Processamento e Análise de Imagens

Algoritmo k-means

Felipe Augusto Lima Reis



Introdução

Agenda

- Introdução
- Similaridade
- 3 Clustering
- 4 Segmentação k-means

•00

Introdução

- Muitos algoritmos de aprendizado de máquinas necessitam de dados rotulados para treinamento
 - Rótulos são úteis, porém podem ser difíceis ou caros de serem produzidos;
 - Muitos rótulos são gerados manualmente, por um especialista humano, o que encarece a construção de uma base de dados;
- Para casos onde os rótulos inexistem, são úteis os algoritmos de aprendizado não supervisionados.

Introdução

- Aprendizado não supervisionado pode ser utilizado em tarefas de classificação
 - Tarefas de regressão não podem ser realizadas por esse tipo de algoritmo;
 - Uma vez que n\u00e3o existem classes corretas, o algoritmo ir\u00e1 avaliar a similaridade dos elementos;
 - As similaridades serão utilizadas para clusterizar (agrupar) elementos similares, provendo classificação [Marsland, 2014].

MÉTRICAS DE SIMILARIDADE

MÉTRICAS DE SIMILARIDADE PARA VARIÁVEIS **Numéricas**

- Segundo [Cha, 2007], podemos dividir as similaridades nas seguintes famílias:
 - **1** Família Minkowski L_n ;
 - **2** Família L_1 ;
 - Família de Interseção;
 - Família de Produto Interno:
 - Família de Fidelidade ou Família Squared-chord;
 - **6** Família Quadrática L_2 ;
 - Família de Entropia de Shannon:
 - Combinações;

Família Minkowski L_p

- Família originada a partir da distância Euclidiana;
 - A distância City Block¹, corresponde à distância absoluta entre coordenadas cartesianas;
 - A generalização da distância City Block corresponde à distância Minkowski [Cha, 2007].

| Table 1. L_p Minkowski family | | |
|--|---|-----|
| 1. Euclidean L_2 | $d_{Euc} = \sqrt{\sum_{i=1}^{d} P_i - Q_i ^2}$ | (1) |
| 2. City block L_1 | $d_{CB} = \sum_{i=1}^{d} P_i - Q_i $ | (2) |
| 3. Minkowski L _p | $d_{Mk} = P \sum_{i=1}^{d} P_i - Q_i ^p$ | (3) |
| 4. Chebyshev L_{∞} | $d_{Cheb} = \max_{i} P_i - Q_i $ | (4) |

Fonte: [Cha, 2007]

 $^{^{1}}$ Também conhecida como Manhattan Distance, Distância L_{1} ou Taxicab metric.

- Família utilizada para cálculo da diferença absoluta (L_1) ;
 - Sørensen e Canberra são destaques da classe, e usadas na área de biologia;
 - Gower realiza escala do espaço vetorial no espaço normalizado para cálculo da distância [Cha, 2007].

Família de Interseção

- A interseção entre duas Funções Densidade de Probabilidade são muito usadas para similaridades onde não há sobreposição;
 - A maioria das distâncias do grupo podem ser transformadas em distâncias da família L_1 [Cha, 2007].

Família de Produto Interno

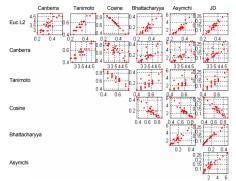
- Família de similaridades onde há produto interno entre os elementos P e Q:
 - O produto interno normalizado é chamado coeficiente Cosseno, devido ao ângulo entre os dois vetores;
 - Dice é realicionado a uma série de outras medidas, como Sørensen e Czekanowski, e é frequentemente usado para taxonomias biológicas [Cha, 2007].

Família de Fidelidade

 A soma da média geométrica é conhecida como Similaridade de Fidelidade, e métricas relacionadas a essa medida podem ser agrupadas nesta classe [Cha, 2007].

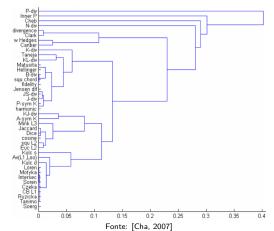
- - Família agrupa métricas usando a distância Euclidiana Quadrática:
 - Formas alternativas das distâncias de Jaccard e Dice pertencem a essa família [Cha, 2007];
- Família de Entropia de Shannon
 - A família corresponde ao conceito de incerteza ou entropia. proposto por Shannon [Cha, 2007];
- Combinações
 - A família contém medidas de distância que contém múltiplas ideias ou medidas [Cha, 2007].

