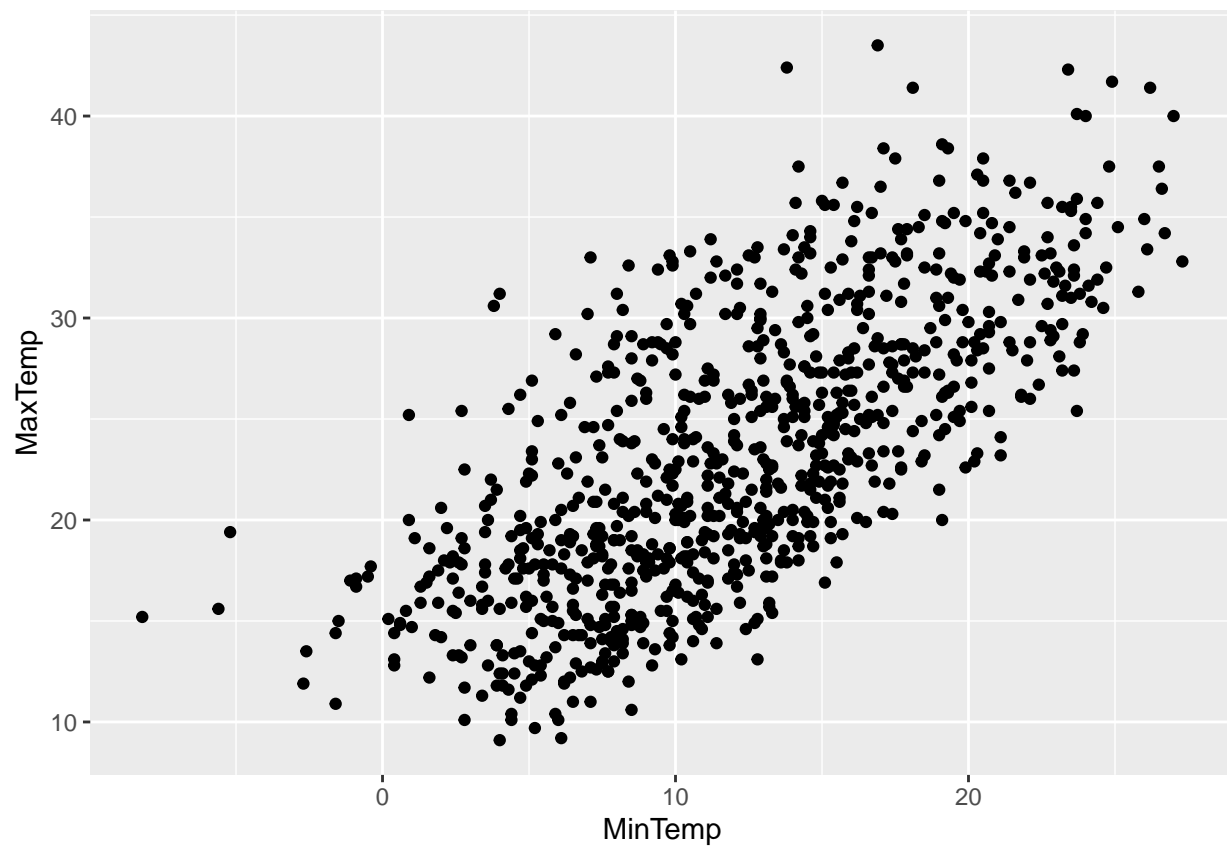
- Genera ahora el mismo gráfico y almacénalo en `grafico2` pero define el *aesthetics* para visualizar las variables `MinTemp` y `MaxTemp` en los ejes de la gráfica y la variable categórica `RainTomorrow` como el color. A partir del objeto `grafico2`, representa un gráfico de dispersión en el que se muestren los puntos con el color del punto correspondiente a la variable `RainTomorrow`.

```
# Las líneas comentadas generan el mismo grafico
```

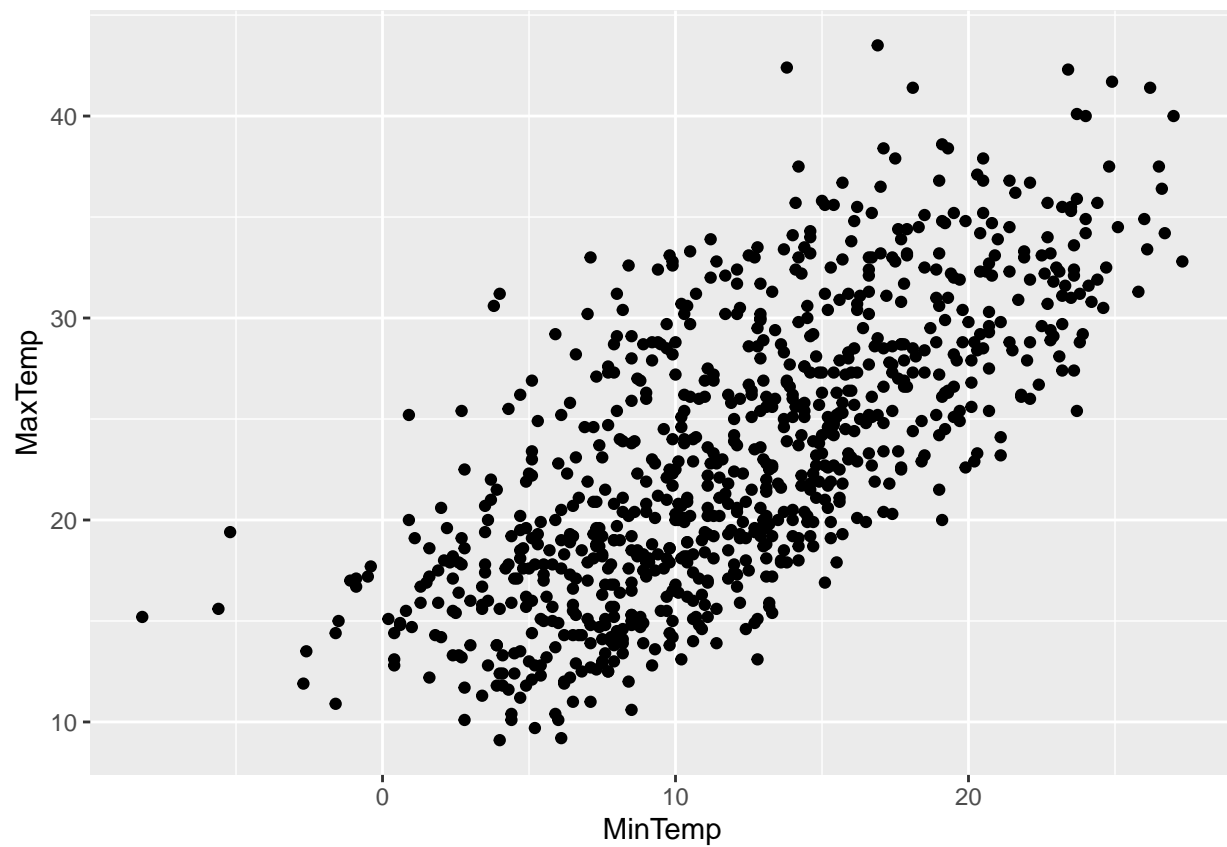
```
# ggplot(data = ds, mapping = aes(x = MinTemp, y = MaxTemp)) + geom_point(mapping = aes(color = RainTom  
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = MinTemp, y = MaxTemp, color = RainTomorrow)) + geom_point()
```



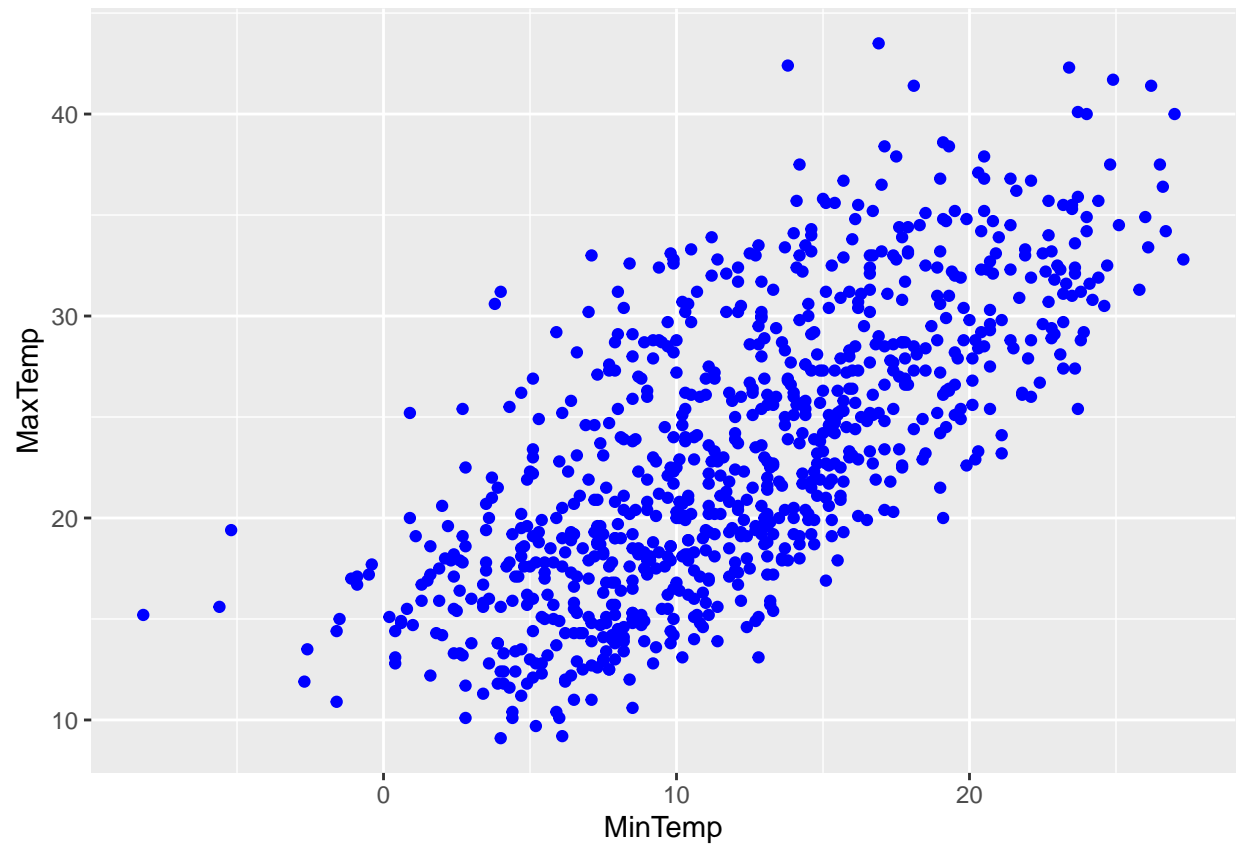
*# Este elemento es diferente, porque color (aesthetic) no está asignado a una variable*  
`ggplot(data = ds, mapping = aes(x = MinTemp, y = MaxTemp), color = RainTomorrow) + geom_point()`



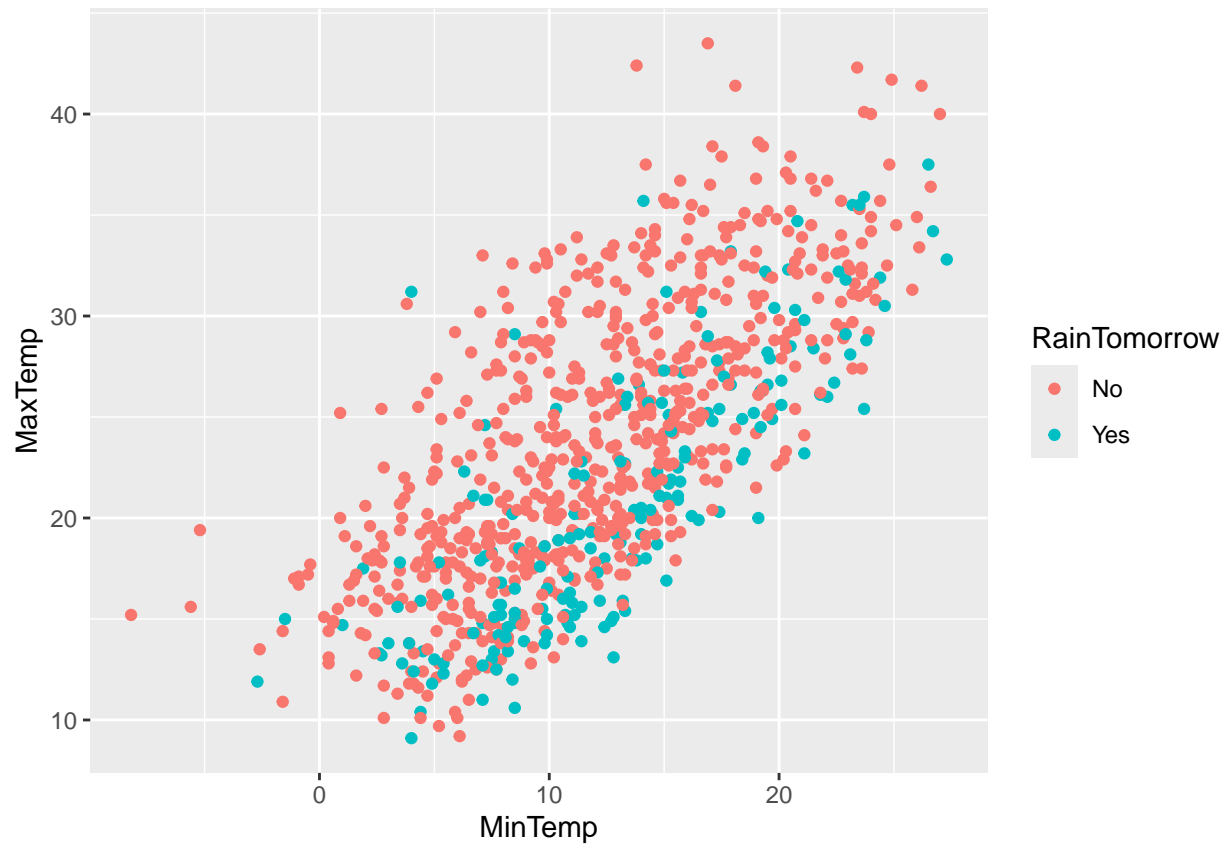
```
# No tiene a quien asignar el color azul  
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = MinTemp, y = MaxTemp), color = 'blue') + geom_point()
```



```
# El color queda 'estatico'  
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = MinTemp, y = MaxTemp), color = RainTomorrow) + geom_point(color = 'black')
```



```
grafico2 <- ggplot(data = ds, mapping = aes(x = MinTemp, y = MaxTemp, color = RainTomorrow)) + geom_point()
grafico2
```

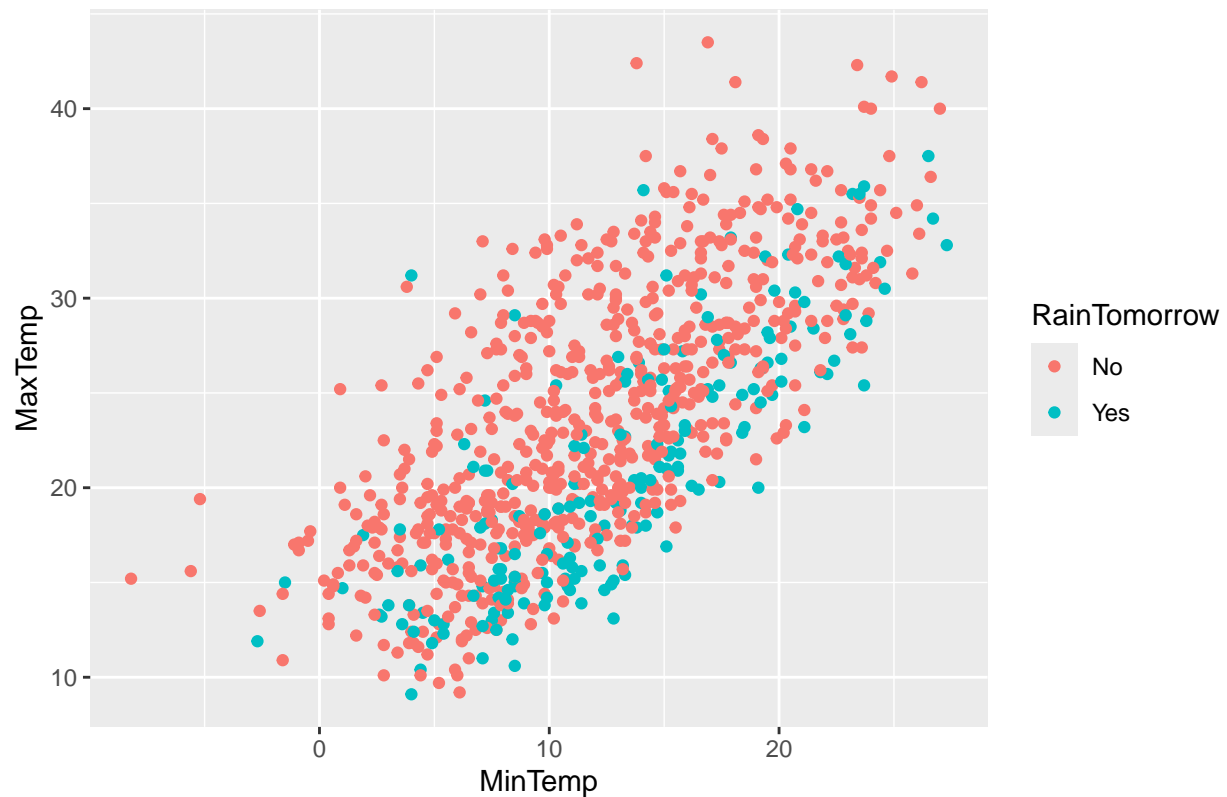


- Añade a `grafico2` una capa para incluir un título con `ggtitle()` y almacénalo en `grafico3`.

```
grafico3 <- grafico2 + ggtitle(label = 'Gráfico de temperatura máxima y mínima')
grafico3
```



## Gráfico de temperatura máxima y mínima



- Almacena en formato **pdf** el gráfico resultante en un fichero denominado Ejercicio1.pdf.

```
# Directorio que contiene las figuras
figuras <- 'figure/'
n_salida <- '1'
f_salida <- paste0(figuras, 'Ejercicio', n_salida, '.pdf')

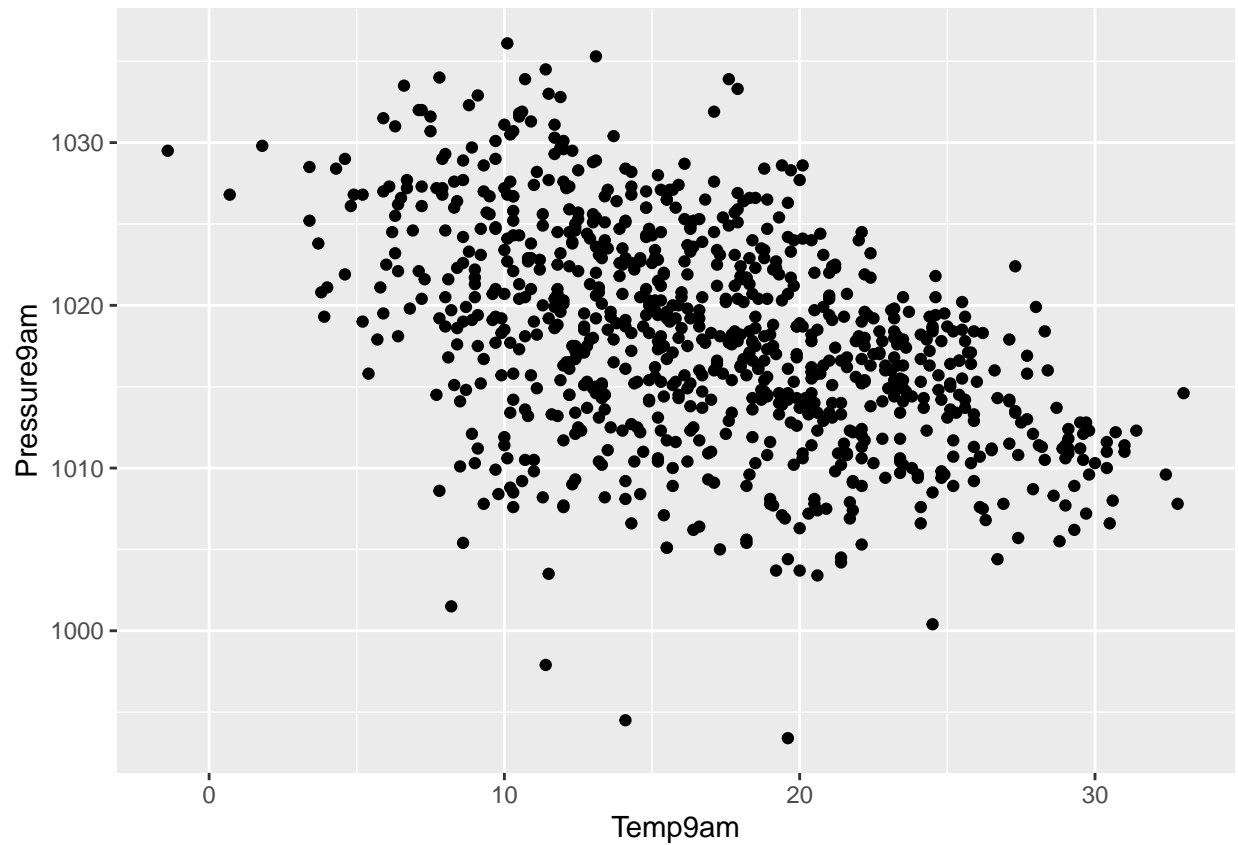
# Grafico resultante
pdf(f_salida)
grafico3
dev.off()
```

```
## pdf
## 2
```

## Ejercicio 2

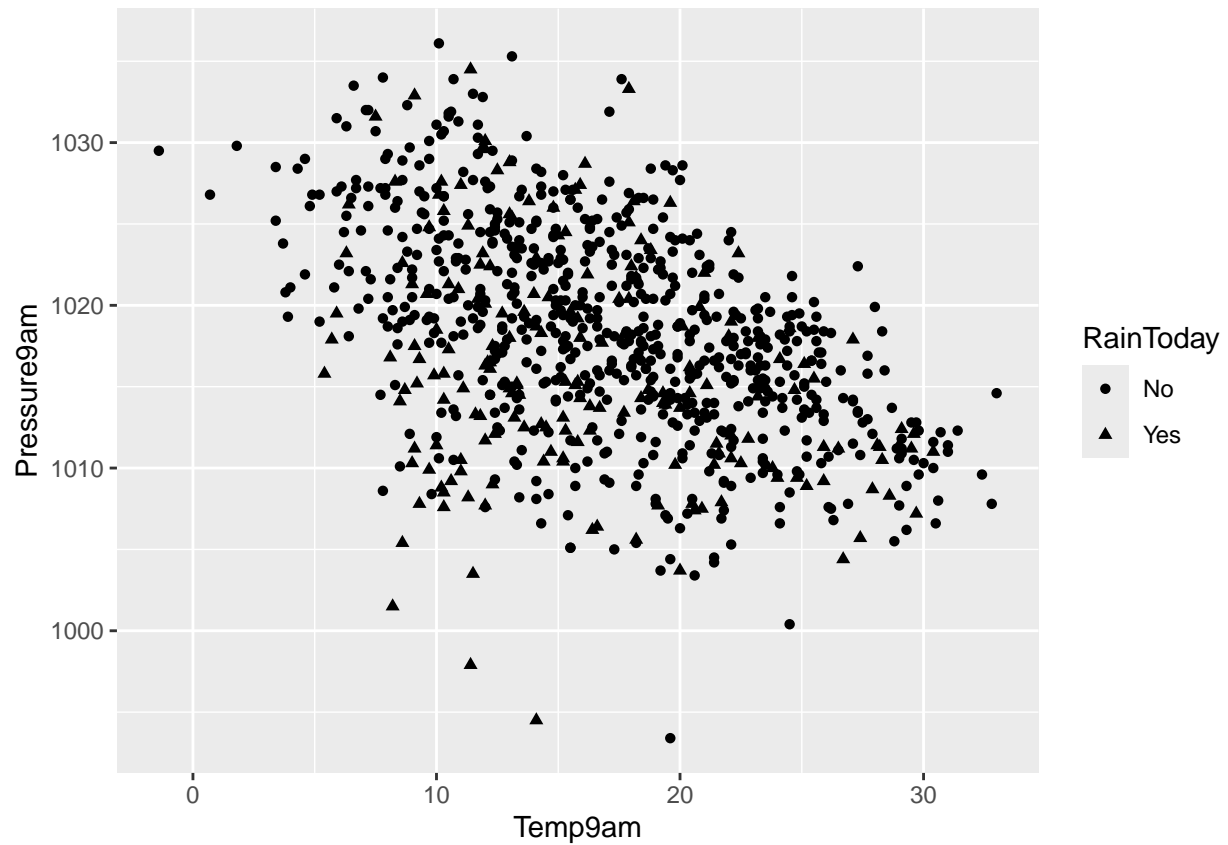
- Utilizando ggplot haz un grafico de dispersión en el que representes las variables Temp9am y Pressure9am en los ejes *x* e *y* respectivamente.

```
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Temp9am, y = Pressure9am)) + geom_point()
```



