

#### Subsecretaría de Prevención y Promoción de la Salud Dirección General de Epidemiología

Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos "Dr. Manuel Martínez Báez" (InDRE)

Ciudad de México, 30 JUI

20

Oficio No. DGE-DSAT-11024

Asunto: Informe de evaluación comparativa preliminar.

Federico Guillermo Lozano Blackaller Director General Kabla Comercial, S. A. de C.V.

Calle Loma Blanca No. 2900, Col. Deportivo Obispado Monterrey C.P. 64040, Nuevo León

### Presente

En respuesta a su atenta solicitud de fecha 24 de marzo de 2021, para la evaluación del producto "Flu A, Flu B & SARS-CoV-2", con números de catálogo: VS-ABC106L, VS-ABC106H, VS-ABC112L, VS-ABC112H, VS-ABC113L, VS-ABC113H, VS-ABC136, VS-ABC172, fabricado por CerTest BIOTEC, S. L., ubicado en Pol. Industrial Río Gállego II, Calle J, N° 1, 50840 San Mateo de Gállego, Zaragoza (España), se expide el siguiente resultado.

### Procedimiento de Evaluación.

Para verificar el desempeño analítico del producto "Flu A, Flu B & SARS-CoV-2" (véase Fotos 1 y 2), se utilizó el reactivo con número de referencia VS-ABC112L y número de lote ABC112L-002. La evaluación analítica consistió en la verificación de la especificidad analítica utilizando un panel comercial de diferentes virus respiratorios. La verificación del límite de detección se realizó utilizando un extracto de RNA total cuantificado (con carga viral determinada) y obtenido a partir de una muestra positiva al virus SARS-CoV-2, para los virus de influenza se realizó utilizando cultivos celulares con CT (*Cycle Threshold*) conocido, utilizando el equipo CFX96™ Touch Real-Time PCR Detection System (BIO-RAD). (véase Foto 3).





Fotos 1 y 2. Estuche de Diagnóstico "Flu A, Flu B & SARS-CoV-2"

Francisco de P. Miranda No. 177. Col. Lomas de Plateros, D.T. Alvaro Obregón, CD.MX Tel: (55) 5342 7550 y (55) 5062 1600 E.kt. 59570 y 59406 www.gob.mx/saluc



900



Foto 3. CFX96™ Touch Real-Time PCR Detection System (BIO-RAD)

El estuche "Flu A, Flu B & SARS-CoV-2" está diseñado para la detección cualitativa de RNA de Influenza A, Influenza B y/o SARS-CoV-2 en frotis nasofaríngeo y orofaríngeo de individuos sospechosos de infección respiratoria. El RNA es extraído a partir de especímenes respiratorios, posteriormente el DNA complementario es sintetizado en un solo paso y amplificado mediante PCR a tiempo real. La detección se lleva a cabo a través de la retrotranscripción y posterior amplificación a tiempo real de la secuencia diana, produciéndose ambas reacciones en el mismo pocillo. Tras el aislamiento del RNA, se sintetiza el DNA complementario a la secuencia diana gracias a la retrotranscriptasa Posteriormente la identificación de Influenza A, Influenza B y SARS-CoV-2 se lleva a cabo mediante la reacción en cadena de la polimerasa utilizando oligonucleótidos específicos y una sonda marcada con fluorescencia que hibridan con una región diana conservada del gen M1 para Influenza A y B con dos regiones diana conservada del gen N (N1 y N2) para SARS-CoV-2. Cuenta con un control interno endógeno (gen RNase P presente en el DNA humano) para controlar el proceso de extracción y/o descartar la inhibición de la actividad polimerasa.

# Resultados del Desempeño Analítico.

### Sensibilidad (límite de detección).

Se analizaron diferentes concentraciones del extracto de RNA cuantificado, utilizando tres réplicas por cada valor de concentración. Los resultados obtenidos fueron los siguientes:

Tabla 1. Verificación de la sensibilidad

| Blanco genético viral<br>de SARS-CoV-2 | Resultado esperado   | Resultado observado      |                                 |
|--|----------------------|--------------------------|---------------------------------|
|  | Concentración        | Concentración<br>teórica | % Positivos / total de réplicas |
| Gen N (N1 y N2)                        | 10 copias / reacción | 10 copias /<br>reacción  | 0/3 (0)                         |

Francisco de P. Miranda No. 177, Col. Lomas de Plateros, D.T. Álvaro Obregón, CD.MX Tel: (55) 5342 7550 y (55) 5062 1600 Ekt. 59570 y 59406 www.gob.mx/salud