- Podemos indicar a força e a direção entre duas medidas de distâncias pela imagem abaixo
 - Se as distâncias não são similares, o valor tende a 0:
 - Caso contrário, os valores tendem a 1.



Fonte: [Cha, 2007]

• Métricas de similaridade podem ainda serem agrupadas com o auxílio do dendrograma abaixo.



MÉTRICAS DE SIMILARIDADE EM DADOS **CATEGÓRICOS**

Métricas de Similaridade - Dados Categóricos

- Segundo [Santos, 2014], as medidas de similaridade em dados categóricos podem ser classificadas em 3 tipos:
 - Medidas que atribuem valor 1 para matching e 0 para mismatching;
 - 2 Atribuem valor 1 para para matching e valores entre 0 e 1 para mismatching;
 - Medidas que atribuem valores entre 0 e 1 quando ocorrem matching e mismatching;

Métricas de Similaridade - Dados Categóricos

- São exemplos de métricas de similaridade para dados categóricos: [Santos, 2014]
 - Métricas do Tipo 1
 - Similaridades de Gower (GOW);
 - Similaridades de Eskin (ESK)
 - Similaridades de Gambaryan (GAM);
 - Métricas do Tipo 2
 - Inverse Occurrence Frequency (IOF);
 - Métricas do Tipo 3
 - Similaridade de Lin (LIN);
 - Similaridade de Smirnov (SMI).

CLUSTERING

Introdução

Clustering

• Clusterização (clustering) ou agrupamento é uma das técnicas mais amplamente utilizadas para análise exploratória de dados [Shalev-Shwartz and Ben-David, 2014];

Clustering

00000000000000

- O método busca agrupar elementos similares e separar elementos dissimilares:
- A distância entre elementos de um mesmo grupo devem ser a menor possível, enquanto a distância entre elementos de grupos distintos devem ser a maior possível.

Clustering

- Uma das dificuldades da clusterização é que o processo pode ser entendido como uma relação de equivalência²
 - Dentre as características das relações de equivalência, destaca-se a transitividade;
 - Para transformar uma relação não transitiva em um relação transitiva é necessário adicionar novos elementos³;
 - No entanto, a medida em que novos elementos são adicionados à relação, esta precisa ser revisada, para verificar se os novos elementos não irão causar efeitos colaterais;
 - Novos passos podem ser necessários até que a relação se torne de equivalência ou que um limite de passos seja executado e o algoritmo termine [Shalev-Shwartz and Ben-David, 2014].

²Em matemática discreta, uma relação de equivalência deve ser simétrica, reflexiva e transitiva.

³Conceitualmente, esses elementos fazem parte de um fecho transitivo.

Clustering

- O método mais simples para criação de clusters é utilizando Algoritmos de Clusterização Baseados em Ligação⁴;
- Outro método popular é a definição de uma função de custo, com objetivo de encontrar uma partição (cluster) de menor custo possível [Shalev-Shwartz and Ben-David, 2014]
 - Nesta técnica, destaca-se o algoritmo k-means;
 - Outros algoritmos similares, como k-medoides, k-median e k-modes também são utilizados.

⁴Tradução direta do inglês: Linkage-Based Clustering Algorithms.

Linkage-Based Clustering Algorithms

- Esses algoritmos realizam em uma sequência de iterações;
- Começam com um agrupamento trivial, considerando cada ponto no conjunto de dados como um *cluster* de um único elemento:
- Repetidamente, adicionam *clusters* "mais próximos", fazendo fusão de *clusters*
 - Consequentemente, o número de *clusters* diminui a cada iteração;
 - Parâmetros são utilizados para definir a distância máxima entre clusters e limitar o número máximo de iterações [Shalev-Shwartz and Ben-David, 2014].

- A distância d entre elementos avaliados pelos algoritmos de clusterização podem ser calculadas de diversas formas: [Shalev-Shwartz and Ben-David, 2014]
 - Single Linkage Clustering: a distância entre *clusters* é definida como a distância mínima entre membros de dois *clusters*;
 - Average Linkage Clustering: a distância entre clusters é definida como a distância média entre um ponto em um dos clusters e um ponto no outro cluster;
 - Max Linkage Clustering: a distância entre *clusters* é definida como a distância máxima entre seus elementos.