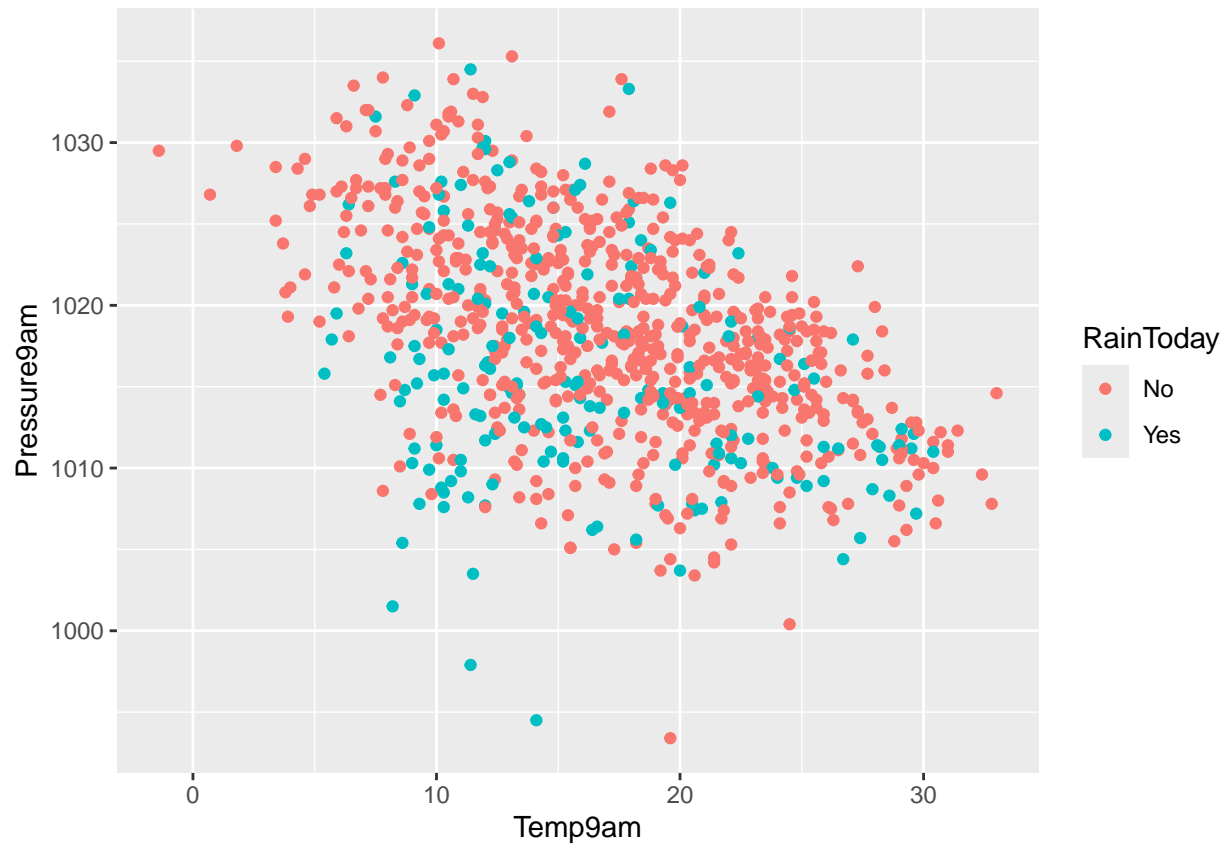
- Modifica el gráfico anterior para incluir información categórica proporcionada por la variable `RainToday` con la forma del punto.

```
# ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Temp9am, y = Pressure9am, shape = RainToday)) + geom_point()  
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Temp9am, y = Pressure9am)) + geom_point(aes(shape = RainToday))
```



- Modifica el gráfico anterior para incluir información categórica proporcionada por la variable **RainToday** con el color del punto. ¿Con qué representación (color o forma) se observa mejor la información que introduce la variable **RainToday**?

```
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Temp9am, y = Pressure9am)) + geom_point(aes(color = RainToday))
```

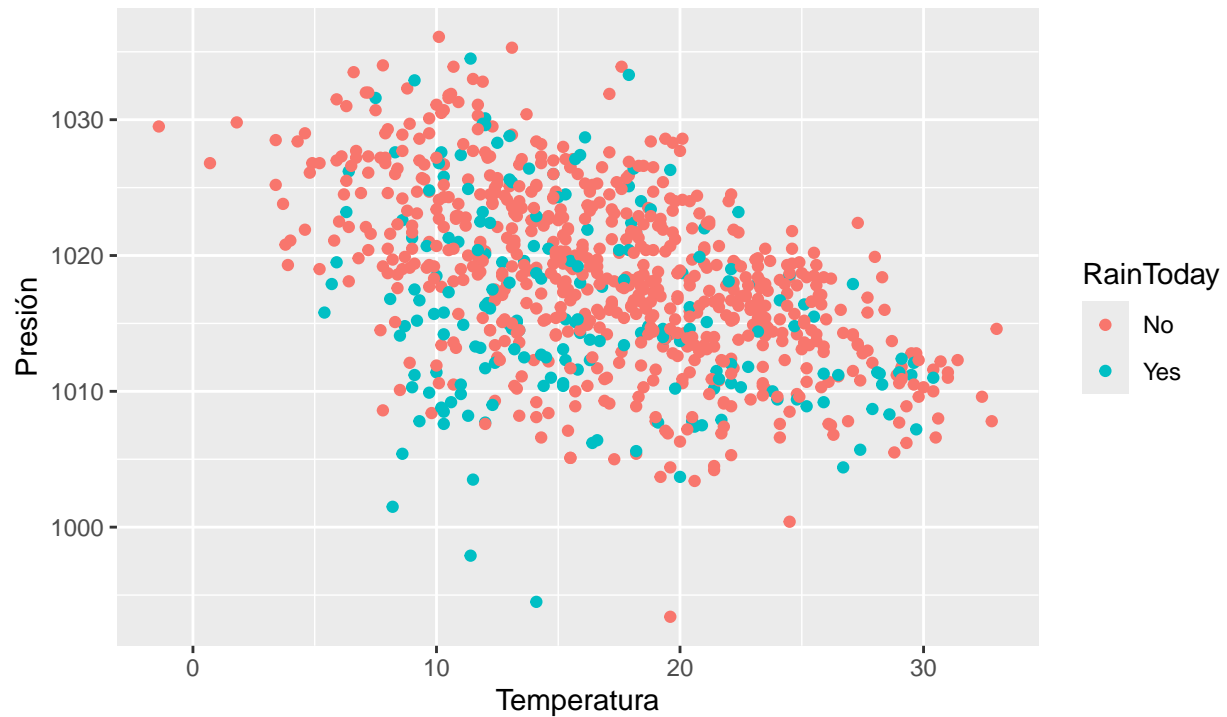


- Añade títulos explicativos al gráfico anterior usando la función (debe aparecer un título, subtítulo, leyendas e información de las variables representadas en los ejes).

```
g2 <- ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Temp9am, y = Pressure9am)) + geom_point(aes(color = RainToday))
  labs(title = 'Gráfico de presión vs temperatura',
        subtitle = 'Medidas tomadas a las 9 am',
        x = 'Temperatura',
        y = 'Presión',
        caption = 'Información tomada del fichero weatherAUS.RData')
g2
```

## Gráfico de presión vs temperatura

Medidas tomadas a las 9 am



Información tomada del fichero weatherAUS.RData

- Almacena en formato **pdf** el gráfico resultante en un fichero denominado Ejercicio2.pdf.

```
n_salida <- '2'
f_salida <- paste0(figuras, 'Ejercicio', n_salida, '.pdf')

# Grafico resultante
pdf(f_salida)
g2
dev.off()
```

```
## pdf
## 2
```

## Ejercicio 3

- Carga el fichero iris.tidy.Rdata utilizando lo aprendido en la práctica 1.

```
f2 <- paste0(carpeta, 'iris_tidy.Rdata')
load(f2)
```

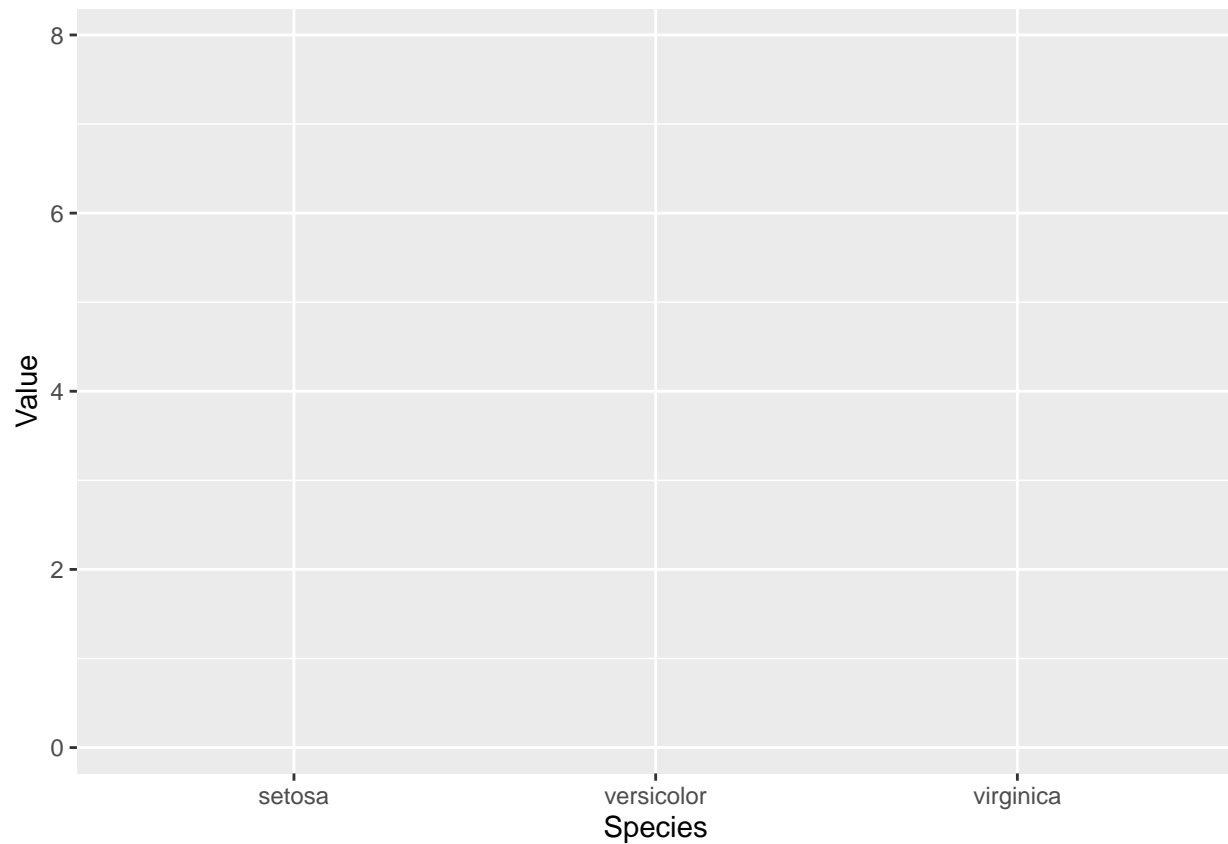
- Utiliza la función **str()** para ver qué variables contiene el dataset.

```
str(iris.tidy)
```

```
## 'data.frame': 600 obs. of 4 variables:
## $ Species: Factor w/ 3 levels "setosa","versicolor",...: 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ Part : Factor w/ 2 levels "Petal","Sepal": 2 2 2 2 2 2 2 2 2 ...
## $ Measure: chr "Length" "Length" "Length" "Length" ...
## $ Value : num 5.1 4.9 4.7 4.6 5 5.4 4.6 5 4.4 4.9 ...
```

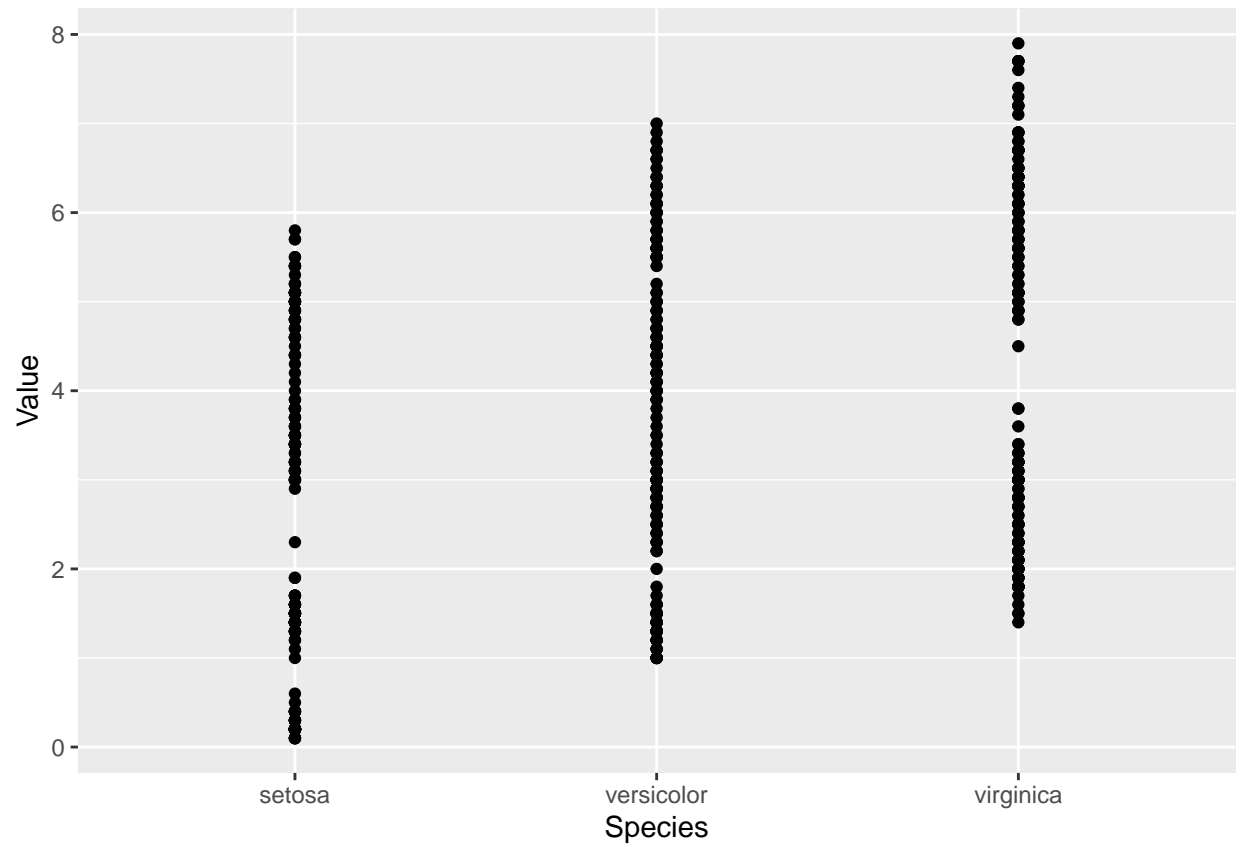
- Crea un objeto ggplot denominado `iris.grafico1` en el que esté definido el conjunto de datos `iris.tidy` alojado en el fichero `iris.tidy.RData` y un *aesthetics* en el que en el eje *x* esté definida la variable `Species` y en el eje *y* esté definida la variable `Value`.

```
iris.grafico1 <- ggplot(data = iris.tidy, mapping = aes(x = Species, y = Value))
iris.grafico1
```

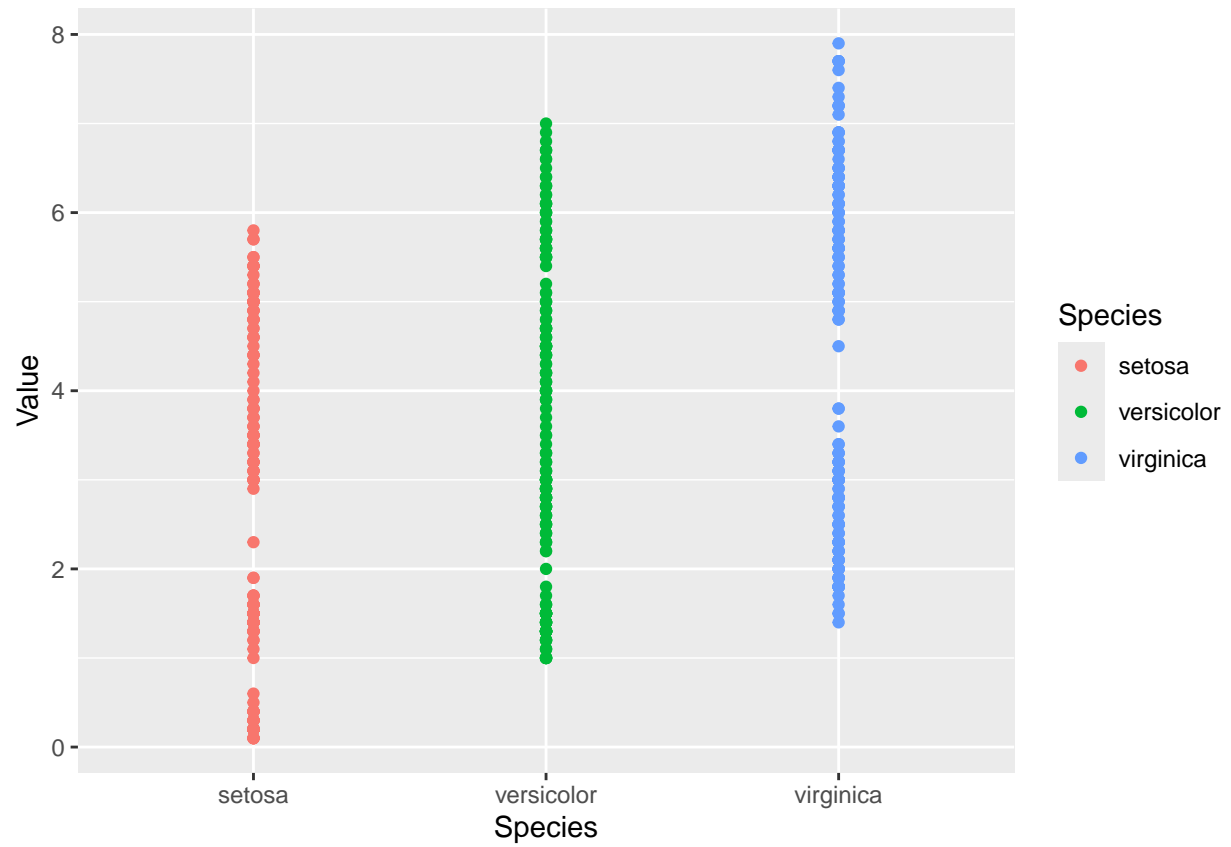


- Añade una capa que defina el objeto geométrico necesario para construir un gráfico de dispersión de las variables `Species` y `Value`.

```
iris.grafico1 + geom_point()
```

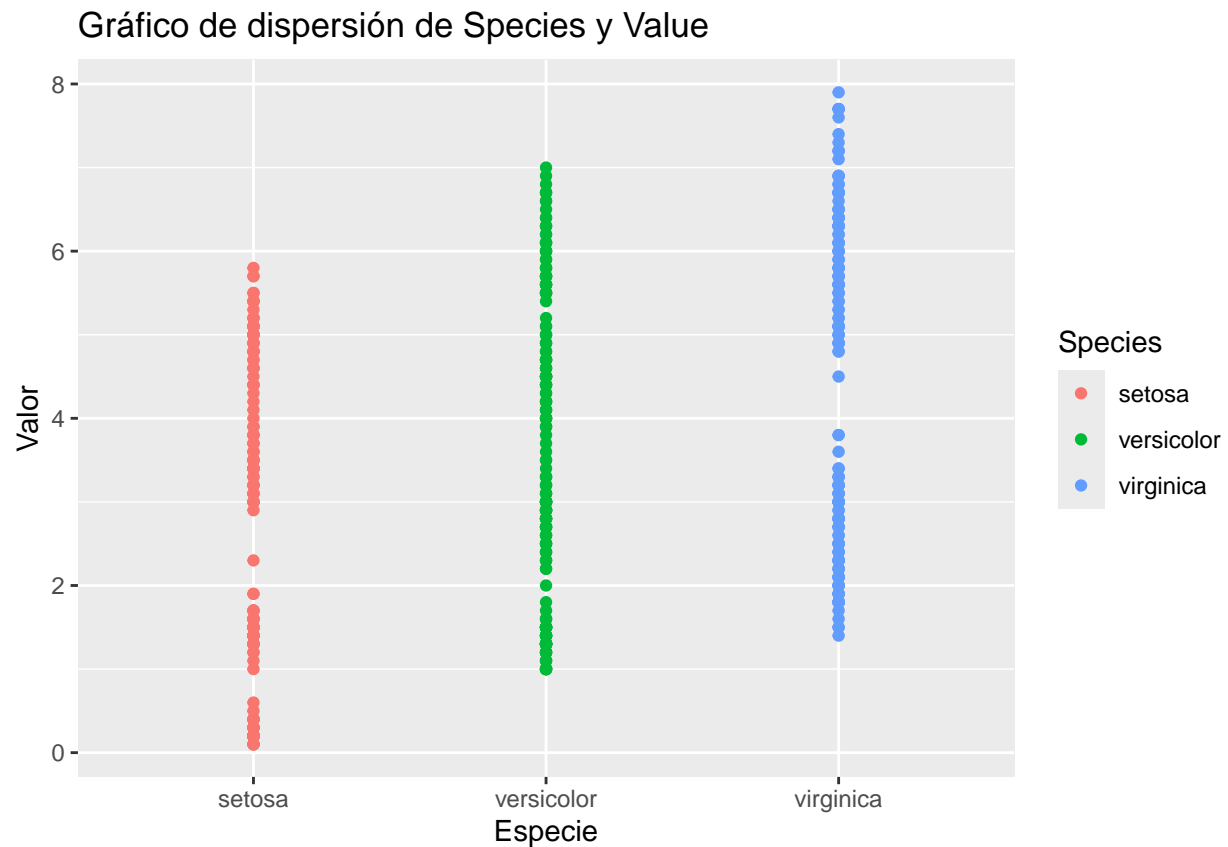


```
iris.grafico1 + geom_point(aes(color = Species))
```



```
iris.grafico1 + geom_point(aes(color = Species)) + labs(title = 'Gráfico de dispersión de Species y Valor',
  x = 'Especie',
  y = 'Valor')
```

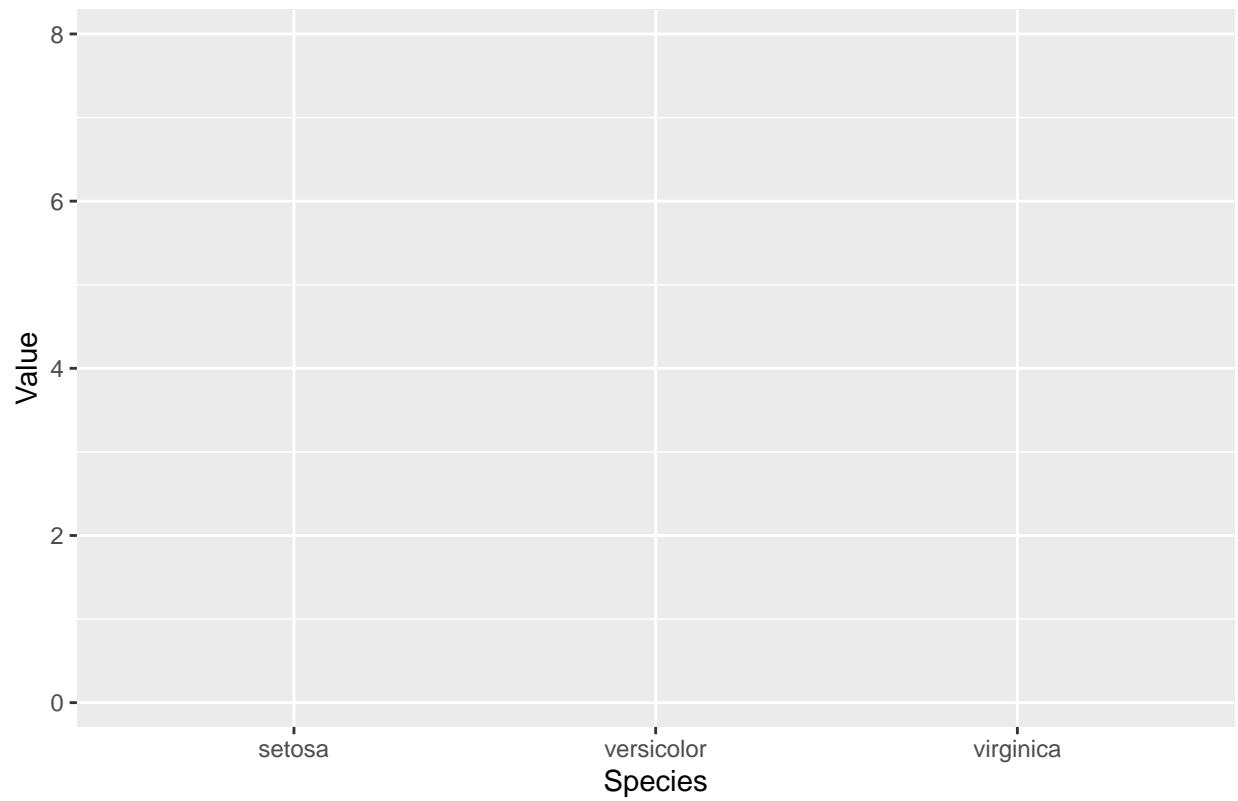




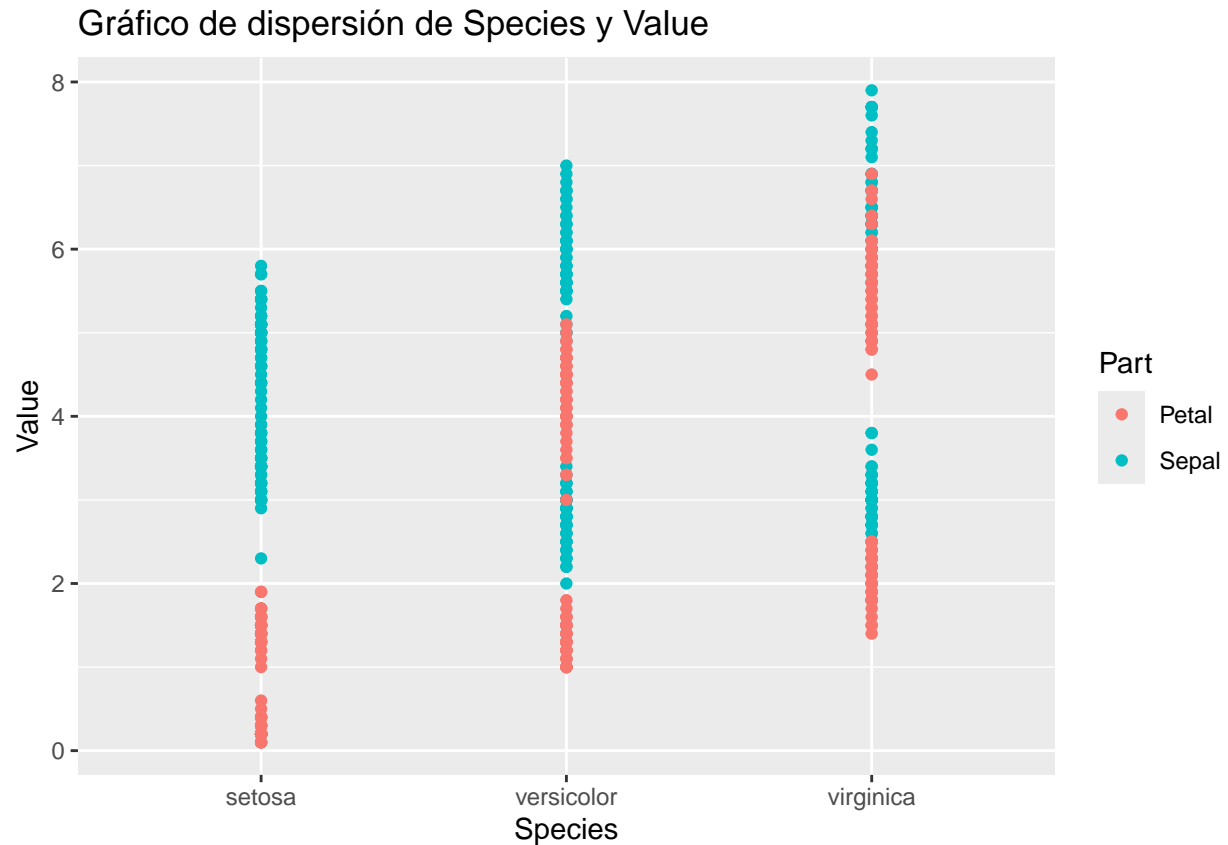
- Modifica el *aesthetics* de `iris.grafico1` para visualizar la variable categórica **Part** y almacénalo en `iris.grafico2`. A partir del objeto `iris.grafico2`, representa un gráfico de dispersión en el que se muestren los puntos dados por las variables **Species** y **Value**, y el color del punto se corresponda con el color de la variable **Part**.

```
iris.grafico2 <- ggplot(data = iris.tidy,
  mapping = aes(x = Species, y = Value, color = Part)) +
  ggtitle('Gráfico de dispersión de Species y Value')
iris.grafico2
```