Para estimar la sensibilidad de los virus de influenza se utilizaron extractos de RNA obtenidos a partir de muestras de cultivos con valores de CT (Cycle Threshold) conocidos y determinados por las pruebas de detección y referencia. Los resultados de reactividad fueron los siguientes:

Tabla 2. Comparación de sensibilidad en la detección de los virus influenza

| Influenza A H1N1pdm09                    |   | Influenza B linaje Victoria.             |   |
|--|---|--|---|
| Valor de CT<br>teórico de la<br>dilución | % Positivos "Flu A, Flu B & SARS-CoV-2" / total de replicas | Valor de CT<br>teórico de<br>la dilución | % Positivos "Flu A, Flu B & SARS-CoV-2" / total de replicas |
| 23.2                                     | 3/3 (100)   | 27.4                                     | 3/3 (100)   |
| 26.6                                     | 3/3 (100)   | 30.7                                     | 3/3 (100)   |
| 30.6                                     | 3/3 (100)   | 34.0                                     | 3/3 (100)   |
| 33.9                                     | 3/3 (100)   | 37.3                                     | 3/3 (100)   |
| 37.6*                                    | 3/3 (100)   | 38.5*                                    | 3/3 (100)   |

<sup>\*</sup>Diluciones con valor de CT cercano a los límites de detección de las pruebas de referencia del laboratorio.

# Repetibilidad:

Se analizaron diferentes concentraciones del extracto de RNA cuantificado, utilizando tres réplicas en un análisis hecho por el mismo operador, con el mismo lote de reactivos. Los resultados obtenidos fueron los siguientes:

Tabla 3. Verificación de la repetibilidad

| Blanco genético viral<br>de SARS-CoV-2 | Concentración            | Positivos /<br>total de réplicas | % Positivos |
|--|--------------------------|----------------------------------|-------------|
| Gen N (N1 y N2)                        | 10,000 copias / reacción | 3/3                              | 100         |
|  | 1,000 copias / reacción  | 3/3                              | 100         |
|  | 250 copias / reacción    | 3/3                              | 100         |

# Especificidad.

Se utilizó el panel de verificación NATtrol™ Respiratory Verification Panel 2 ma ZeptoMetrix Corporation con número de catálogo NATRVP2.1-BIO. Los resultados fue

Francisco de P. Miranda No. 177, Col. Lomas de Plateros, D.T. Álvaro Obregón, CD.MX Tel: (55): 5342 7550 y (55): 5062 1600 Ext. 59570 y 59406 www.gob.mx/salud



# Tabla 4. Verificación de la especificidad

| Clave | Resultado de la técnica estándar del InDRE | Resultado observado<br>"Flu A, Flu B & SARS-CoV-2" |
|-------|--|--|
| 1     | Virus parainfluenza tipo 2                 | RNA molde diana no Detectado                       |
| 2     | Virus parainfluenza tipo 1                 | RNA molde diana no Detectado                       |
| 3     | Influenza B cepa B/Florida/02/06           | Influenza B RNA Detectado                          |
| 4     | Influenza A H1N1pdm cepa A/NY/02/09        | Influenza A RNA Detectado                          |
| 5     | Influenza A H3 cepa A/Brisbane/10/07       | Influenza A RNA Detectado                          |
| 6     | Influenza AH1/ New Cal                     | Influenza A RNA Detectado                          |
| 7     | Coronavirus NL63                           | RNA molde diana no Detectado                       |
| 8     | Adenovirus tipo 3                          | RNA molde diana no Detectado                       |
| 9     | Adenovirus tipo 1                          | RNA molde diana no Detectado                       |
| 10    | Virus sincicial respiratorio A2            | RNA molde diana no Detectado                       |
| 11    | Virus parainfluenza tipo 4                 | RNA molde diana no Detectado                       |
| 12    | Virus parainfluenza tipo 3                 | RNA molde diana no Detectado                       |
| 13    | Rhinovirus 1A                              | RNA molde diana no Detectado                       |
| 14    | Metapneumovirus 8 cepa Peru6-2003          | RNA molde diana no Detectado                       |
| 15    | Coronavirus 229E                           | RNA molde diana no Detectado                       |
| 16    | Coronavirus OC43                           | RNA molde diana no Detectado                       |
| 17    | Adenovirus tipo 31                         | RNA molde diana no Detectado                       |
| 18    | Coronavirus HKU-1                          | RNA molde diana no Detectado                       |
| 19    | B. pertussis cepa A639                     | RNA molde diana no Detectado                       |
| 20    | B. parapertussis cepa A747                 | RNA molde diana no Detectado                       |
| 21    | C. pneumoniae cepa CWL-029                 | RNA molde diana no Detectado                       |
| 22    | M. pneumoniae cepa M129                    | RNA molde diana no Detectado                       |
| 23    | SARS-CoV-2                                 | SARS-CoV-2 RNA Detectado                           |
| 24    | Negativo                                   | RNA molde diana no Detectado                       |

