A4-Regresión Poisson

A01275465 Carol Arrieta Moreno

2023-10-13

Trabajaremos con el paquete dataset, que incluye la base de datos warpbreaks, que contiene datos del hilo (yarn) para identificar cuáles variables predictoras afectan la ruptura de urdimbre.

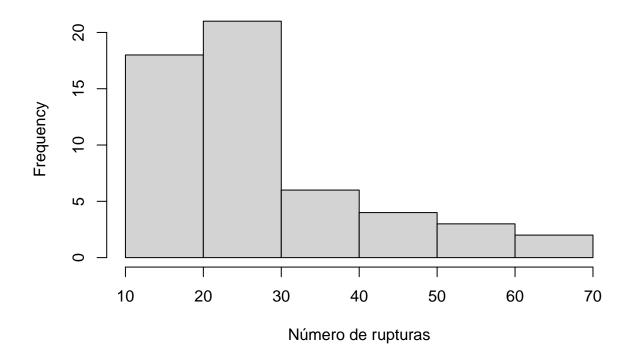
```
data<-warpbreaks
head(data,10)
```

##		breaks	wool	tension
##	1	26	Α	L
##	2	30	Α	L
##	3	54	Α	L
##	4	25	Α	L
##	5	70	Α	L
##	6	52	Α	L
##	7	51	Α	L
##	8	26	Α	L
##	9	67	Α	L
##	10	18	Α	M

Histograma del número de rupturas

hist(data\$breaks, main = "Histograma del número de rupturas", xlab = "Número de rupturas")

Histograma del número de rupturas



Obtén la media y la varianza

```
media <- mean(data$breaks)</pre>
varianza <- var(data$breaks)</pre>
cat("Media:", media, "\n")
## Media: 28.14815
cat("Varianza:", varianza, "\n")
## Varianza: 174.2041
Ajusta el modelo de regresión Poisson.
poisson.model<-glm(breaks ~ wool + tension, data, family = poisson(link = "log"))</pre>
summary(poisson.model)
##
## glm(formula = breaks ~ wool + tension, family = poisson(link = "log"),
##
       data = data)
##
## Coefficients:
                Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
##
```

```
## (Intercept) 3.69196
                          0.04541
                                   81.302 < 2e-16 ***
                                   -3.994 6.49e-05 ***
## woolB
               -0.20599
                          0.05157
## tensionM
               -0.32132
                           0.06027
                                   -5.332 9.73e-08 ***
## tensionH
              -0.51849
                          0.06396
                                   -8.107 5.21e-16 ***
## Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## (Dispersion parameter for poisson family taken to be 1)
##
##
       Null deviance: 297.37 on 53
                                    degrees of freedom
## Residual deviance: 210.39 on 50
                                    degrees of freedom
## AIC: 493.06
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 4
```

Conclusión

El modelo que se generó es bueno, el modelo ajustado mejora sobre el modelo residual significativamente, las variables predictoras tienen p-valores muy bajos, el AIC es de 493.06 lo que indica que el modelo tiene buen equilibrio entre ajuste y complejidad.