Gráfico de dispersión de Species y Value



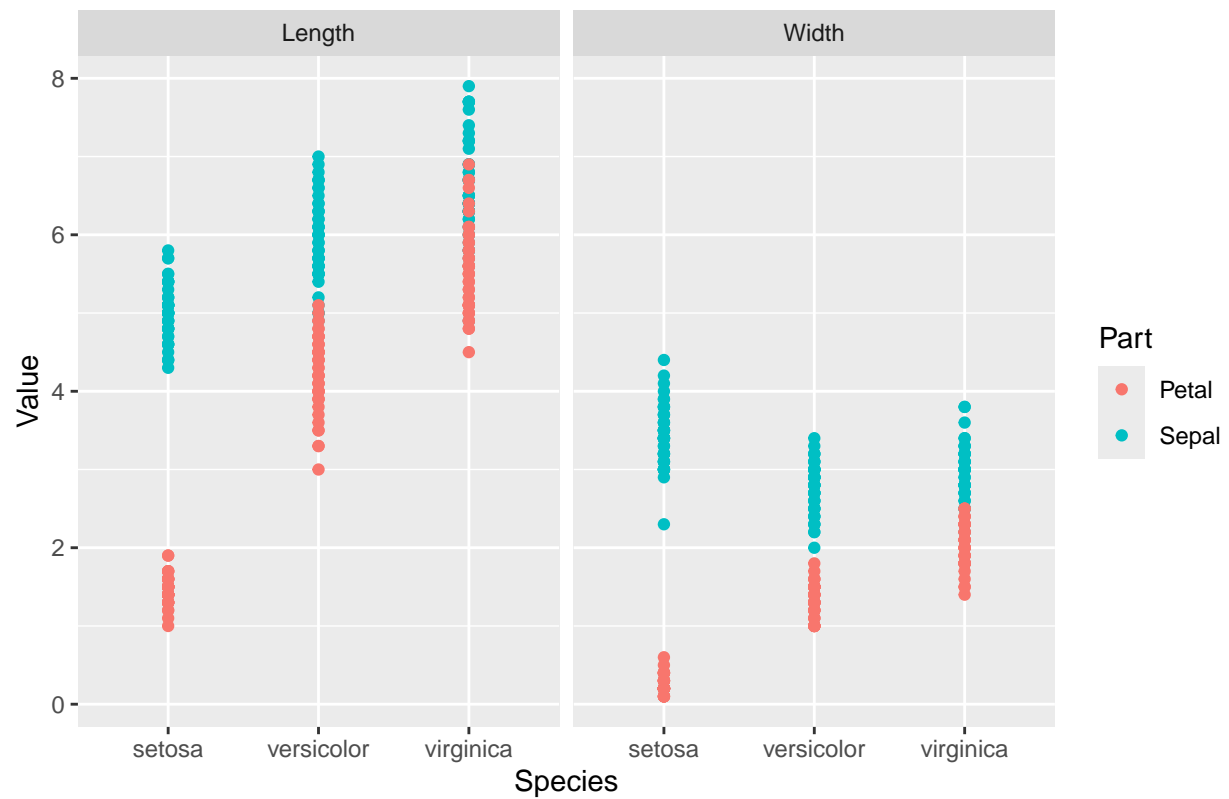
```
iris.grafico2 + geom_point()
```



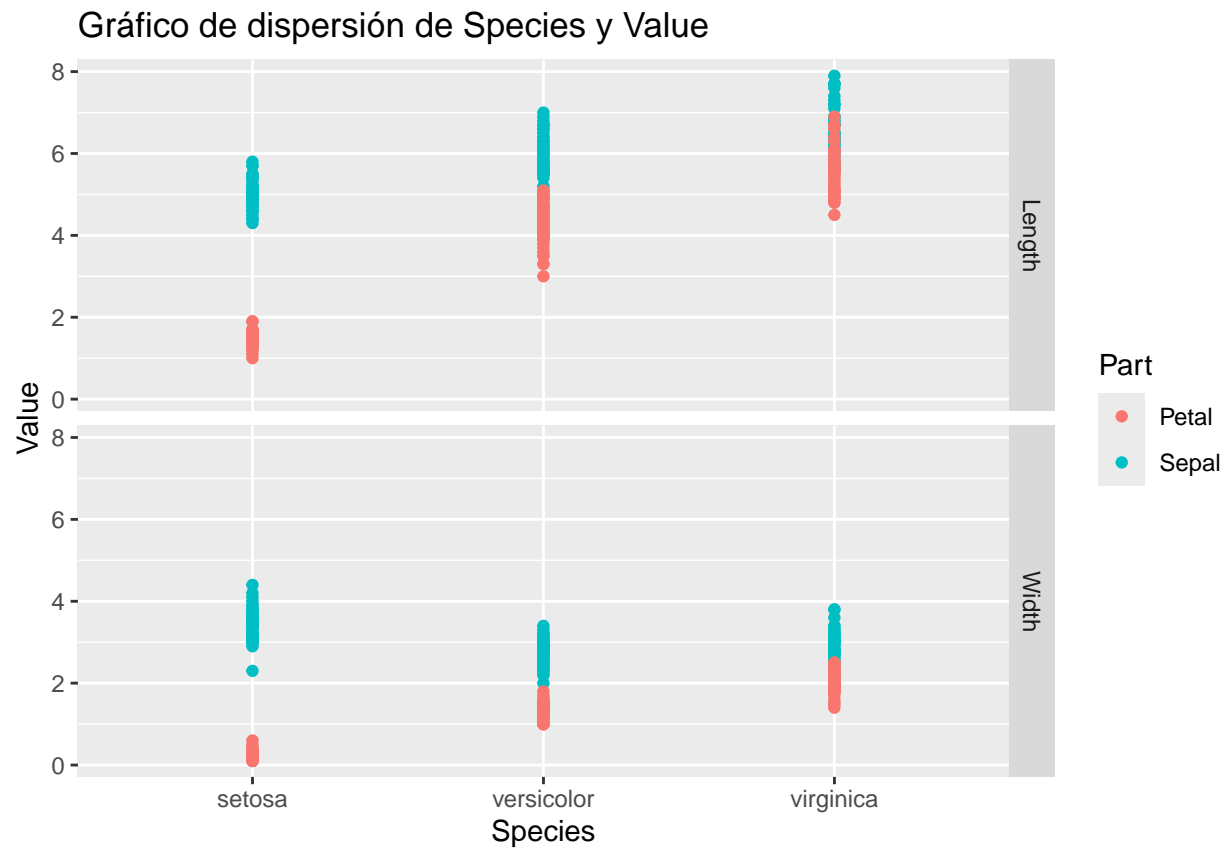
- Incluye información de la variable **Measure** haciendo dos gráficos de dispersión (dispuestos en filas) con **facet\_grid()** como en el apartado de introducción para los dos valores que toma la variable **Measure**. Prueba a cambiar la disposición de los gráficos para que sea en columnas ¿Qué disposición, en filas o en columnas, permite comparar mejor los valores de las dos variables?

```
# iris.grafico2 + facet_grid(~ Measure)
iris.grafico2 + geom_point() + facet_grid(.~Measure) # Forma vertical
```

Gráfico de dispersión de Species y Value



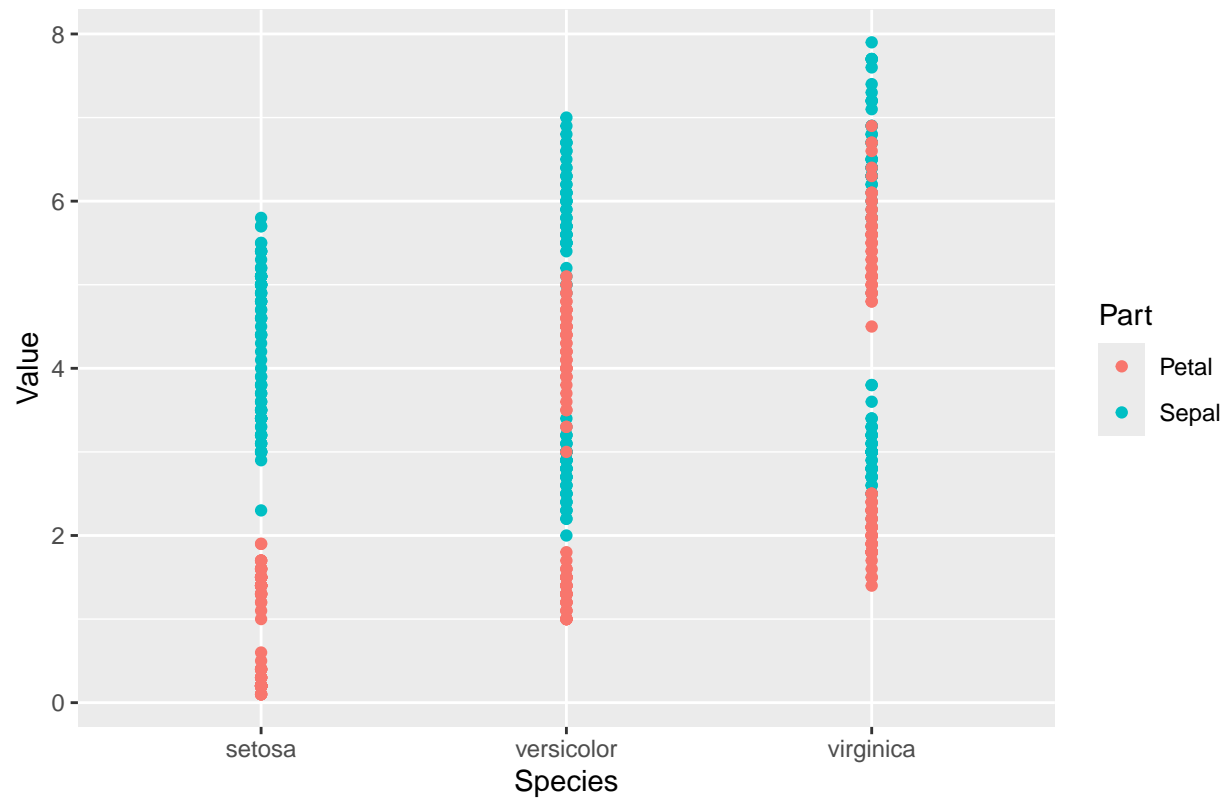
```
iris.grafico2 + geom_point() + facet_grid(Measure~.) # Forma horizontal
```



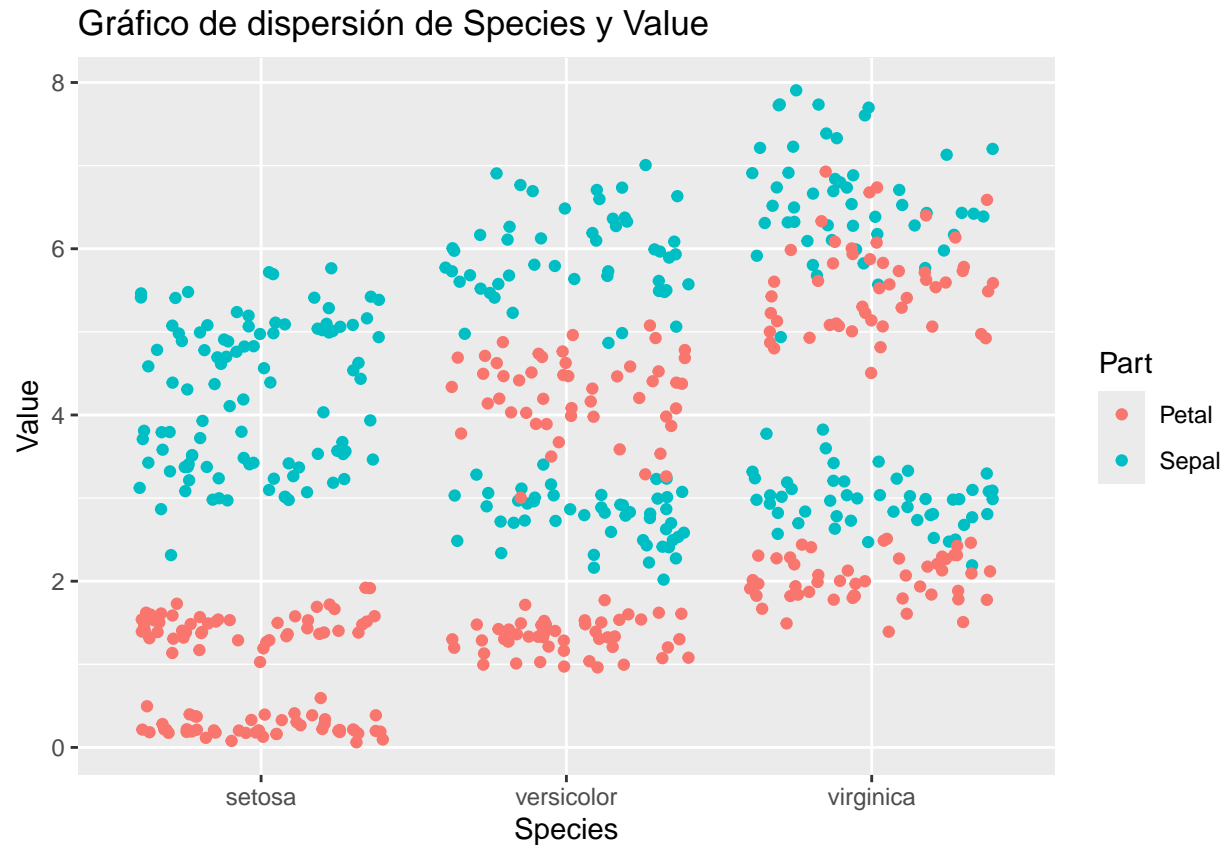
- Cambia ahora la capa **geom\_point()** del gráfico anterior por la capa **geom\_jitter()**. ¿Qué diferencia observas?

```
iris.grafico2 + geom_point()
```

Gráfico de dispersión de Species y Value



```
g3 <- iris.grafico2 + geom_jitter()  
g3
```



- Almacena en formato **pdf** el gráfico resultante en un fichero denominado Ejercicio3.pdf.

```
n_salida <- '3'
f_salida <- paste0(figuras, 'Ejercicio', n_salida, '.pdf')

# Grafico resultante
pdf(f_salida)
g3
dev.off()
```

```
## pdf
## 2
```

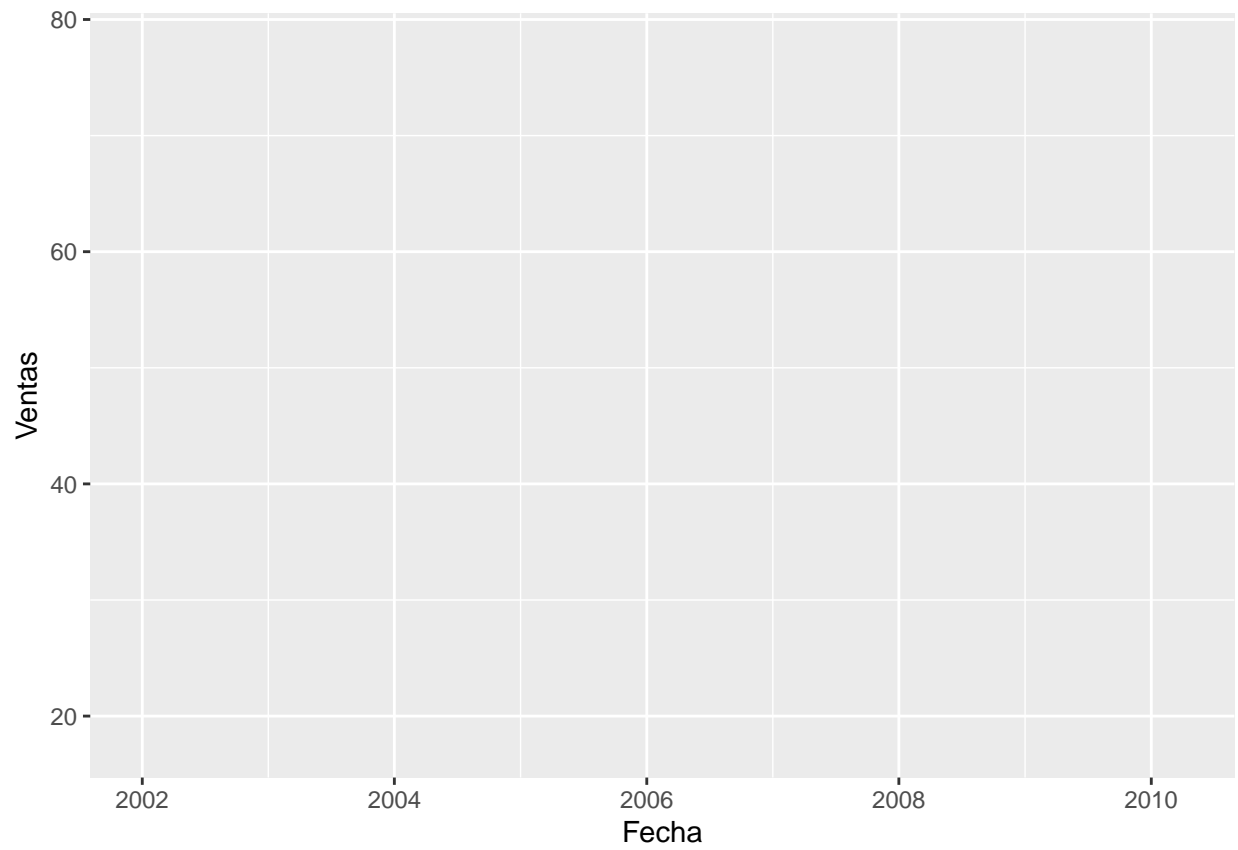
## Ejercicio 4

- Carga el fichero Ejercicio4\_Data.Rdata. Examina las variables que tiene dicho dataset.

```
f3 <- paste0(carpeta, 'Ejercicio4_Data.Rdata')
load (f3)
```

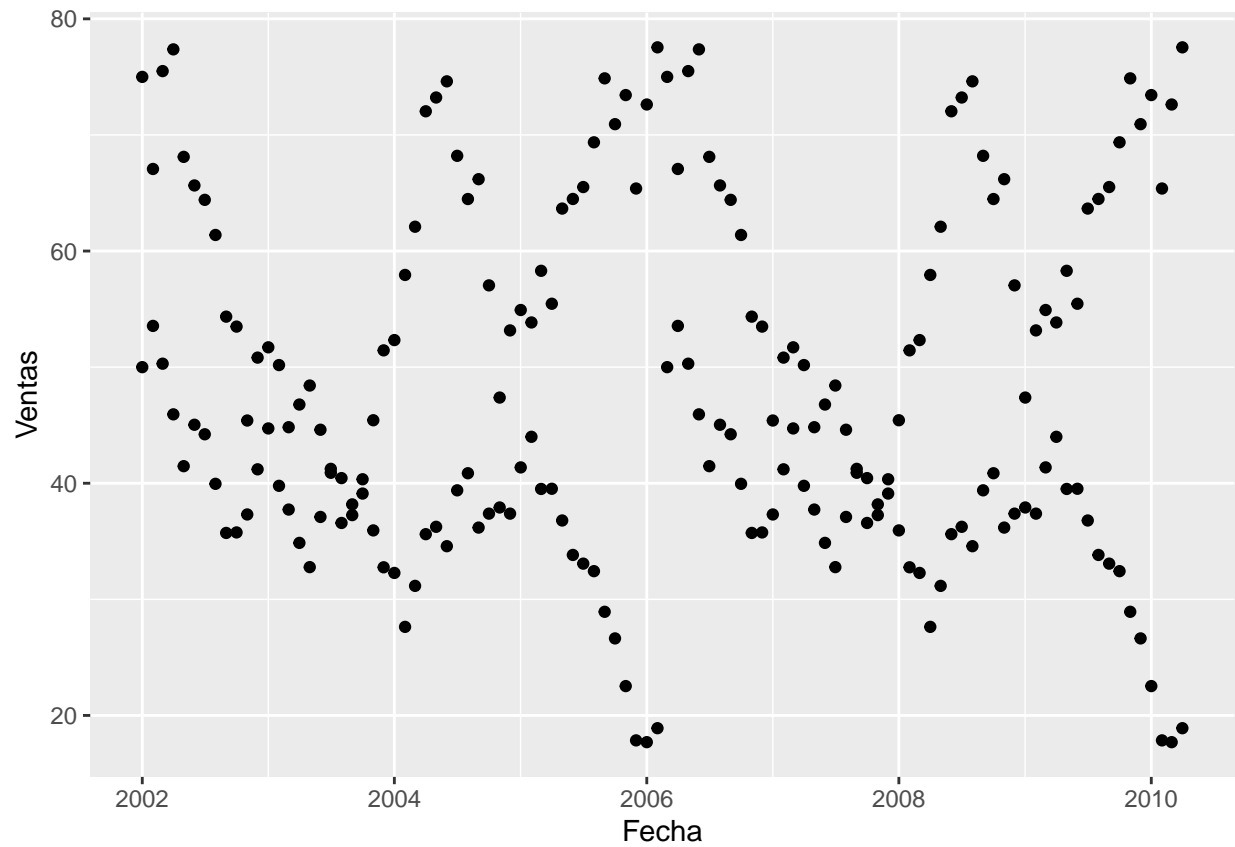
- Representa un gráfico de puntos, en el que se muestre la fecha en el eje  $x$  y las ventas en el eje  $y$ . Queremos que los datos de cada fabricante sean de un color distinto. ¿Es este gráfico valido para evaluar la evolución de las ventas de cada fabricante?

```
g4 <- ggplot(data = DatosEjer4, mapping = aes(x = Fecha, y = Ventas))  
g4
```