Linkage-Based Clustering Algorithms

- Os algoritmos de clusterização baseados em ligação são classificados como aglomerativos
 - Iniciam seu processo a partir de dados fragmentados;
 - Clusters adicionam novos elementos à medida em que o algoritmo é executado.
- São critérios de parada dos algoritmos de clusterização: [Shalev-Shwartz and Ben-David, 2014]
 - Número fixo de clusters:
 - Distância máxima entre clusters.

Nota: Além dos algoritmos aglomerativos, existem ainda algoritmos divisivos, no qual o procedimento inicia com um cluster de tamanho máximo, que é dividido durante as iterações.

- O algoritmo k-means é um método de clusterização com objetivo de particionar n elementos em k grupos, de modo que cada elemento pertença ao grupo mais próximo da média
 - É definida uma função de custo e cada cluster deve ter custo mínimo;
 - O problema de clusterização é transformado em um problema de otimização;
 - O problema pode ser classificado como NP-difícil, porém, existem heurísticas comumente empregadas para solução mais rápida [Shalev-Shwartz and Ben-David, 2014].

- O algoritmo *k*-means requer a definição à priori da quantidade de *clusters* que serão utilizados para separação dos grupos;
- O algoritmo pode ser dividido nas seguintes etapas:
 - Inicialização;
 - 2 Atribuição de Elementos aos Clusters;
 - Movimentação de Centroides;
 - Otimização dos Centroides:

Inicialização

- São escolhidos o número de clusters k:
- São escolhidas k posições aleatórias no espaço de dados;
- Os centros de cada um dos k clusters são associadas às k posições aleatórias escolhidas
 - Os pontos centrais dos *clusters* são chamados de centroides.
- Atribuição de Elementos aos Clusters
 - Para cada elemento do conjunto de dados, são computadas as distâncias (Euclidianas) em relação aos centroides;
 - Cada elemento é atribuído ao centroide mais próximo [Marsland, 2014].

- Movimentação de Centroides
 - Após atribuição de elementos, a posição dos centroides é recalculada:
 - O novo ponto médio é definido como o valor médio entre os elementos do cluster [Marsland, 2014].



Fonte: [Santana, 2017]

Otimização dos Centroides

Similaridade

- O algoritmo executa repetidamente a atribuição de elementos ao cluster e a movimentação de centroides;
- O algoritmo finaliza quando o centro do *cluster* para se mover ou quando o algoritmo atinge algum critério de parada.

Avaliação de Desempenho e Uso

- Após o término do aprendizado, o algoritmo pode ser avaliado em um conjunto de testes para análise de desempenho;
- O algoritmo também pode ser aplicado diretamente a uma situação real, de forma a classificar elementos [Marsland, 2014].

Introdução

• O algoritmo k-means pode ser resumido em:

The k-Means Algorithm

Initialisation

- choose a value for k
- choose k random positions in the input space
- assign the cluster centres μ_i to those positions

· Learning

repeat

- * for each datapoint x:
 - · compute the distance to each cluster centre
 - · assign the datapoint to the nearest cluster centre with distance

$$d_i = \min_i d(\mathbf{x}_i, \boldsymbol{\mu}_j).$$

- * for each cluster centre:
 - · move the position of the centre to the mean of the points in that cluster (N_i is the number of points in cluster i):

$$\boldsymbol{\mu}_j = \frac{1}{N_j} \sum_{i=1}^{N_j} \mathbf{x}_i$$

- until the cluster centres stop moving

Usage

- for each test point:
 - * compute the distance to each cluster centre
 - * assign the datapoint to the nearest cluster centre with distance

$$d_i = \min_i d(\mathbf{x}_i, \boldsymbol{\mu}_j).$$

Fonte: [Marsland, 2014]

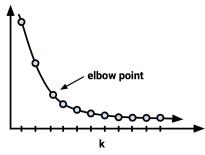
Algoritmo k-means - Escolha Parâmetro k

- Como informado previamente, o algoritmo k-means precisa, obrigatoriamente, de um valor fixo k;
 - Em alguns problemas o número de clusters já é previamente definido:
 - No entanto, em alguns cenários, o número de clusters precisa ser descoberto pelo próprio algoritmo:
- Em problemas sem um valor de k previamente definido, como escolher, de forma ideal, a quantidade de *clusters*?
 - Uma regra prática é utilizar o Elbow Method⁵.

⁵Tradução literal: "Método do Cotovelo".

Elbow Method

- O Elbow Method é uma heurística para determinar o número de *clusters* em uma base de dados:
 - Consiste em variar o número de *clusters*, e testar a variância dos dados;
 - Os registros são plotados em um gráfico e é escolhido o ponto que representa o "cotovelo (ou joelho)" da curva.