Francisco de P. Miranda No. 177, Col. Lomas de Plateros, D.T. Álvaro Obregón, CD,MX. Tel: (55) 5342 7550 y (55) 5062 1600 E d. 59570 y 59406 www.gob.rny/salud



#### Validez externa.

Se analizaron los paneles de referencia AMPLIRUN® RNA CONTROL: SARS-CoV-2 (MBC137-R), INFLUENZA A H1N1 (MBC082) e INFLEUNZA B (MBC030) marca vircell. Los resultados obtenidos fueron los siguientes:

Tabla 5. Resultados del panel de tercera opinión

| Vial | Resultado esperado        | Resultados observados     | Acuerdo |
|------|---------------------------|---------------------------|---------|
| 1    | SARS-CoV-2 Detectado      | SARS-CoV-2 RNA Detectado  | Sí      |
| 2    | Influenza AH1N1 Detectado | Influenza A RNA Detectado | Sí      |
| 3    | Influenza B Detectado     | Influenza B RNA Detectado | Sí      |

# Comentarios finales.

- Se utilizó el instructivo versión IU-ABC012enes1020 rev.00.
- No se observó concordancia entre el valor de límite de detección declarado por el fabricante y el obtenido experimentalmente en el caso del virus SARS-CoV-2.
- En el ensayo de comparación de la sensibilidad se observó una reactividad equiparable a las pruebas estándar del InDRE en el caso de los virus influenza A e influenza B.
- En el caso de los virus de influenza, el estuche demostró una reactividad equiparable a las pruebas estándar del InDRE. Sin embargo, para influenza A se observaron 1 a 2 CT mayores en comparación con la técnica de referencia, por lo cual es probable que muestras con CT mayores a 38 no puedan ser detectadas.
- Se observó concordancia entre los valores de especificidad declarados por el fabricante y los obtenidos experimentalmente.
- El estuche contiene un control interno de origen humano (RNAsaP) que garantiza la toma y conservación de la muestra.
- La mezcla de reacción se encuentra liofilizada en cada tubo, facilitando la preparación, transporte y almacenamiento del estuche.
- Se observó concordancia en los resultados obtenidos del panel de referencia.
  NATtrol Respiratory Verification Panel 2.1.

Francisco de P. Miranda No. 177, Col. Lomas de Plateros, D.T. Álvaro Obregón, CD.MX Tel: (55) 5342 7550 y (55) 5062 1600 E.t. 59570 y 59406 www.gop.my/salud



 Los resultados obtenidos en el panel de referencia AMPLIRUN® RNA CONTROL fueron concordantes.

## Validez.

Esta evaluación es provisional en apoyo a la emergencia por la pandemia de la enfermedad COVID-19, declarada por la OMS el día 11 de marzo del 2020, y será válida únicamente durante la duración de la misma. Al término de ésta, la validez de esta evaluación quedará automáticamente cancelada y será necesario realizar una evaluación completa para uso posterior.

Sin otro particular, reciba un cordial saludo.

Atentamente

Directora de Servicios y Apoyo Técnico del InDRE

Directora de Diagnóstico y Referencia del InDRE

M. en G.S. Lucía Hernández Rivas

Biol. Irma Lopez Martínez

C.c.p.

Biol. Irma López Martínez. Directora de Diagnóstico y Referencia del InDRE. Dr. Noé Escobar Escamilla. Jefe del Laboratorio de Transferencia de Métodos Moleculares del InDRE. MIBB. Hiram Olivera Díaz. Coordinador del Área de Enfermedades Emergencias y Urgentes del InDRE. Dr. José Ernesto Ramírez González. Encargado de la Unidad de Desarrollo Tecnológico e Investigación Molecular del InDRE.

Sección/Serie: 6S.17 LHR/ILM/NEE/HOD/JEPG/cgp\*/gmrr\*/maa\*