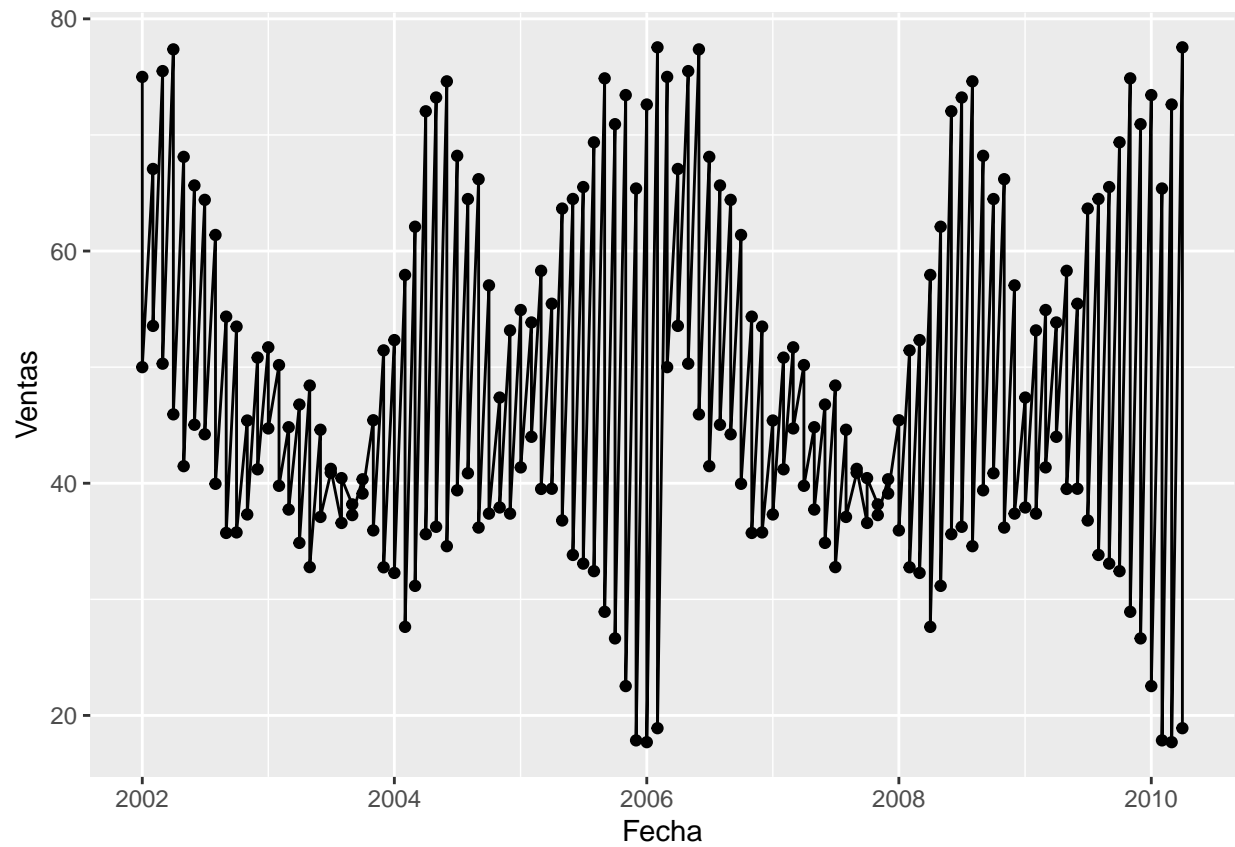
```
g4 + geom_point()
```





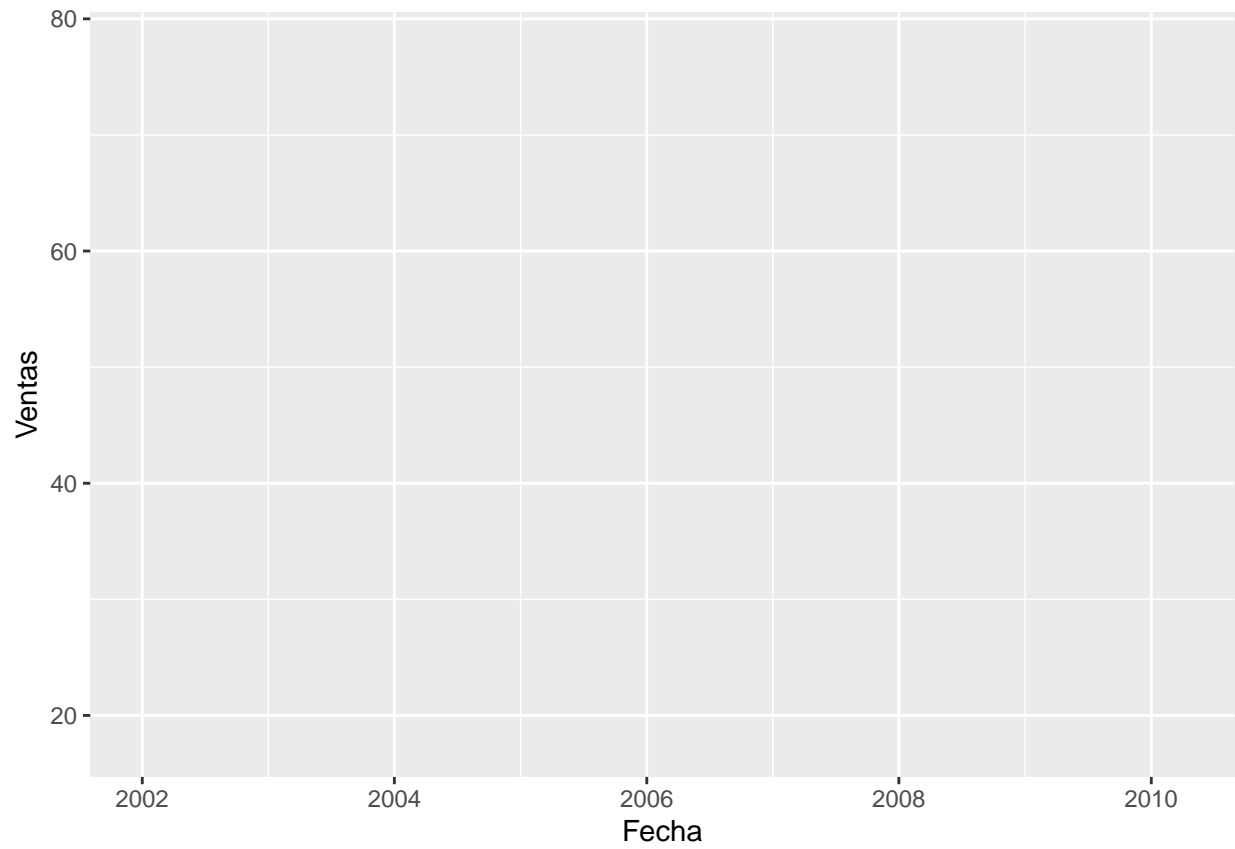
- Representa un gráfico como el anterior en el que se muestre la línea que une los puntos que antes has representado.

```
g4 + geom_point() + geom_line()
```

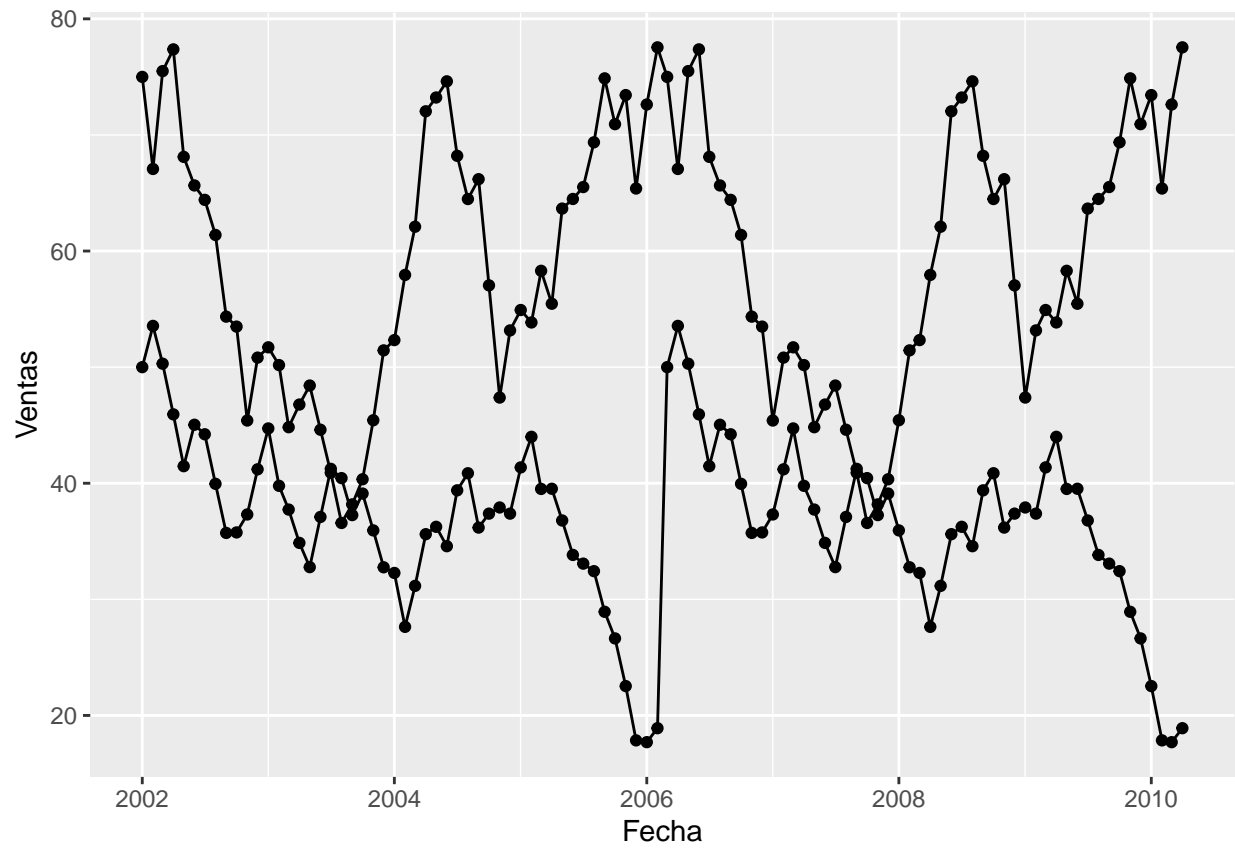


- Modifica el gráfico anterior para que la tendencia de cada fabricante este trazada con un tipo de línea diferente.

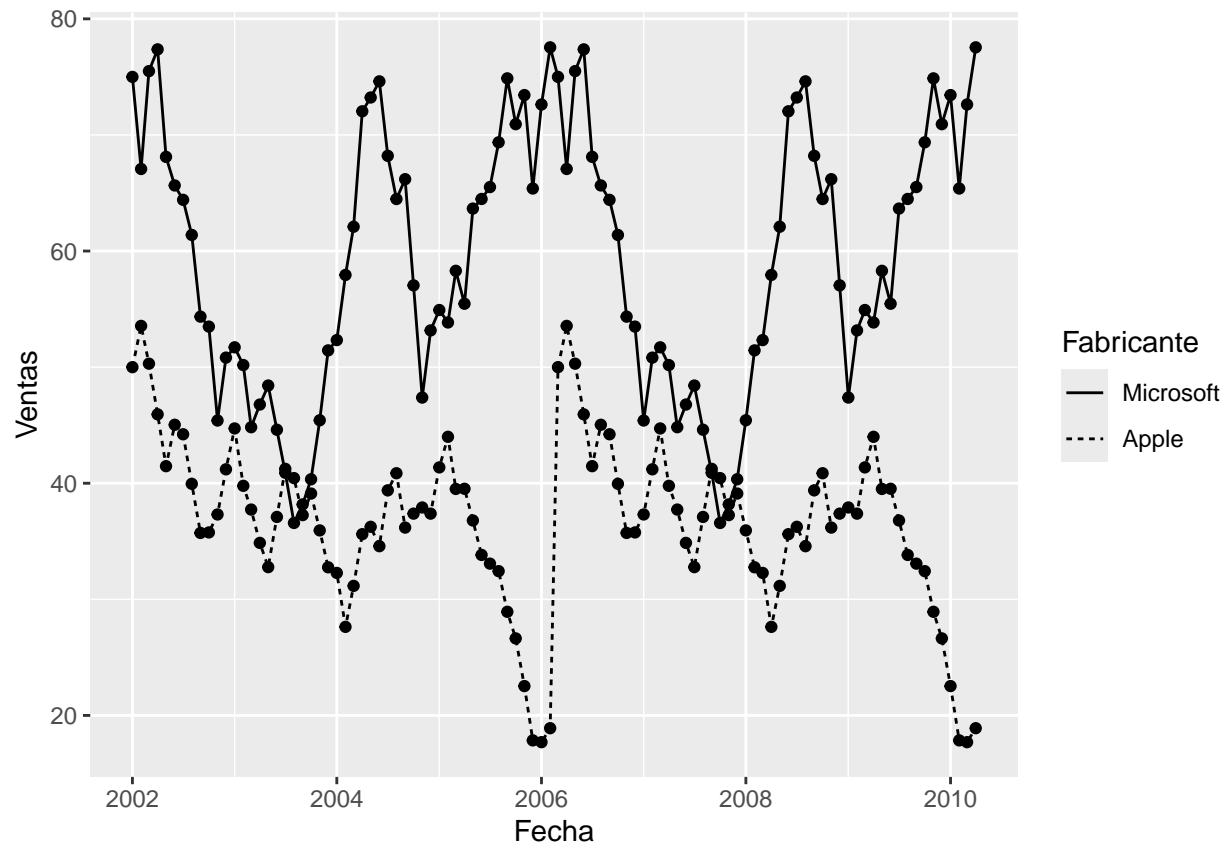
```
g4 <- ggplot(data = DatosEjer4, mapping = aes(x = Fecha, y = Ventas, group = Fabricante))
g4 # Ahora está agrupado por Fabricante
```



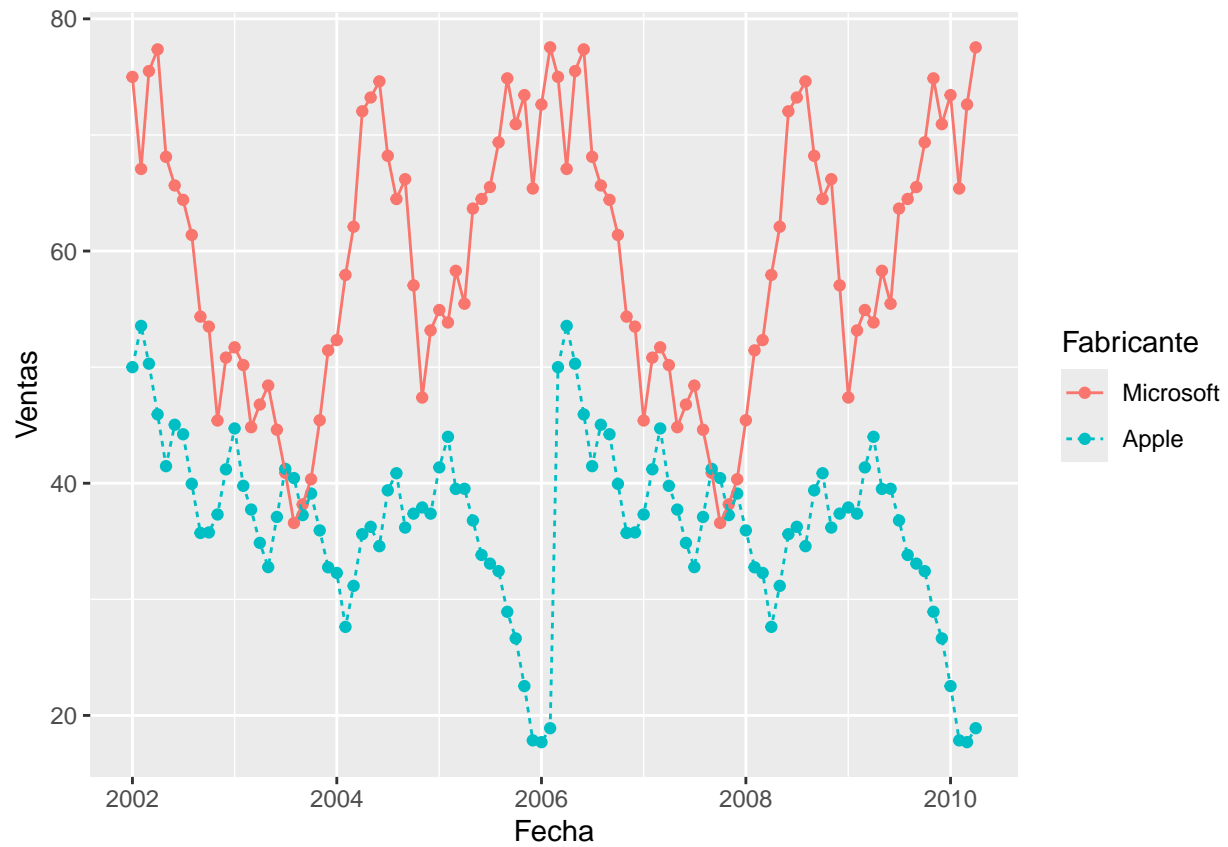
```
g4 + geom_point() + geom_line()
```



```
g4 + geom_point() + geom_line(aes(linetype = Fabricante))
```

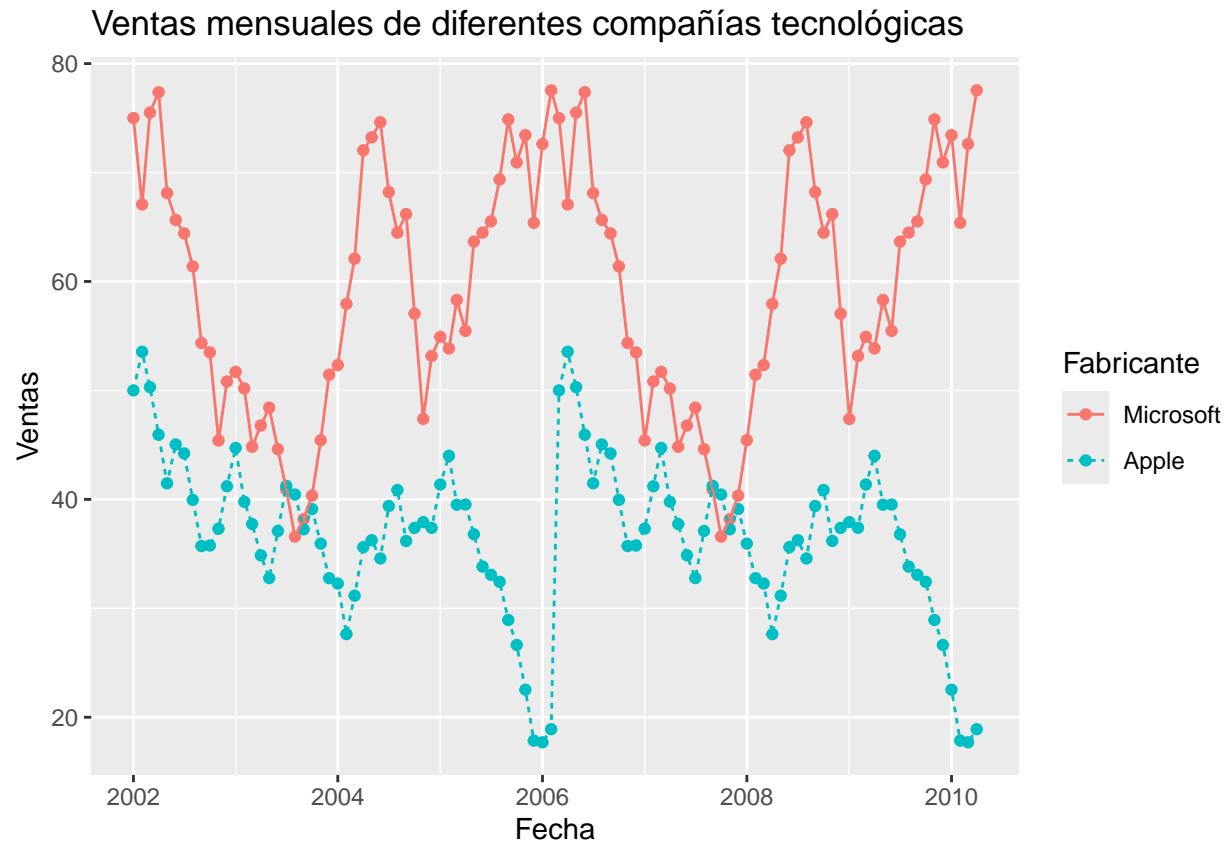


```
g4 + geom_point(aes(color = Fabricante)) + geom_line(aes(linetype = Fabricante, color = Fabricante))
```



- Añade el siguiente título al gráfico “*Ventas mensuales de diferentes compañías tecnológicas*”.

```
g4 <- g4 + geom_point(aes(color = Fabricante)) + geom_line(aes(linetype = Fabricante, color = Fabricante))
ggtitle(label = 'Ventas mensuales de diferentes compañías tecnológicas')
g4
```



- Almacena en formato **pdf** el gráfico resultante en un fichero denominado Ejercicio4.pdf.

```
n_salida <- '4'
f_salida <- paste0(figuras, 'Ejercicio', n_salida, '.pdf')

# Grafico resultante
pdf(f_salida)
g4
dev.off()
```

```
## pdf
## 2
```

## Ejercicio 5

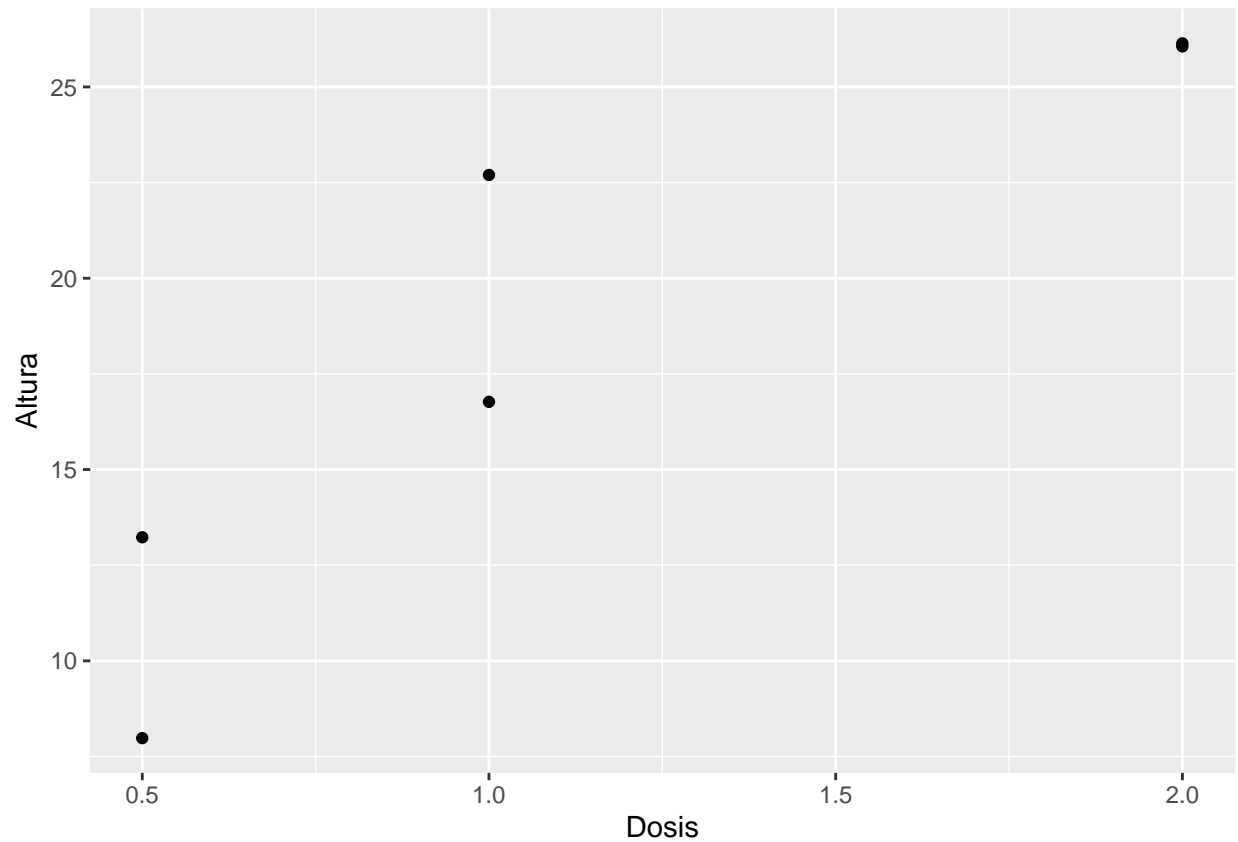
Añadir barras de error a un gráfico de línea.