Fonte: [Santana, 2017]

- k-medoids, k-median e k-modes são variações do k-means, usando métricas diferentes para definição dos centroides:
 - k-medoids:
 - Utiliza um exemplar (medoid) como centro do cluster;
 - Possui como vantagem a melhor interpretabilidade do centro do cluster, uma vez que o ponto representa um elemento real, e não um local onde pode não haver nenhum elemento;
 - *k*-median:
 - Calcula a mediana para definição dos centroides;
 - Possui como vantagem a minimização da distância L₁ (1-norm ou City Block) e a menor susceptibilidade a ruídos;
 - k-modes:
 - Utiliza a moda para definição do centroide;
 - Para alguns cenários pode ser usado para representar os elementos mais comuns

SEGMENTAÇÃO USANDO k-MEANS

- O algoritmo k-means é um método de clusterização com objetivo de particionar n elementos em k grupos, de modo que cada elemento pertença ao grupo mais próximo da média
 - No contexto do processamento de imagens, o *k*-means pode ser utilizado para segmentar imagens;
 - O *k*-means será utilizado para calcular a similaridade entre pixels ou conjuntos de pixels, agrupando em segmentos por similaridade.

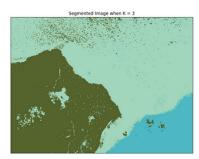
Similaridade

- O algoritmo k-means para segmentação, assim como o algoritmo original, pode ser dividido nas seguintes etapas:
 - Inicialização;
 - Atribuição de Elementos aos *Clusters*;
 - Movimentação de Centroides;
 - Otimização dos Centroides;

- A similaridade dos elementos pode ser definida pelo por diversos fatores, como similaridade entre os canais R. G e B. além da posição dos pixels, no plano $x \in y$;
- O cálculo da similaridade entre pixels pode ser feita de diferentes maneiras, utilizando qualquer uma das métricas previamente citadas;
 - Nessas métricas, será definida a similaridade entre os pixels.

• Um exemplo de segmentação usando k-means, para k=3pode ser vista na figura abaixo:





Similaridade

• Um exemplo de segmentação usando k-means, para k=5pode ser vista na figura abaixo:





Similaridade

• Um exemplo de segmentação usando k-means, para k=7pode ser vista na figura abaixo:





 A imagem abaixo contém outro exemplo de segmentação utilizando o k-means, para k = 6:





Fonte: [Chauhan, 2019]

 A imagem abaixo contém outro exemplo de segmentação utilizando o k-means, para k = 6:





Referências I



Cha, S.-H. (2007).

Comprehensive survey on distance/similarity measures between probability density functions. International Journal of Mathematical Models and Methods in Applied Sciences, 1(4):300–307. [Online]; acessado em 23 de Março de 2021. Disponível em: https://www.naun.org/main/NAUN/i jmmas/mmmas-49.pdf.



Chauhan, N. S. (2019).

Introduction to image segmentation with k-means clustering.
[Online]: acessado em 19 de maio de 2023. Disponível em: https:
//www.kdnuggets.com/2019/08/introduction-image-segmentation-k-means-clustering.html.



Kopec, D. (2019).

Classic Computer Science Problems in Python.
Manning Publications Co, 1 edition.



Marsland, S. (2014).

Machine Learning: An Algorithm Perspective.

CRC Press. 2 edition.

Disponível em: https://homepages.ecs.vuw.ac.nz/marslast/MLbook.html.



Richert, W. and Coelho, L. P. (2013).

Building Machine Learning Systems with Python.

Packt Publishing Ltd., 1 edition.

Referências II



Santana, F. (2017).

Entenda o algoritmo k-means e saiba como aplicar essa técnica.

https://minerandodados.com.br/entenda-o-algoritmo-k-means.

[Online]; acessado em 24 de Março de 2021. Disponível em:



Santos, T. (2014).

Uma Análise comparativa de Medidas de Similaridade para Agrupamento de dados Categóricos.

PhD thesis, Pontifícia Universidade Católica de Minas Gerais- Programa de Pós-Graduação em Informática. [Online]; acessado em 23 de Março de 2021. Disponível em:

http://www.biblioteca.pucminas.br/teses/Informatica_SantosTRL_1.pdf.



Shalev-Shwartz, S. and Ben-David, S. (2014).

Understanding Machine Learning: From Theory to Algorithms.

Cambridge University Press, 1 edition.

Disponível em: http://www.cs.huii.ac.il/shais/UnderstandingMachineLearning.