- Carga el fichero Experimento.Rdata. Examina las variables que tiene dicho dataset.

```
f4 <- paste0(carpeta, 'Experimento.Rdata')
load(f4)
```

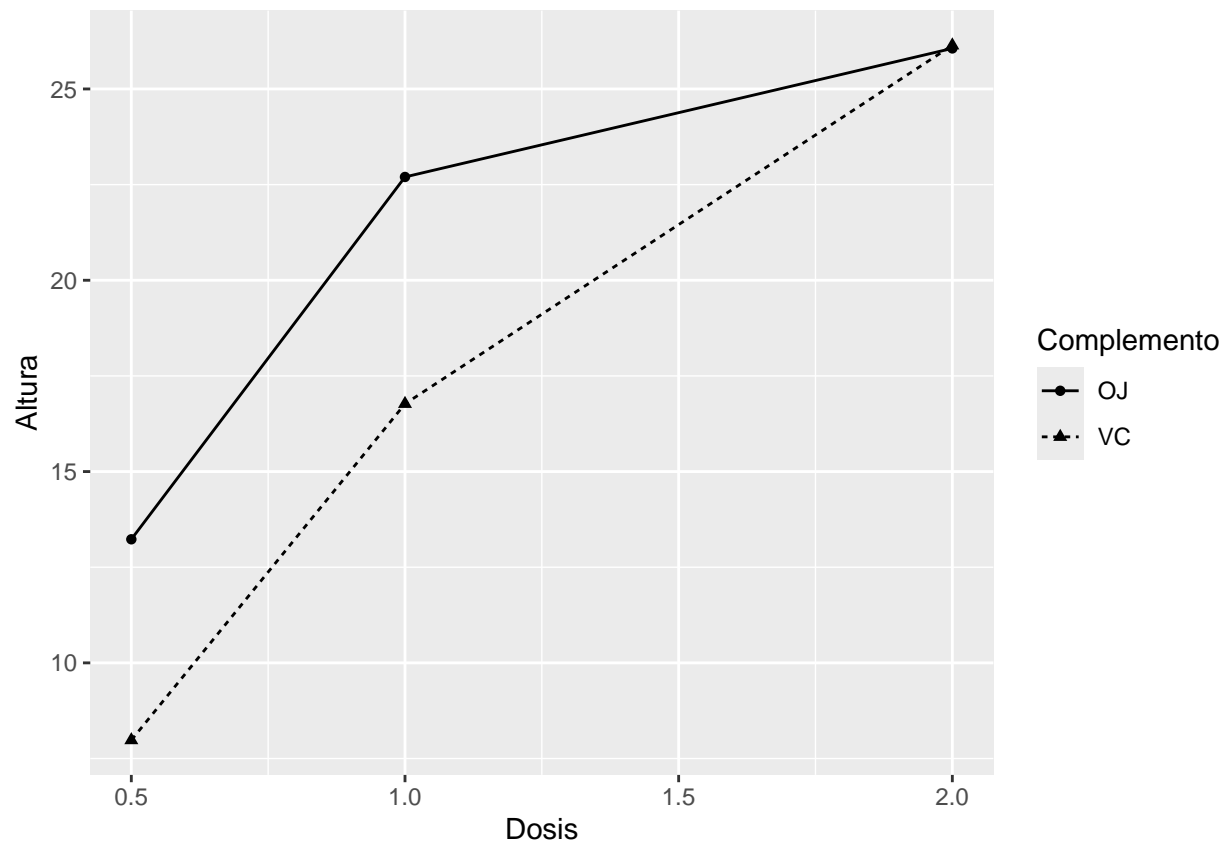
- Representa un gráfico de puntos, en la que se muestre la **Dosis** en el eje  $x$  y la **Altura** en el eje  $y$ . Queremos que los datos de cada **Complemento** se represente en una línea diferente con diferentes trazos. Hazlo incluyendo las opciones de tipo de línea y forma del punto dentro del **aes()** de la capa **ggplot**.

```
ggplot(data = Experimento, mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento)) + geom_point()
```

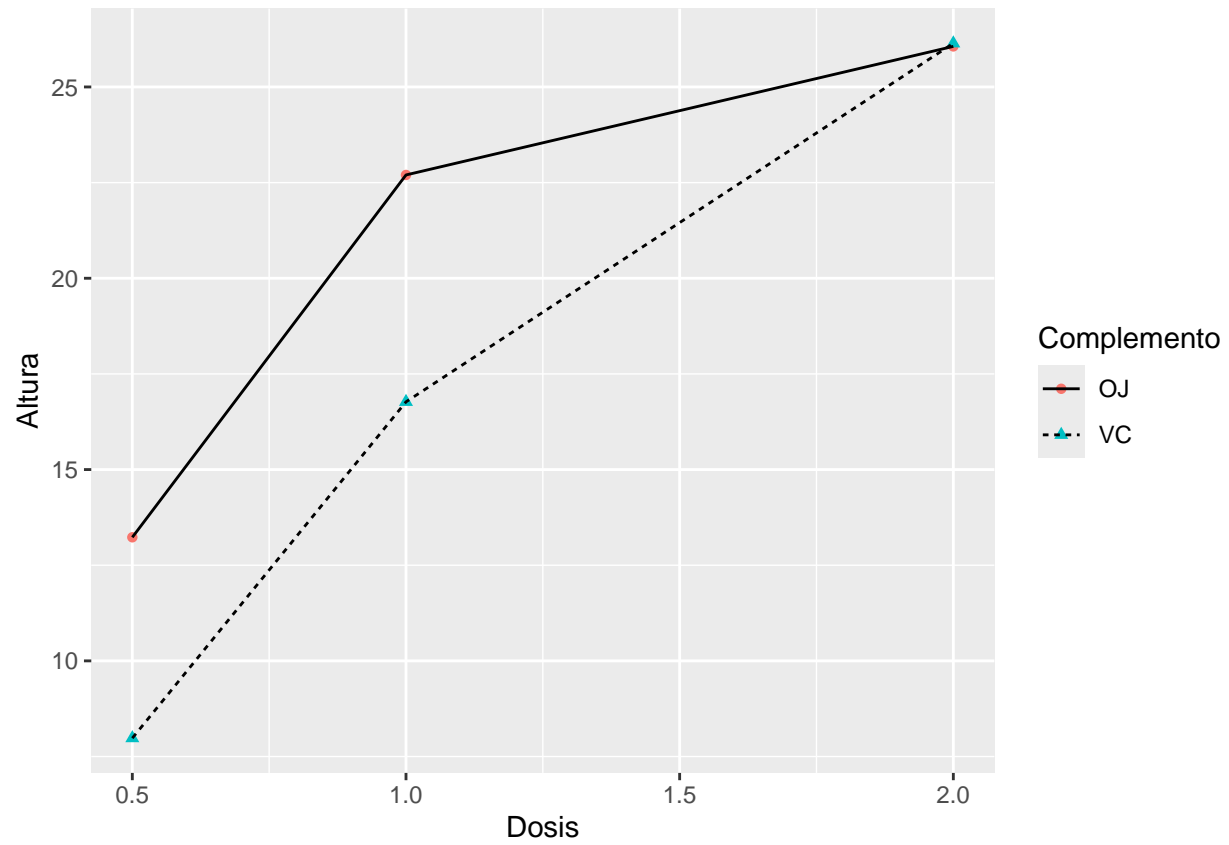


```
ggplot(data = Experimento, mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento)) +  
  geom_point(aes(shape = Complemento)) + geom_line(aes(linetype = Complemento))
```

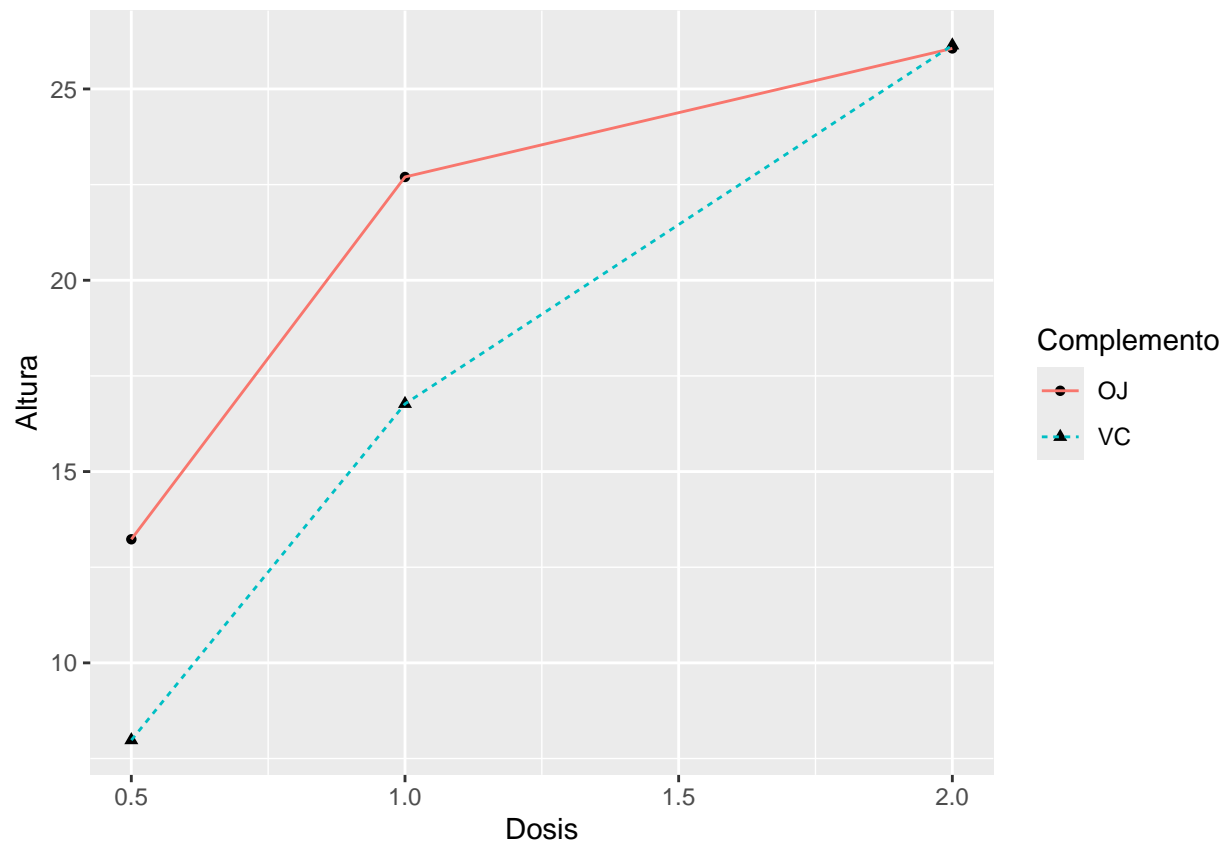




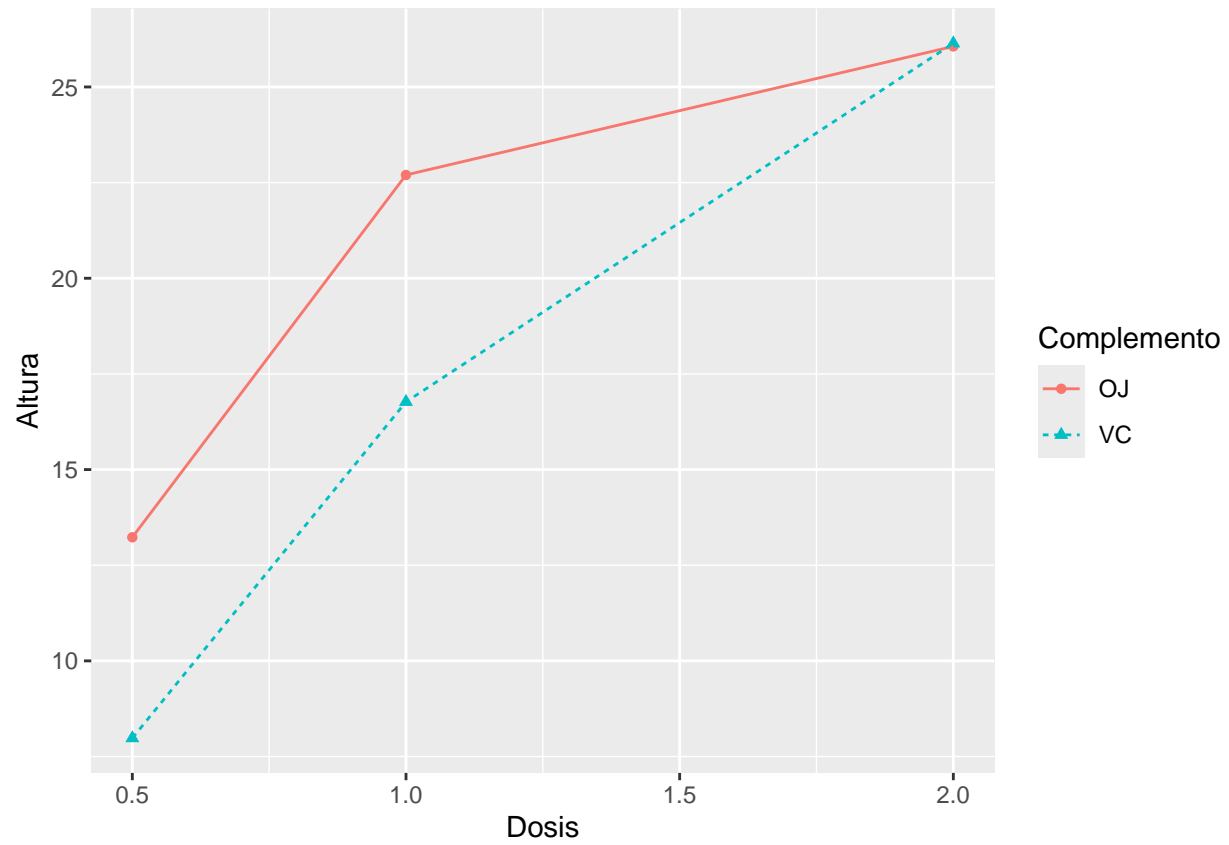
```
# Color se puede pasar a cada geom_function, o bien, en el 'general' de ggplot  
ggplot(data = Experimento, mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento)) +  
  geom_point(aes(shape = Complemento, color = Complemento)) + geom_line(aes(linetype = Complemento))
```



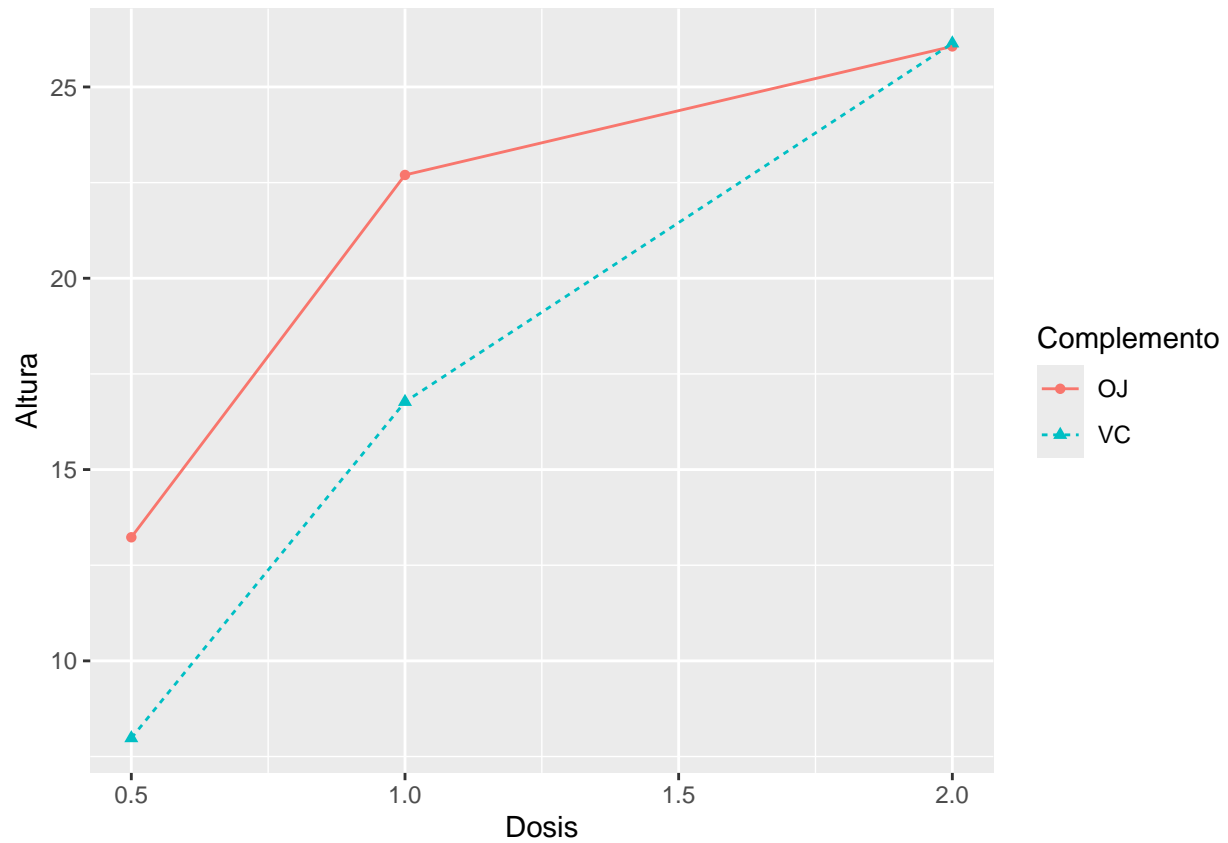
```
ggplot(data = Experimento, mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento)) +  
  geom_point(aes(shape = Complemento)) + geom_line(aes(linetype = Complemento, color = Complemento))
```



```
# Estos son los finales, y representan lo mismo  
ggplot(data = Experimento,  
       mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento, shape = Complemento),  
       geom_point() + geom_line())
```

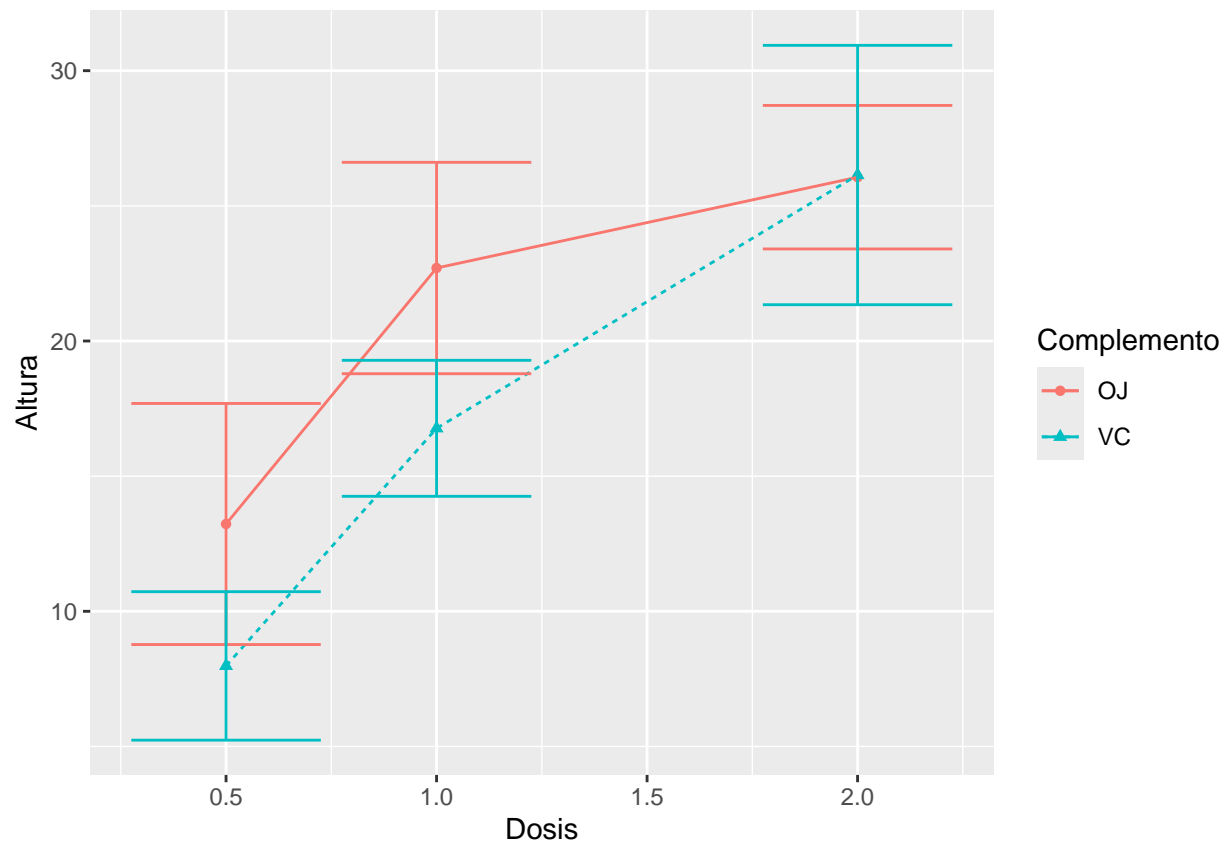


```
ggplot(data = Experimento, mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento)) +  
  geom_point(aes(shape = Complemento)) + geom_line(aes(linetype = Complemento))
```

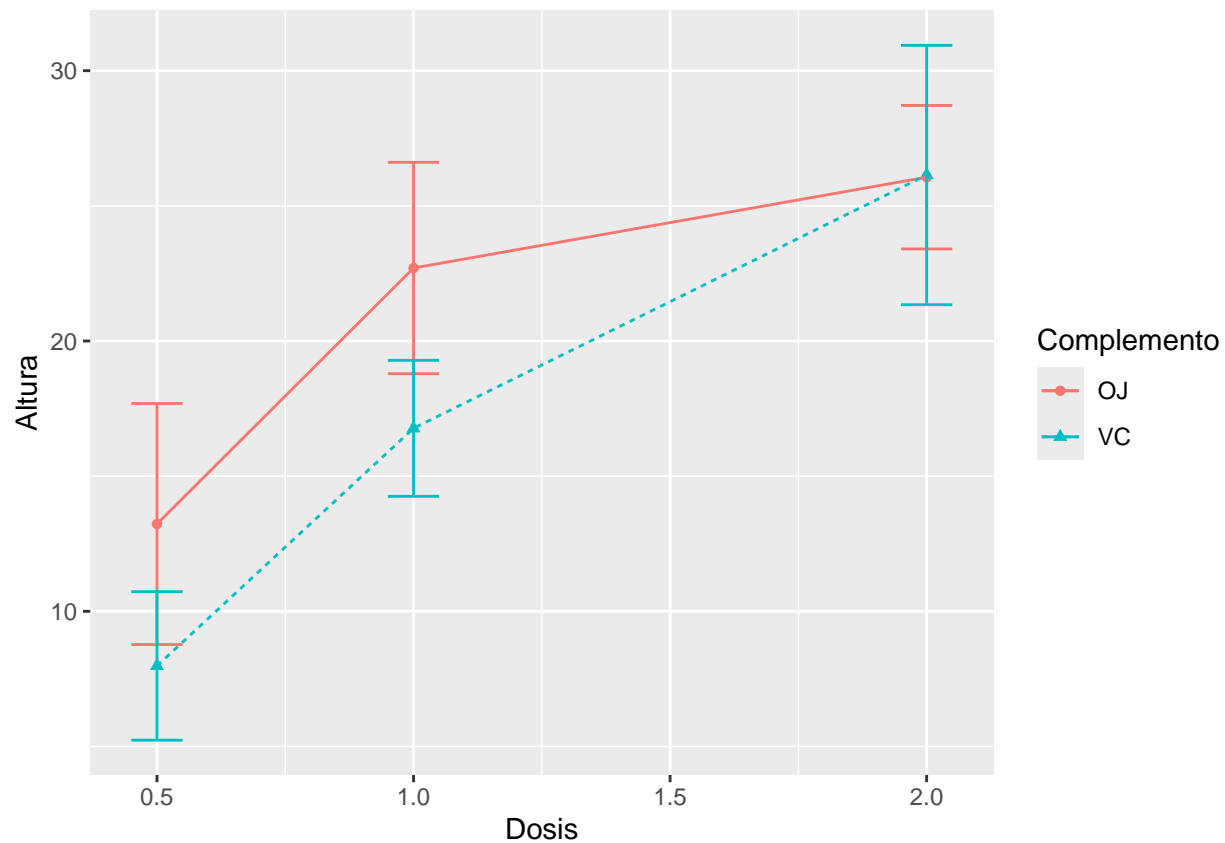


- Crea otro gráfico a partir de añadir al gráfico anterior barras de error a cada punto. El error viene dado por la variable `Error_Altura`.

```
ggplot(data = Experimento, mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento)) +
  geom_point(aes(shape = Complemento)) + geom_line(aes(linetype = Complemento)) +
  geom_errorbar(aes(ymin = Altura - Error_Altura, ymax = Altura + Error_Altura))
```

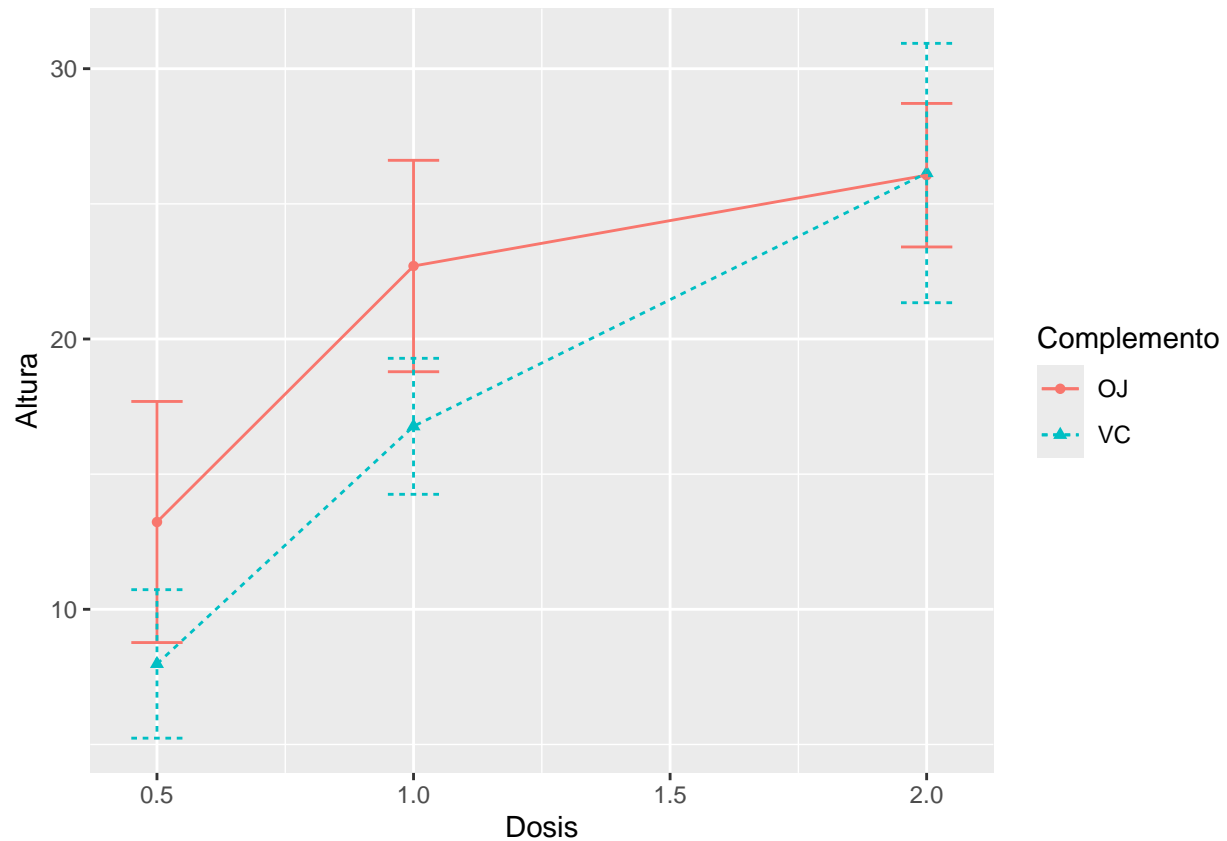


```
ggplot(data = Experimento, mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento)) +
  geom_point(aes(shape = Complemento)) + geom_line(aes(linetype = Complemento)) +
  geom_errorbar(aes(ymin = Altura - Error_Altura, ymax = Altura + Error_Altura), width = 0.1)
```



*# En este caso, cambia la linea de las barras de error, ya que es el general 'ggplot', que tiene la con.*

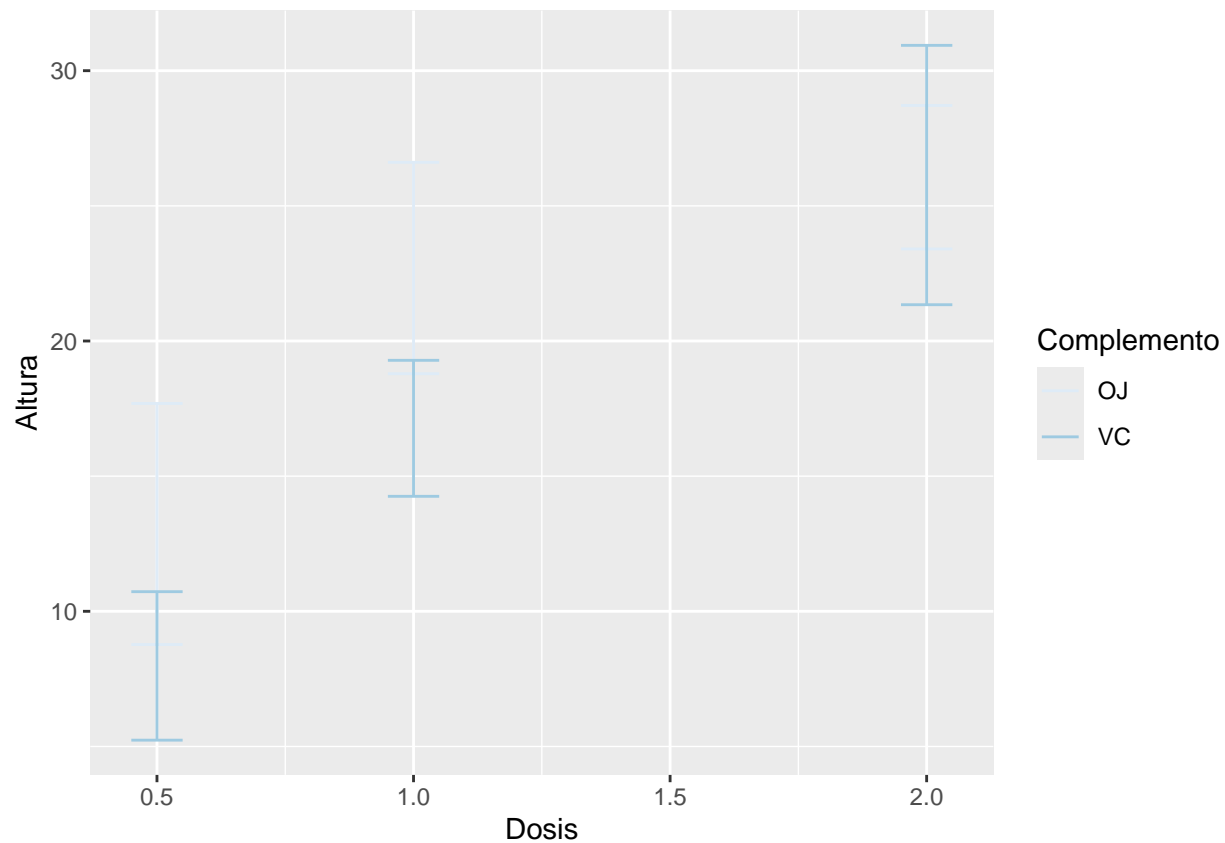
```
ggplot(data = Experimento,
       mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento, shape = Complemento)) +
  geom_point() +
  geom_line() +
  geom_errorbar(aes(ymin = Altura - Error_Altura, ymax = Altura + Error_Altura), width = 0.1)
```



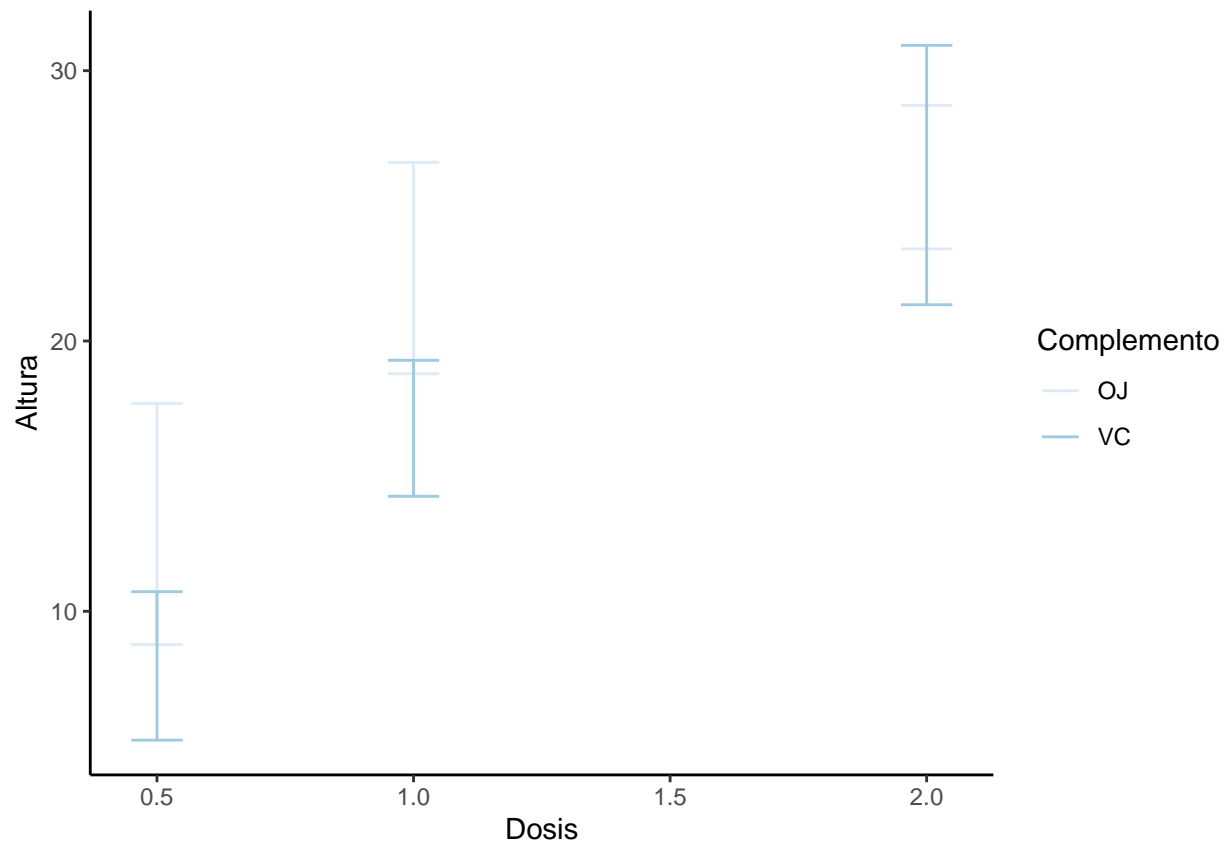
- Crea otro gráfico, como el anterior (**idéntico**), pero en este caso no puedes incluir el tipo de línea y el tipo de punto en el `aes()` de la capa `ggplot`. Además queremos que la paleta de colores sea en tonos de azules.

```
ggplot(data = Experimento,
       mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento)) +
  geom_errorbar(aes(ymin = Altura - Error_Altura, ymax = Altura + Error_Altura), width = 0.1) +
  # theme_classic() +
  scale_color_brewer(palette = 'Blues') # Colores muy claros
```

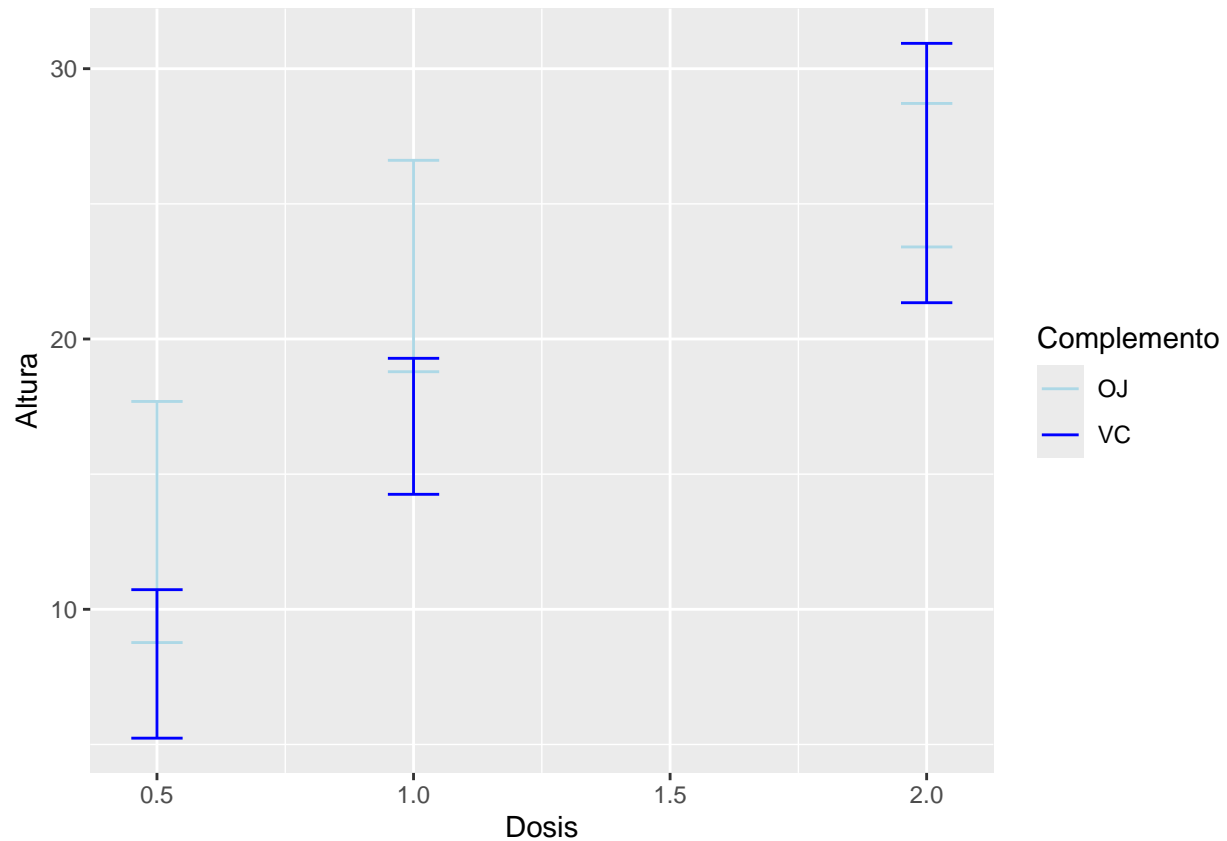




```
# Haciendo uso de theme, se evidencia mejor  
ggplot(data = Experimento,  
       mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento)) +  
  geom_errorbar(aes(ymin = Altura - Error_Altura, ymax = Altura + Error_Altura), width = 0.1) +  
  theme_classic() +  
  scale_color_brewer(palette = 'Blues')
```



```
# También se puede
g5 <- ggplot(data = Experimento,
  mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento)) +
  geom_errorbar(aes(ymin = Altura - Error_Altura, ymax = Altura + Error_Altura), width = 0.1) +
  # theme_classic() +
  # scale_color_brewer(palette = 'Blues')
  scale_color_manual(values = c("lightblue", "blue"))
g5
```



```
# ggplot(data = Experimento,
#       mapping = aes(x = Dosis, y = Altura, group = Complemento, color = Complemento)) +
#   geom_errorbar(aes(ymin = Altura - Error_Altura, ymax = Altura + Error_Altura), width = 0.1) +
#   theme_classic() +
#   scale_color_brewer(palette = 'Blues')
#   scale_color_manual(values = c("lightblue", "blue"))
#   scale_color_viridis_d() # la letra _d, es para valores discretos
```

- Almacena en formato **pdf** el gráfico resultante en un fichero denominado Ejercicio5.pdf.

```
n_salida <- '5'
f_salida <- paste0(figuras, 'Ejercicio', n_salida, '.pdf')

# Grafico resultante
pdf(f_salida)
g5
dev.off()
```

```
## pdf
## 2
```

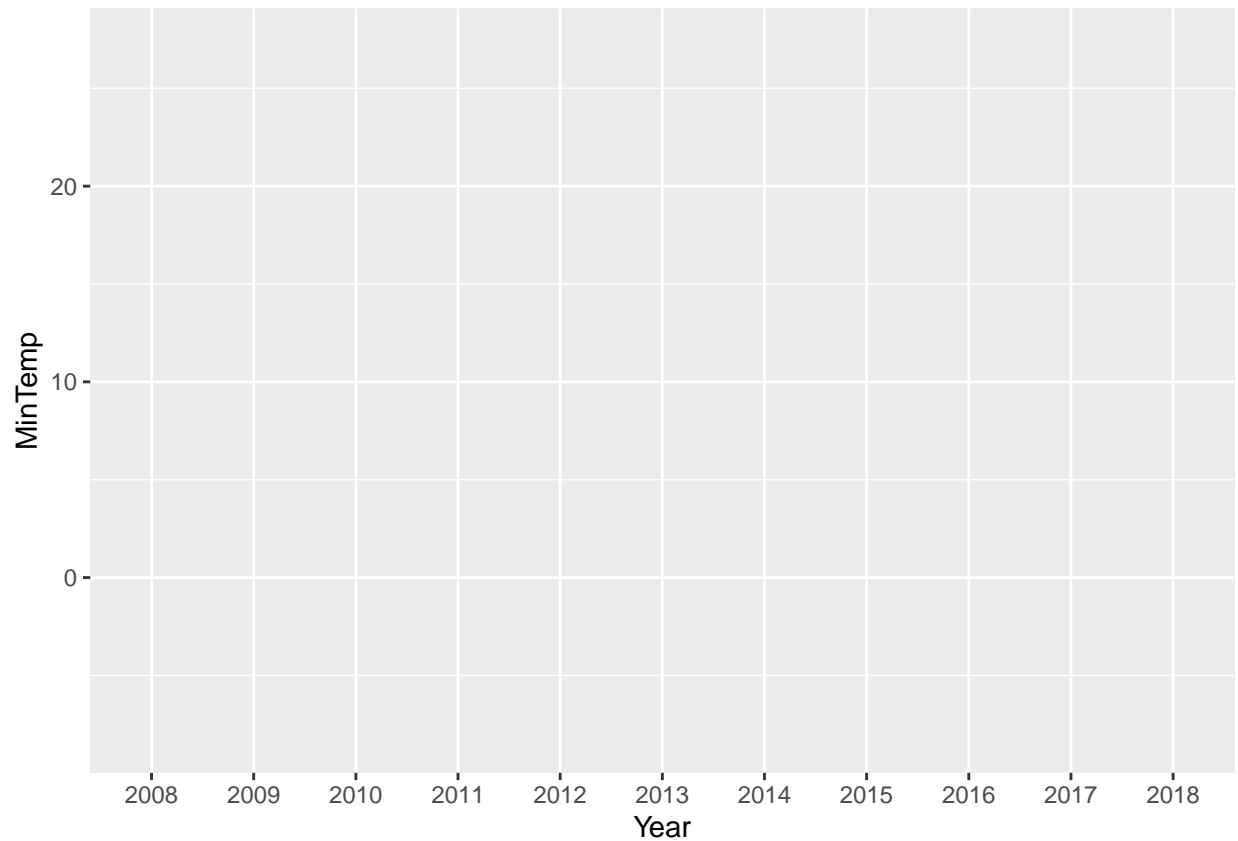
## Ejercicio 6

- Carga el fichero `weatherAUS_distributions.RData`.

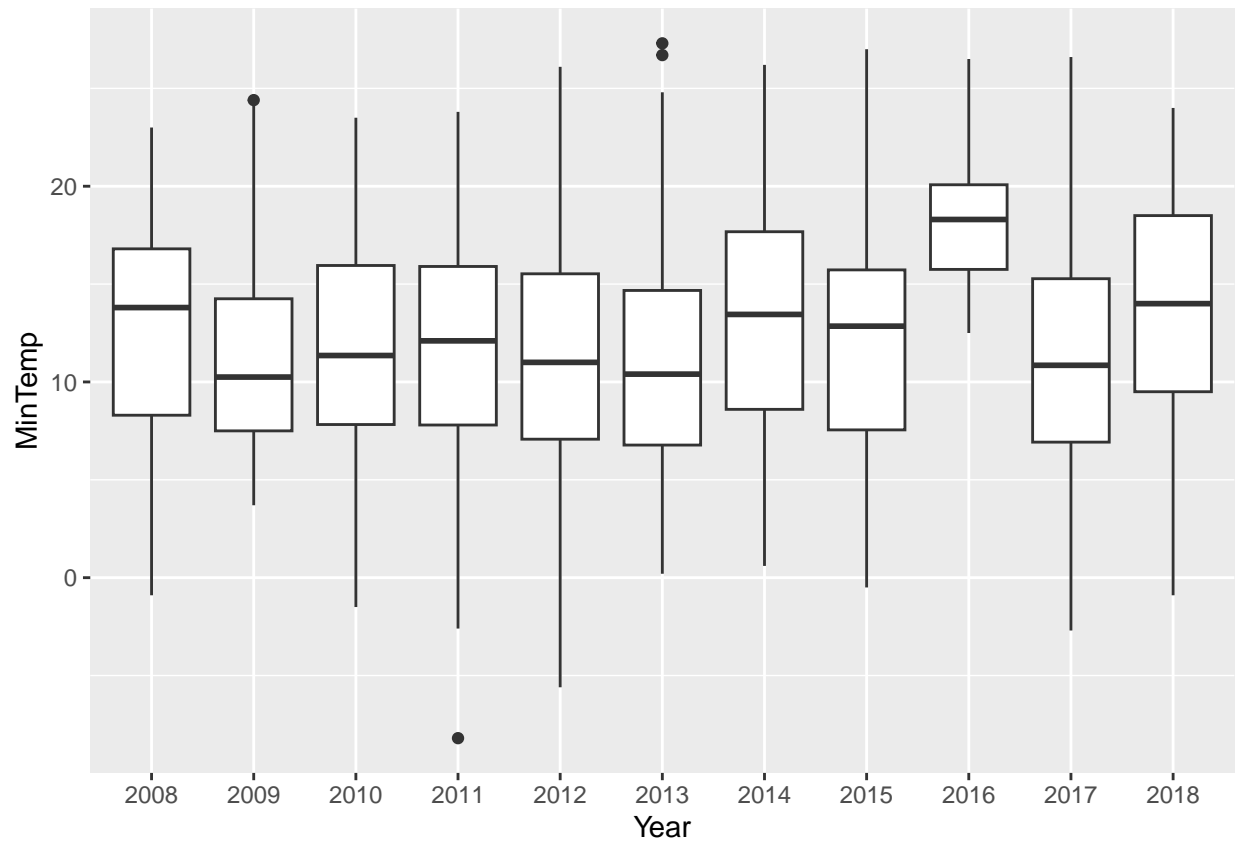
```
f5 <- paste0(carpeta, 'weatherAUS_distributions.RData')  
load(f5)
```

- Crea un gráfico en el que estén los boxplots de la variable MinTemp para cada uno de los años presentes en la variable Year del dataset.

```
g6 <- ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Year, y = MinTemp))  
g6
```



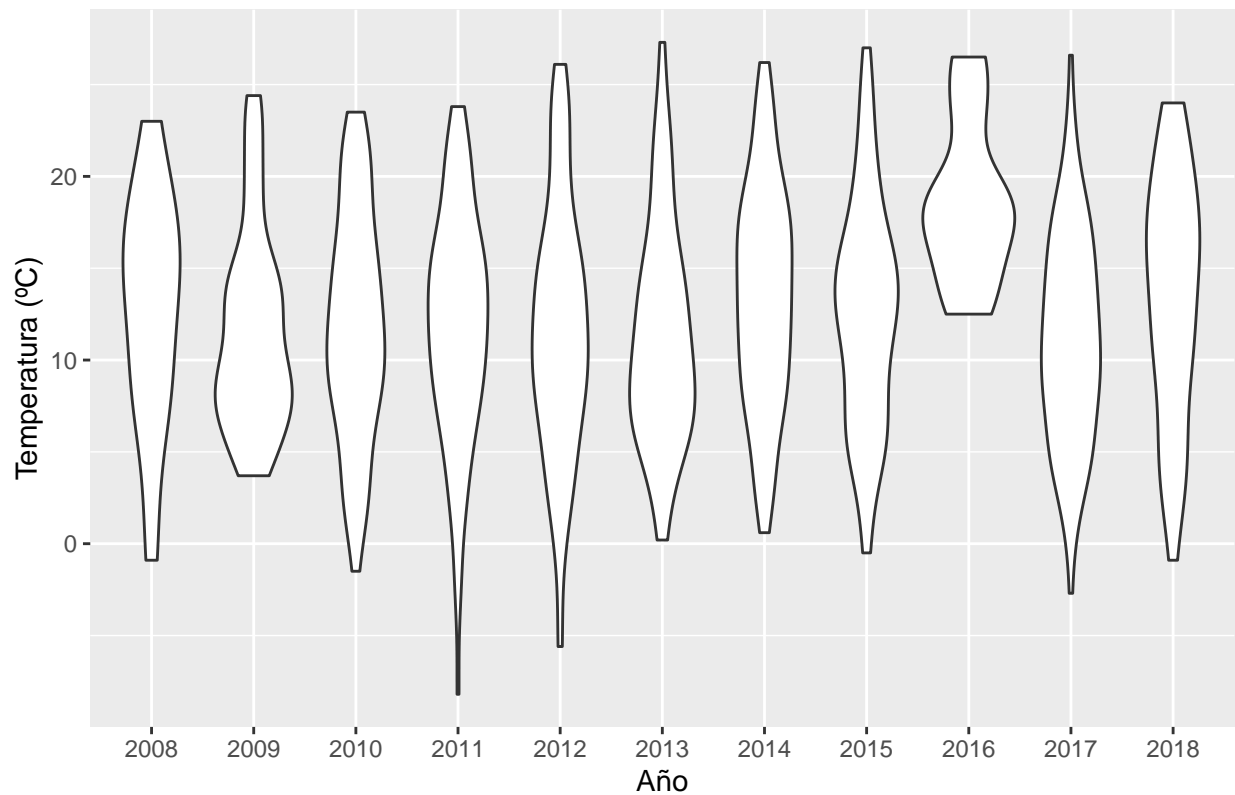
```
g6 + geom_boxplot()
```



- Crea un gráfico en el que estén los gráficos de violín de la variable **MaxTemp** para cada uno de los años presentes en la variable **Year** del dataset. Añade en el mismo gráfico una capa de etiquetas de título (Distribución de temperaturas máximas por año), eje *x* (Año) y eje *y* (Temperatura (°C)). Colorea el interior de los violines según la variable **Year**.

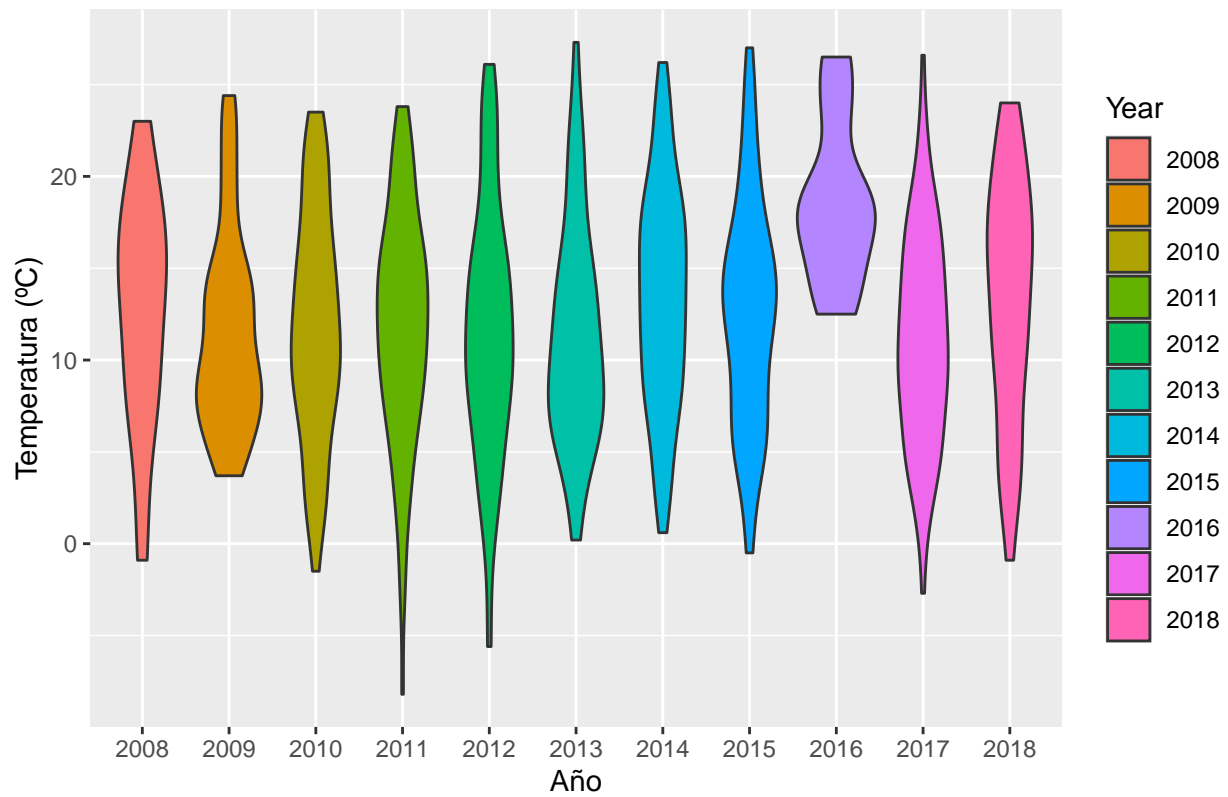
```
# Si el color no esta en ggplot y geom_violin no tiene fill
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Year, y = MinTemp)) +
  geom_violin() +
  ggtitle(label = 'Distribución de temperaturas máximas por año') +
  xlab(label = 'Año') + ylab(label = 'Temperatura (°C)')
```

Distribución de temperaturas máximas por año



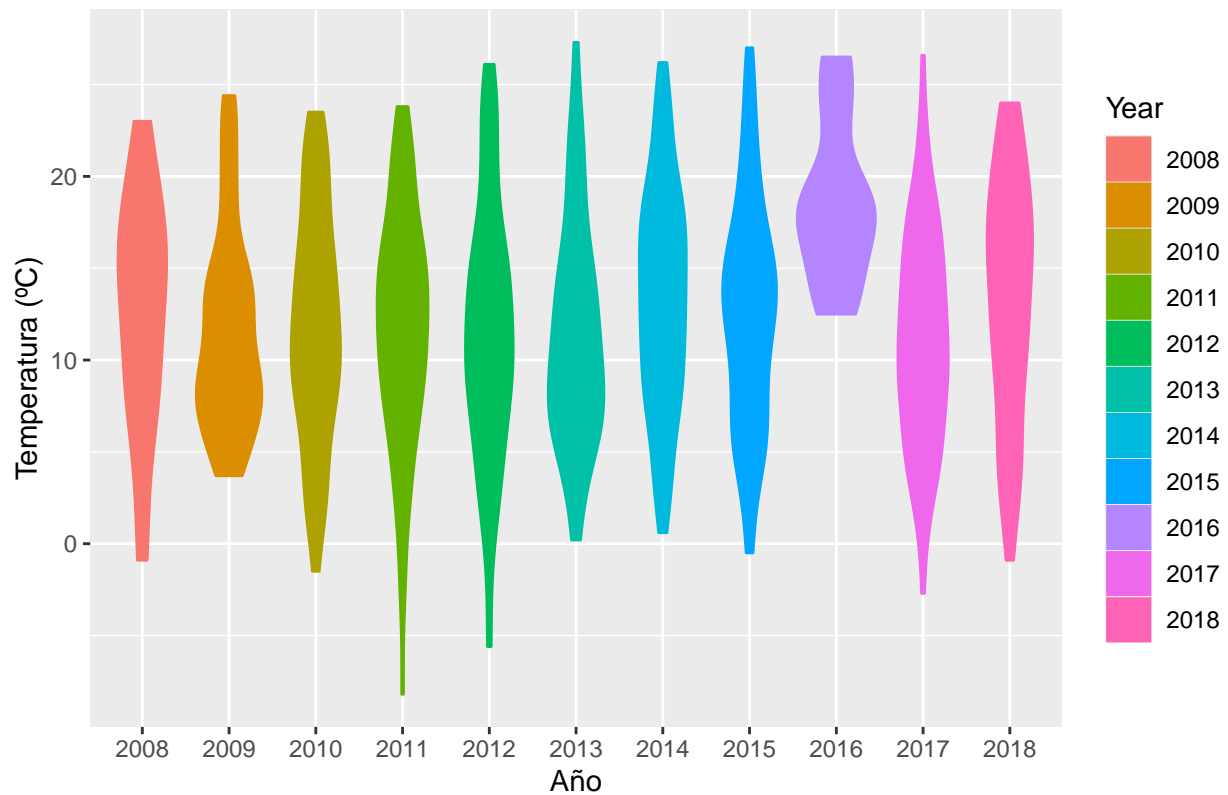
```
# Si ggplot no tiene el color, pero violin si tiene fill
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Year, y = MinTemp)) +
  geom_violin(aes(fill = Year)) +
  ggtitle(label = 'Distribución de temperaturas máximas por año') +
  xlab(label = 'Año') + ylab(label = 'Temperatura (°C)')
```

Distribución de temperaturas máximas por año



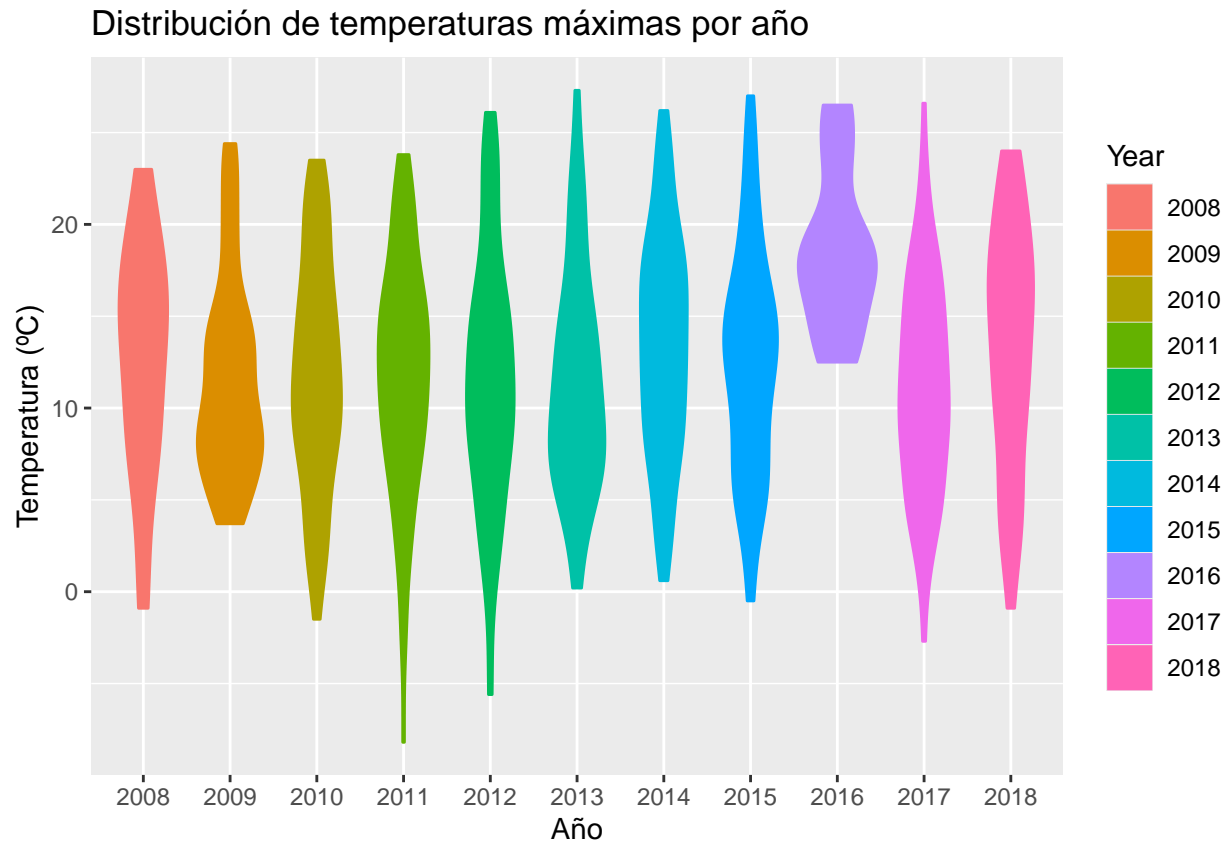
```
# Colo esta en ggplot y violin
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Year, y = MinTemp, color = Year)) +
  geom_violin(aes(fill = Year)) +
  ggtitle(label = 'Distribución de temperaturas máximas por año') +
  xlab(label = 'Año') + ylab(label = 'Temperatura (°C)')
```

Distribución de temperaturas máximas por año



```
# Esto es lo mismo al anterior. Cambia el llamado de Labs
ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Year, y = MinTemp, color = Year)) +
  geom_violin(aes(fill = Year)) +
  labs(title = 'Distribución de temperaturas máximas por año',
        x = 'Año',
        y = 'Temperatura (°C)')
```

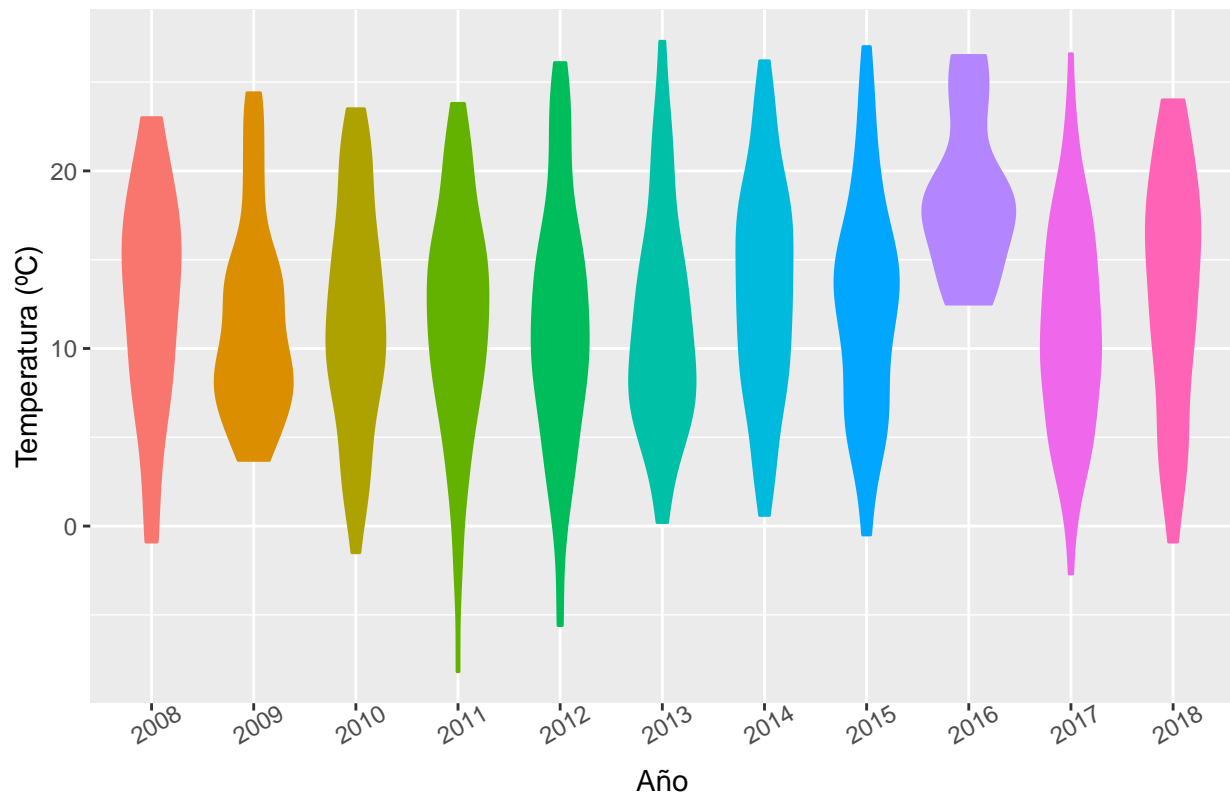




- En el gráfico anterior elimina la leyenda y coloca los años en el eje  $x$  a 45 grados de inclinación. Busca información en la red sobre cómo hacer esto.

```
g6 <- ggplot(data = ds, mapping = aes(x = Year, y = MinTemp, color = Year)) +
  geom_violin(aes(fill = Year)) +
  labs(title = 'Distribución de temperaturas máximas por año',
        x = 'Año',
        y = 'Temperatura (°C)') +
  theme(legend.position = 'none',
        axis.text.x = element_text(angle = 30))
g6
```

## Distribución de temperaturas máximas por año



- Almacena en formato **pdf** el gráfico resultante en un fichero denominado **Ejercicio6.pdf**.

```
n_salida <- '6'
f_salida <- paste0(figuras, 'Ejercicio', n_salida, '.pdf')

# Grafico resultante
pdf(f_salida)
g6
dev.off()
```

```
## pdf
## 2
```

## Ejercicio 7

- Descarga de la url “[http://assets.datacamp.com/blog\\_assets/chol.txt](http://assets.datacamp.com/blog_assets/chol.txt)” el dataset de datacamp que utilizarás para este ejercicio utilizando la función **read.table()**.

```
# URL donde se descargara el fichero
url_ej <- 'http://assets.datacamp.com/blog_assets/chol.txt'

# Almacenamiento del fichero
fichero <- paste0(carpetas, 'chol.txt')
```

```
# Descarga
download.file(url = url_ej, destfile = fichero)

# Leemos el fichero
df <- read.table(file = fichero, header = TRUE)
head(df)
```

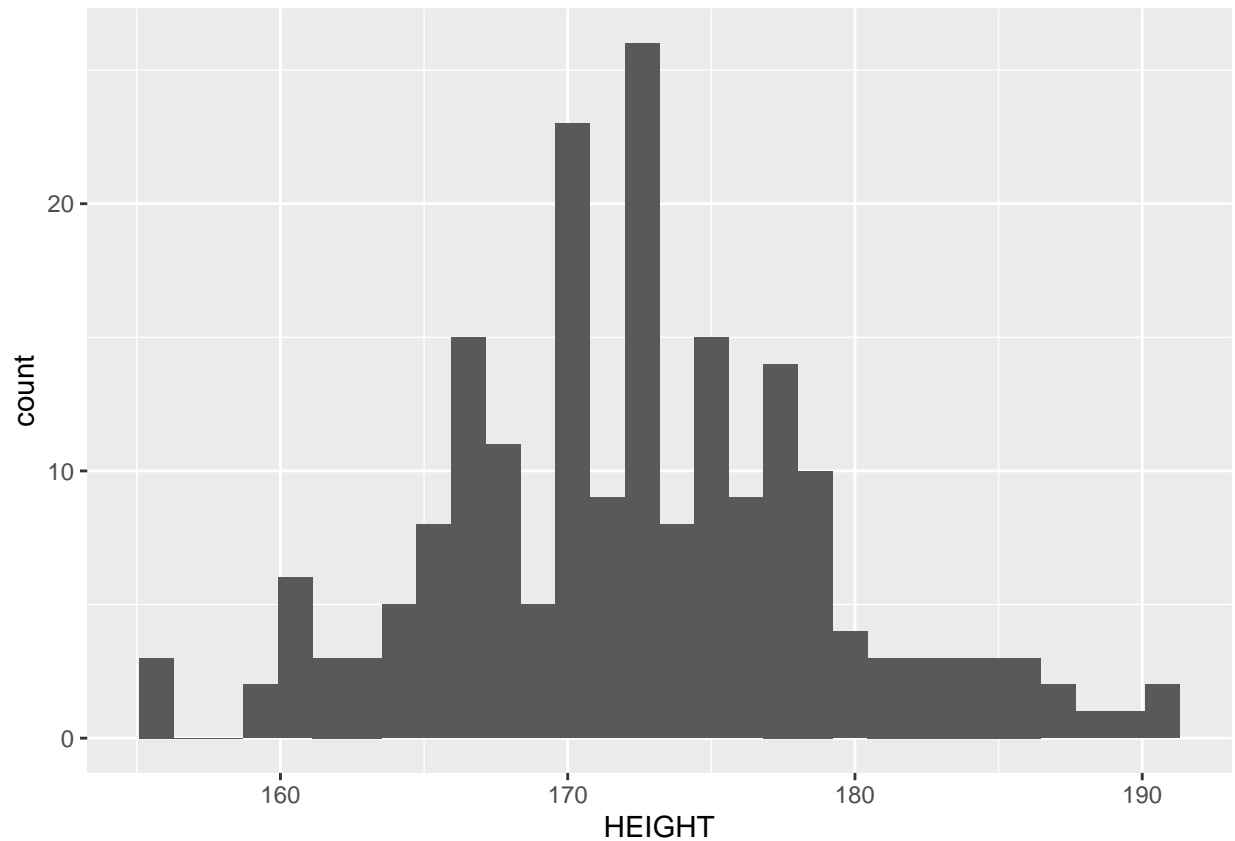
```
##  AGE HEIGHT WEIGHT CHOL  SMOKE BLOOD  MORT
## 1   20     176      77  195 nonsmo    b alive
## 2   53     167      56  250 sigare    o dead
## 3   44     170      80  304 sigare    a dead
## 4   37     173      89  178 nonsmo    o alive
## 5   26     170      71  206 sigare    o alive
## 6   41     165      62  284 sigare    o alive
```

- Representa el histograma de la variable HEIGHT del dataframe cargado del fichero anterior.

```
# Sale un mensaje, indicando que por defecto, bins = 30
# Esto es porque no se especifica bins o binwidth

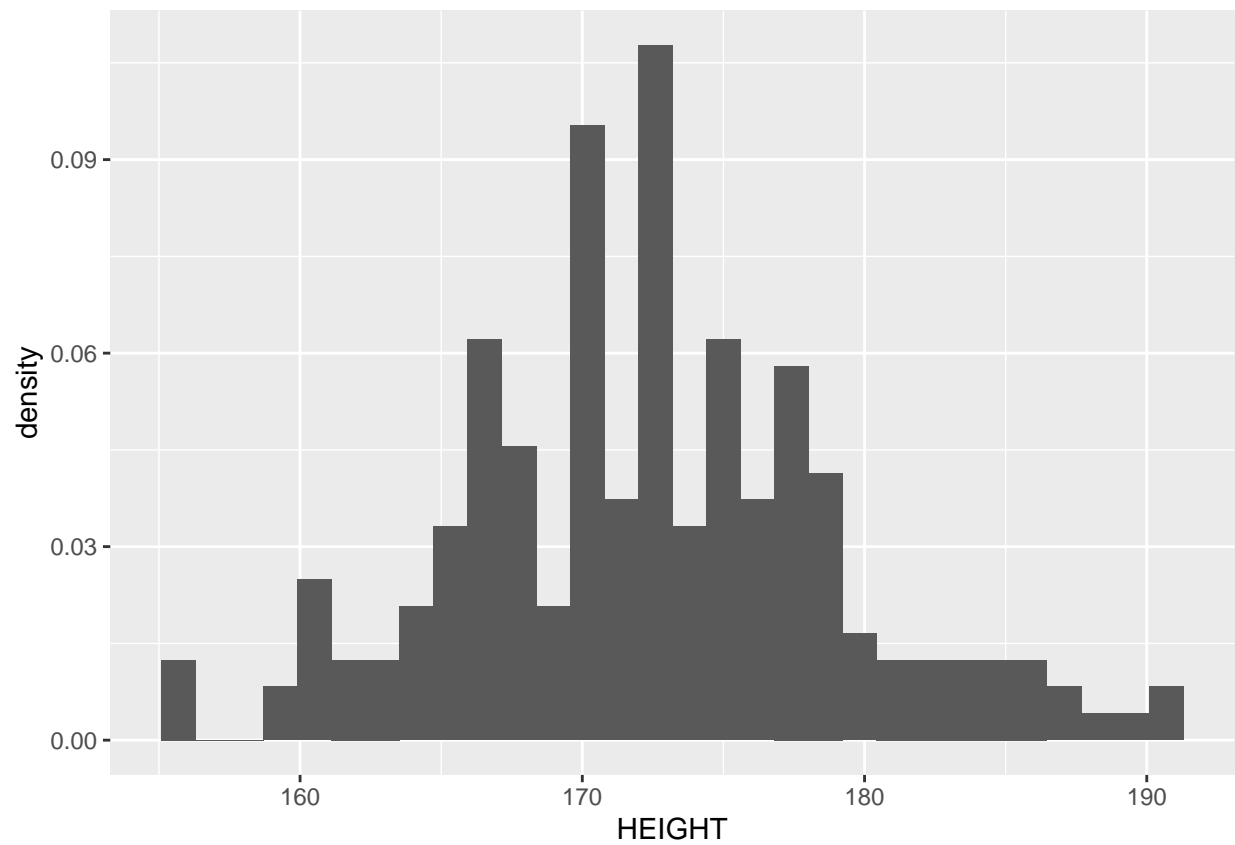
# count - por defecto
# Muestra cuántos datos caen dentro de cada intervalo (bin)
# Es una frecuencia absoluta
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +
  geom_histogram()
```

```
## 'stat_bin()' using 'bins = 30'. Pick better value with 'binwidth'.
```

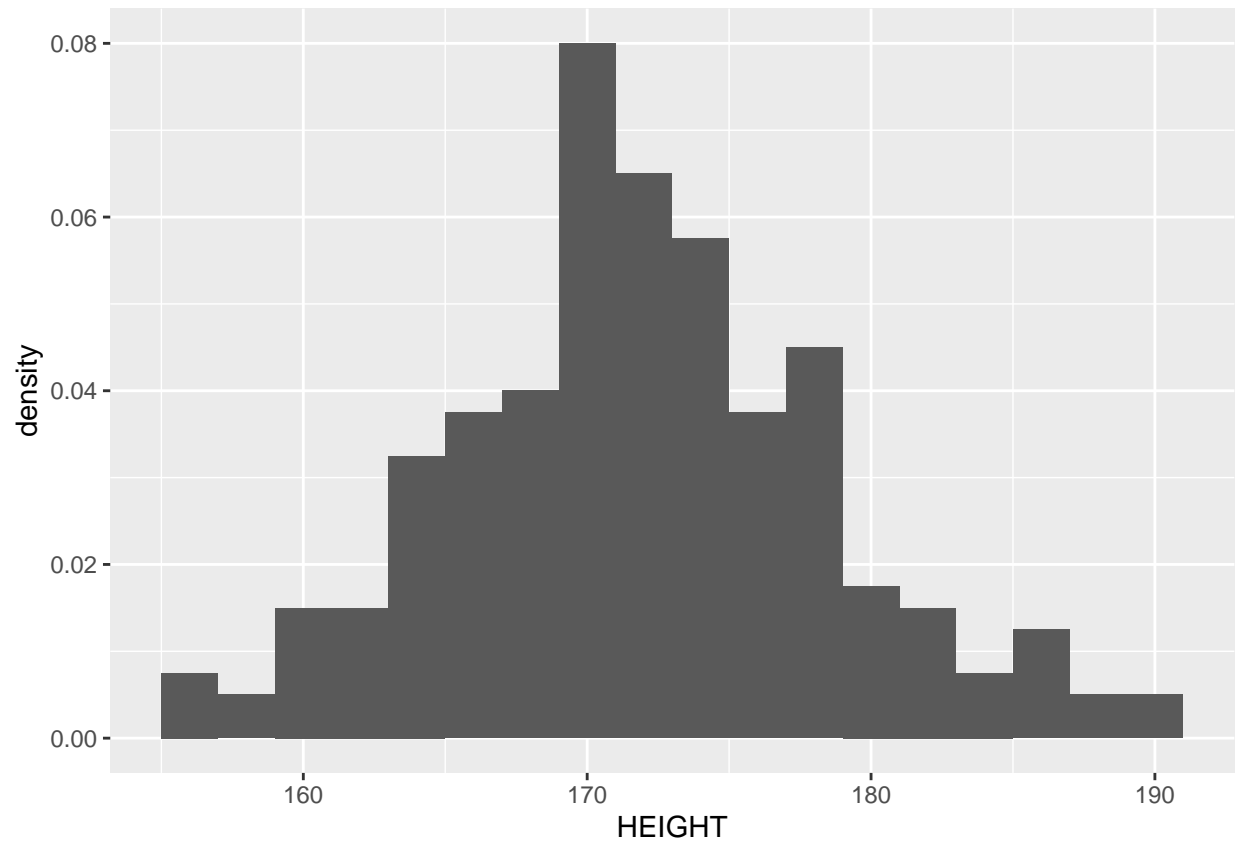


```
# density
# Muestra la densidad de probabilidad
# Las áreas de las barras suman 1, no los valores en el eje y
# Se usa para comparar con una función de densidad (como una curva normal).
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +
  geom_histogram(aes(y = after_stat(density))) # Eje y muestre la densidad, en lugar del conteo
```

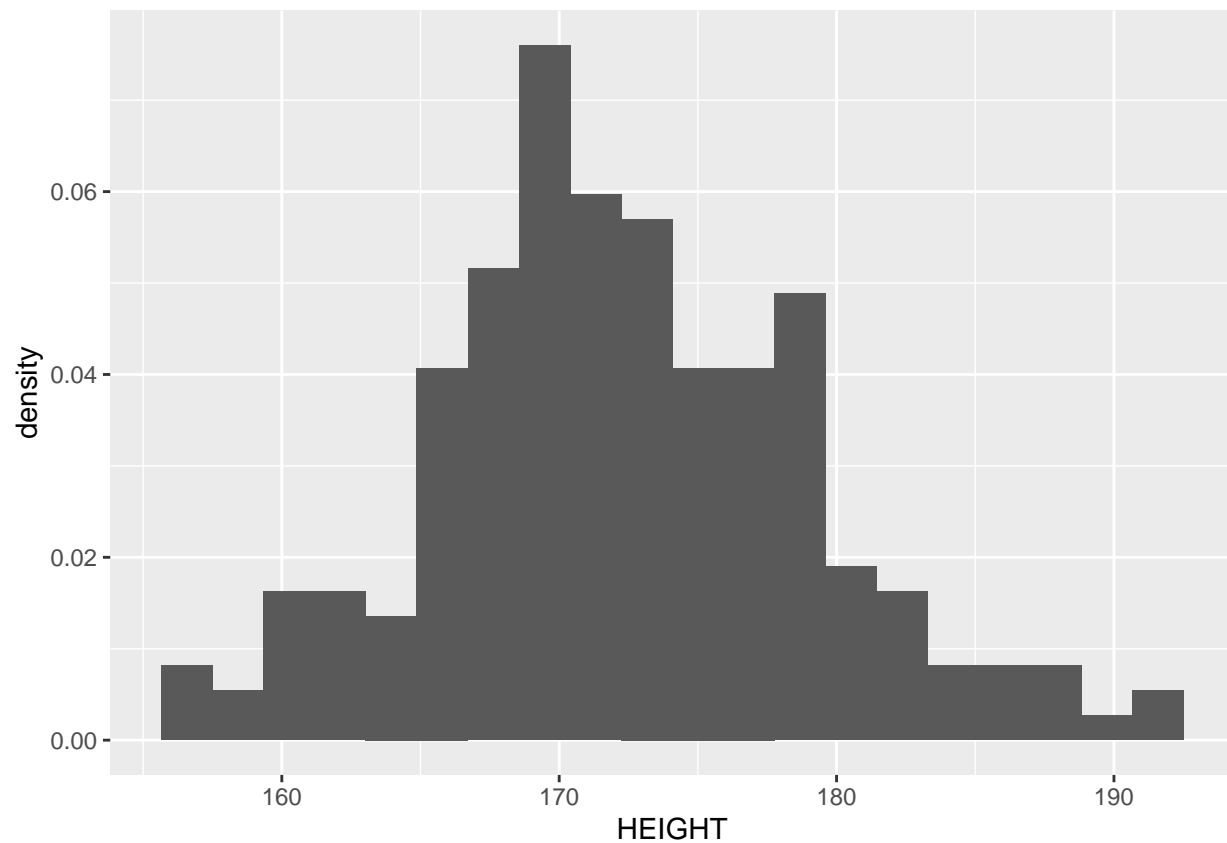
```
## 'stat_bin()' using 'bins = 30'. Pick better value with 'binwidth'.
```



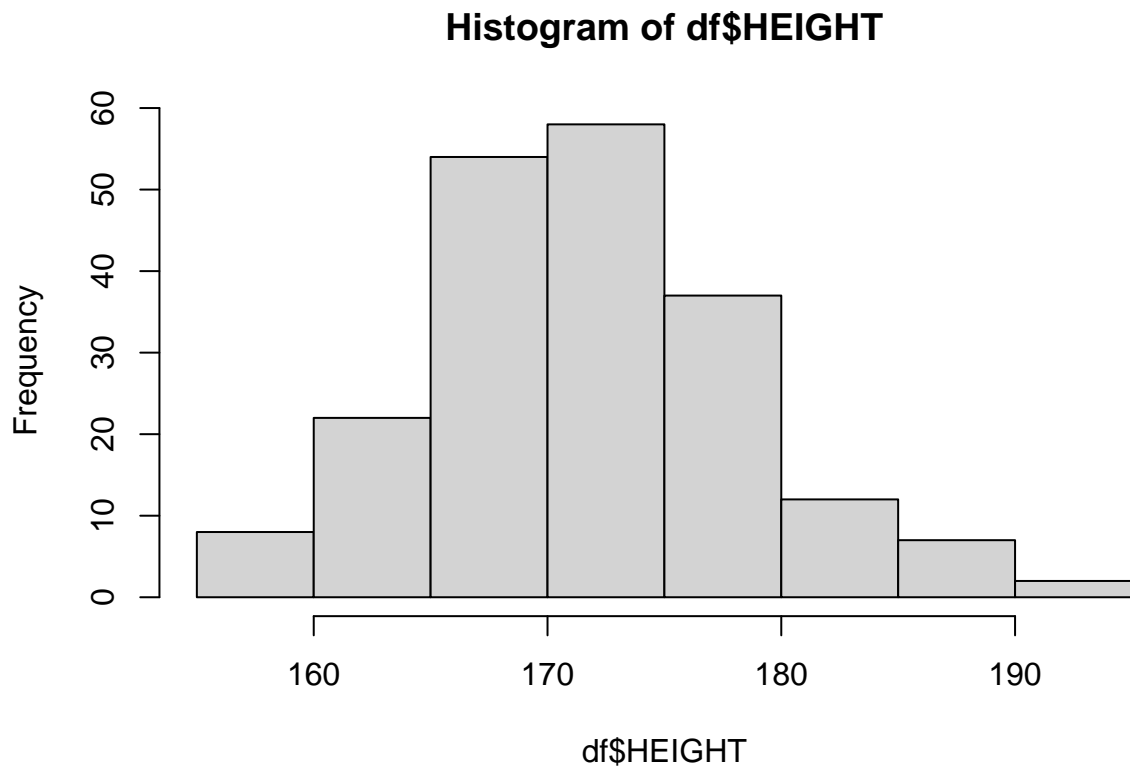
```
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +  
  geom_histogram(aes(y = after_stat(density)), binwidth = 2) # binwidth = 2 define el ancho de la barra
```



```
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +  
  geom_histogram(aes(y = after_stat(density)), bins = 20) # bins = 20 define el total de barras
```



```
# Otro ejemplo de histograma - sin ggplot
# breaks: número o posición de los cortes.
# freq: TRUE (frecuencia absoluta) o FALSE (densidad).
# col: color de las barras.
# border: color del borde.
hist(x = df$HEIGHT)
```



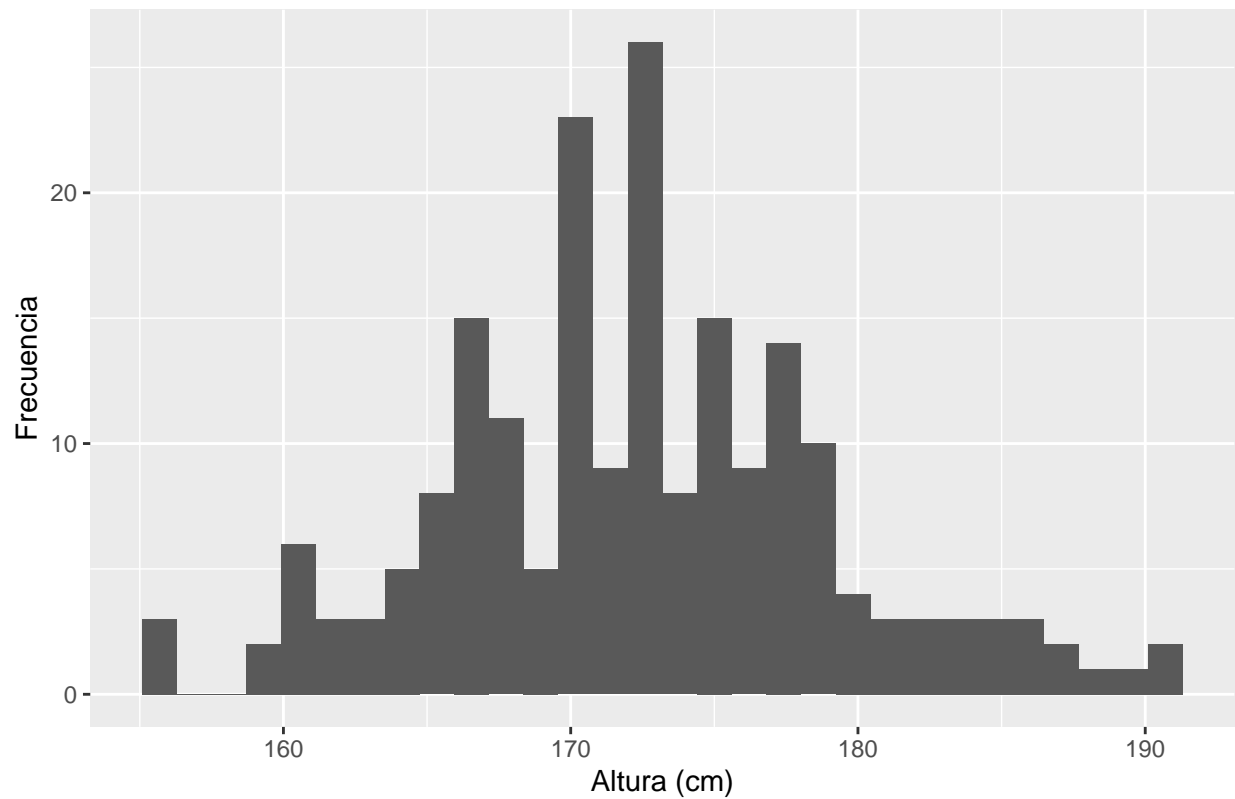
- Añade título (“Histograma de la variable Altura”), una etiqueta en el eje  $x$  (“Altura (cm)”) y una etiqueta en el eje  $y$  (“Frecuencia”).

```
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +  
  geom_histogram() +  
  labs(title = 'Histograma de la variable Altura',  
        x = 'Altura (cm)',  
        y = 'Frecuencia')
```

```
## 'stat_bin()' using 'bins = 30'. Pick better value with 'binwidth'.
```



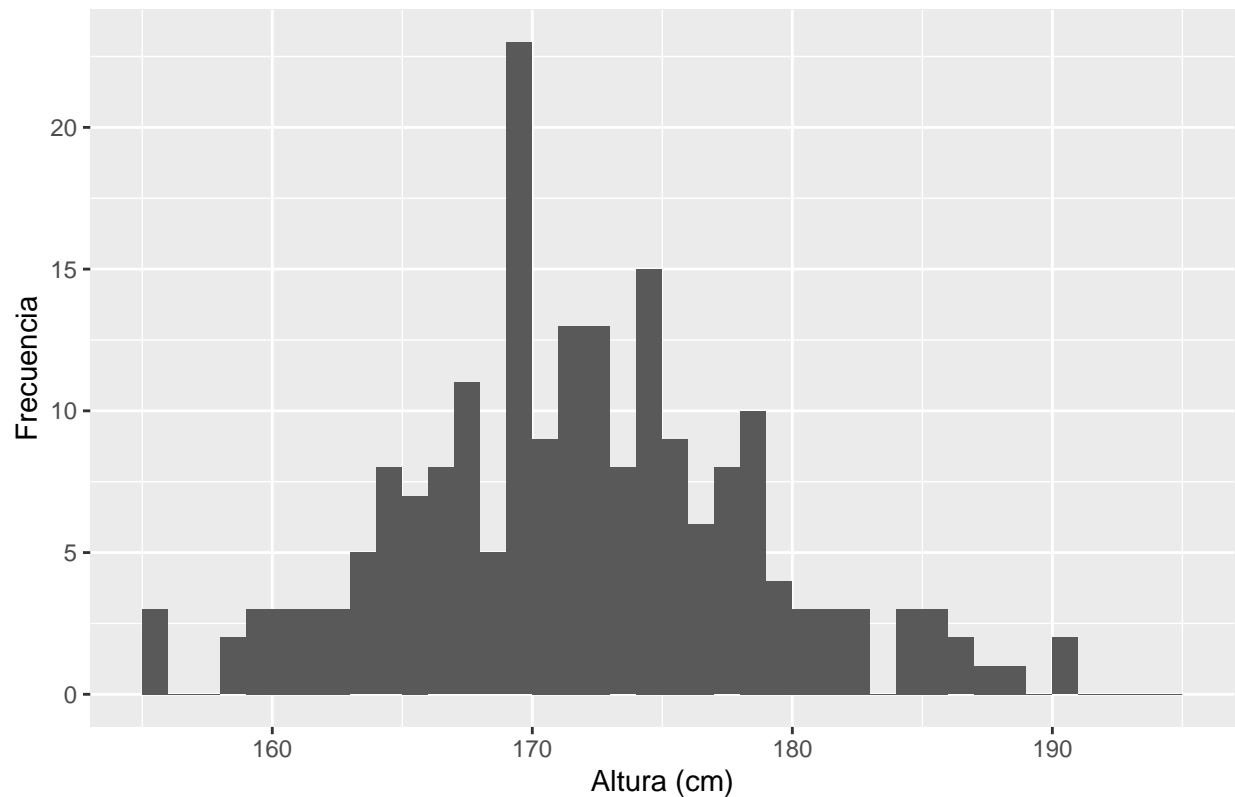
Histograma de la variable Altura



- Ajusta el rango de representación entre 155 y 195, además consigue que el histograma tenga 20 *bins*.

```
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +  
  geom_histogram(breaks = seq(155, 195),  
                 bins = 20) +  
  labs(title = 'Histograma de la variable Altura',  
        x = 'Altura (cm)',  
        y = 'Frecuencia')
```

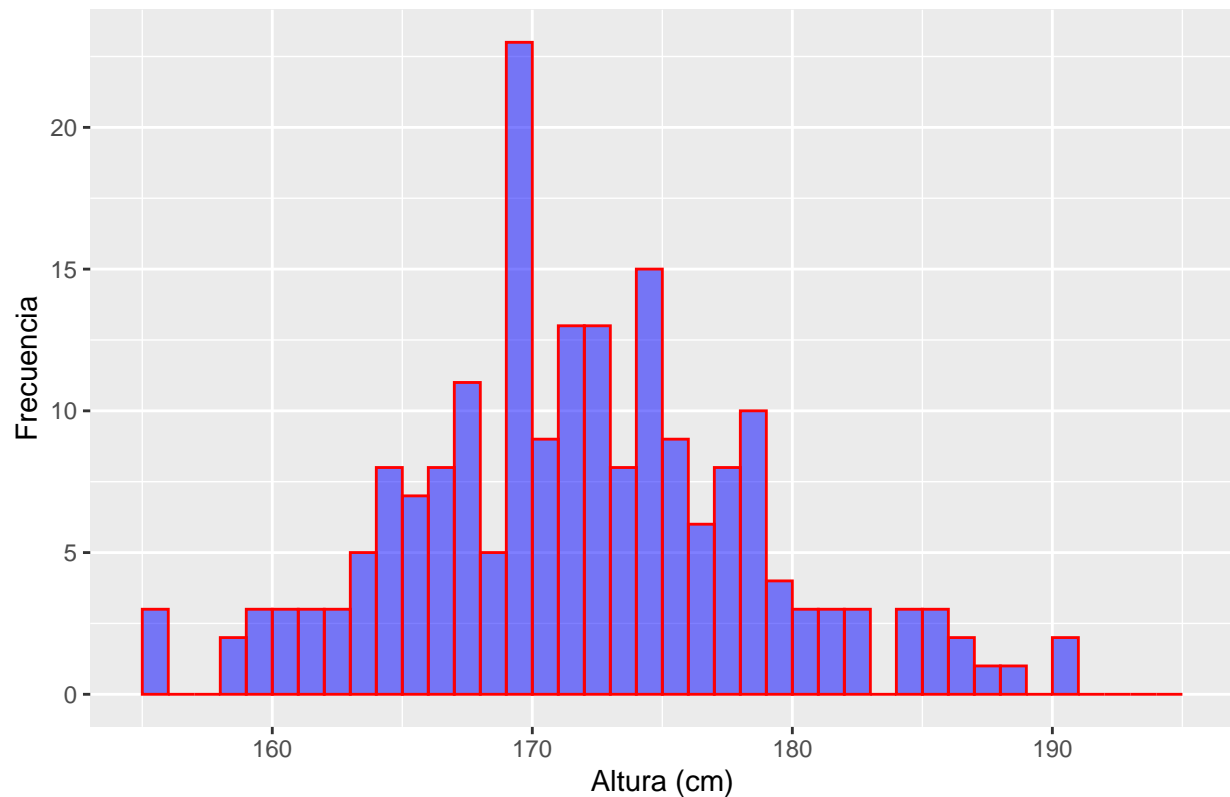
Histograma de la variable Altura



- Haz que las barras del histograma sean de color azul con una grado de transparencia del 50% y el contorno de color rojo.

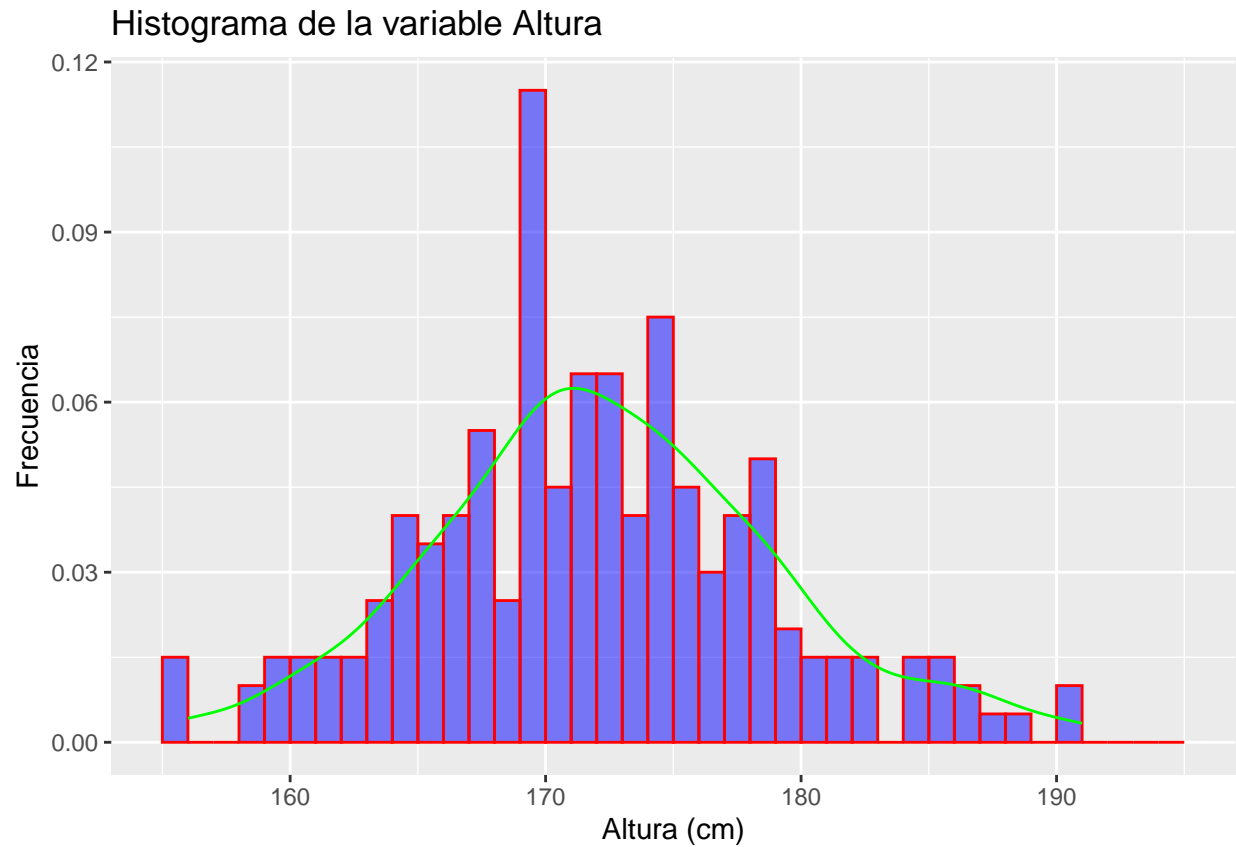
```
# Los parametros están fuera de aes, porque es 'general'. No se asigna a una variable específica
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +
  geom_histogram(breaks = seq(155, 195),
                 bins = 20,
                 color = 'red',
                 fill = 'blue',
                 alpha = 0.5) +
  labs(title = 'Histograma de la variable Altura',
       x = 'Altura (cm)',
       y = 'Frecuencia')
```

Histograma de la variable Altura



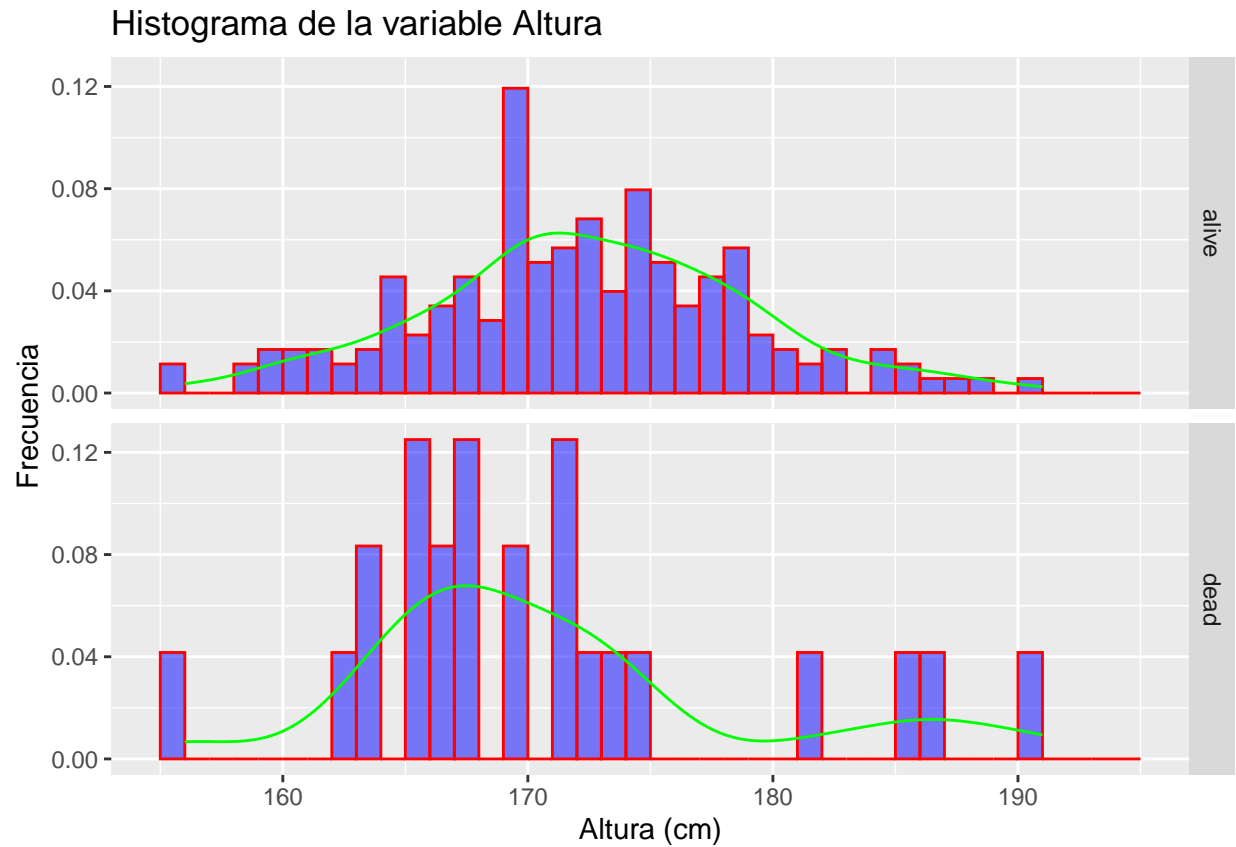
- Añade la curva de distribución estimada de color verde.

```
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +
  geom_histogram(aes(y = after_stat(density)),
    breaks = seq(155, 195),
    bins = 20,
    color = 'red',
    fill = 'blue',
    alpha = 0.5) +
  labs(title = 'Histograma de la variable Altura',
    x = 'Altura (cm)',
    y = 'Frecuencia') +
  geom_density(color = 'green') # Para usar geom_density, debe usarse density en aes
```



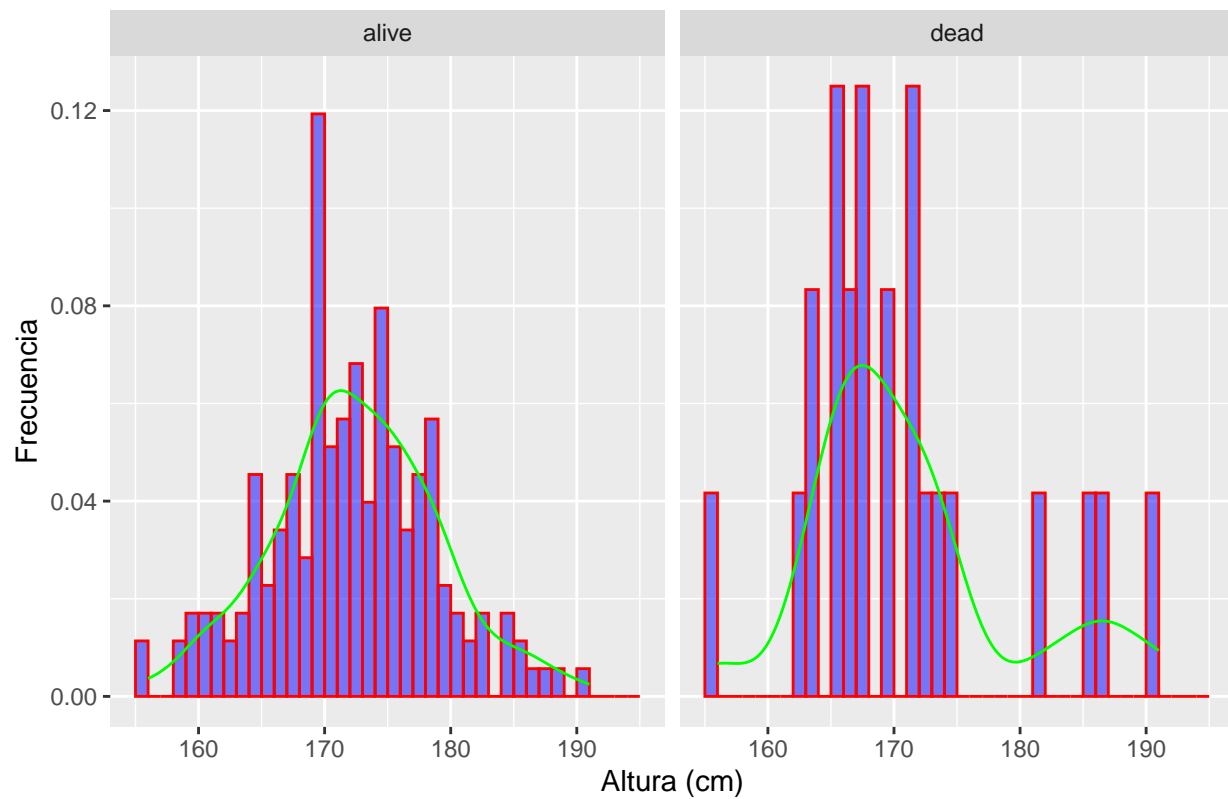
- Representa el mismo histograma del apartado anterior para cada valor de la variable **MORT**, recuerda utilizar la función **facet\_grid()**.

```
ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +
  geom_histogram(aes(y = after_stat(density)),
    breaks = seq(155, 195),
    bins = 20,
    color = 'red',
    fill = 'blue',
    alpha = 0.5) +
  labs(title = 'Histograma de la variable Altura',
    x = 'Altura (cm)',
    y = 'Frecuencia') +
  geom_density(color = 'green') +
  facet_grid(MORT~.) # Horizontal
```



```
g7 <- ggplot(data = df, aes(x = HEIGHT)) +
  geom_histogram(aes(y = after_stat(density)),
    breaks = seq(155, 195),
    bins = 20,
    color = 'red',
    fill = 'blue',
    alpha = 0.5) +
  labs(title = 'Histograma de la variable Altura',
    x = 'Altura (cm)',
    y = 'Frecuencia') +
  geom_density(color = 'green') +
  facet_grid(.~MORT) # vertical
g7
```

## Histograma de la variable Altura



- Almacena en formato **pdf** el gráfico resultante en un fichero denominado Ejercicio7.pdf.

```
n_salida <- '7'
f_salida <- paste0(figuras, 'Ejercicio', n_salida, '.pdf')

# Grafico resultante
pdf(f_salida)
g7
dev.off()
```

```
## pdf
## 2
```