

Reporte de vigilancia genómica del virus SARS-CoV-2 en México Distribución nacional y estatal de variantes al 04 de abril de 2022

Dirección General de Epidemiología

Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos

Unidad de Desarrollo Tecnológico e Investigación Molecular



SALUD
SECRETARÍA DE SALUD

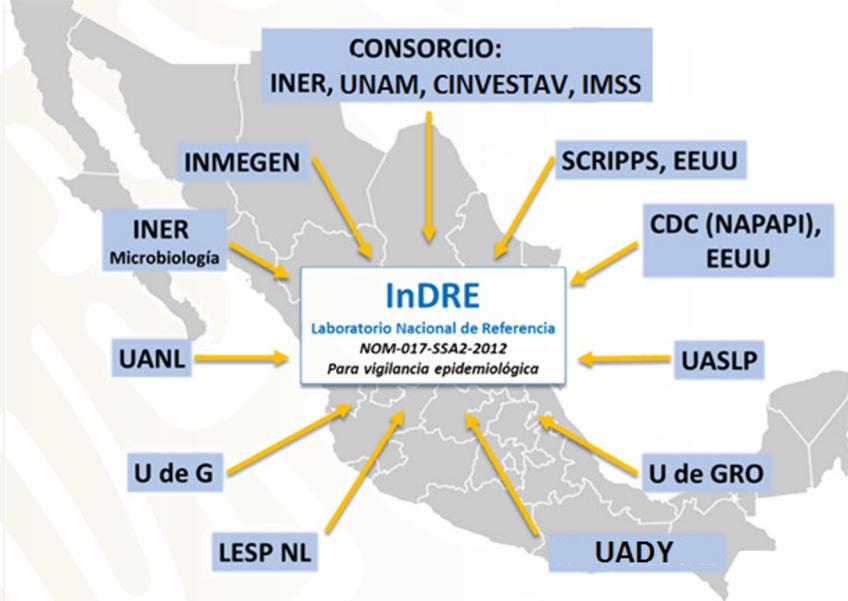


Importancia de la vigilancia genómica

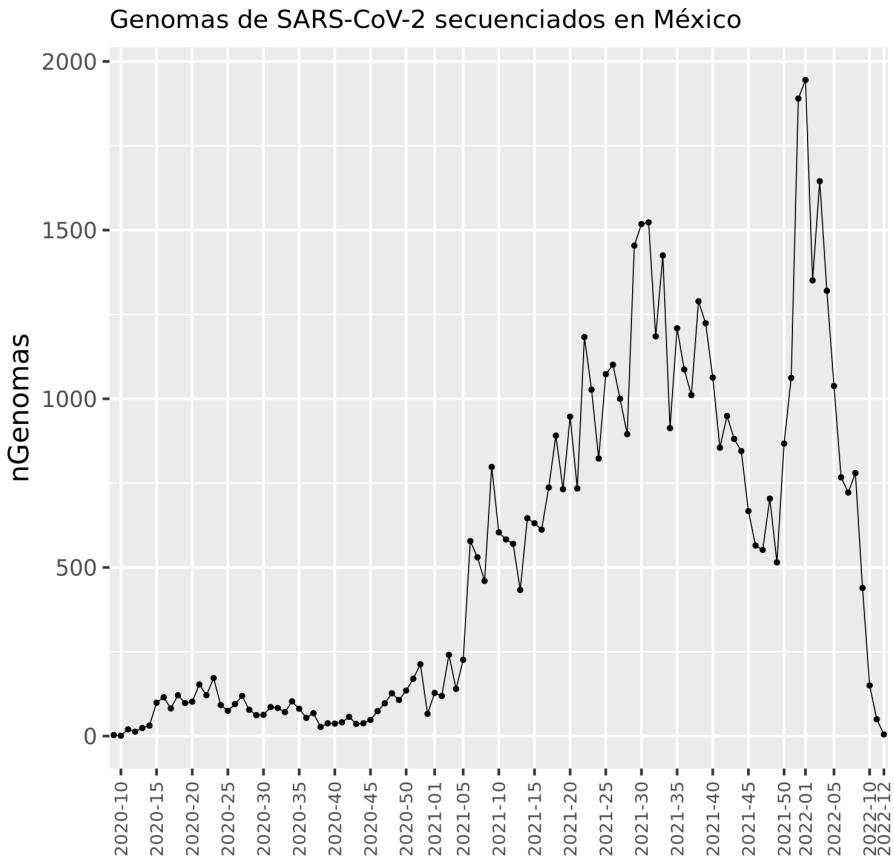
- Todos los virus cambian con el paso del tiempo, y también lo hace el SARS-CoV-2, el virus causante de la COVID-19.
- La mayoría de los cambios tienen escaso o nulo efecto sobre las propiedades del virus.
- Es importante vigilar estos cambios porque algunos pudieran influir sobre la propagación, gravedad de la enfermedad, eficacia de las vacunas o medicamentos, medios de diagnóstico u otras medidas de mitigación y control de la enfermedad.
- Actualmente existen tres clasificaciones de la Organización Mundial de la Salud sobre variantes:
 - Variantes de preocupación (VOC por sus siglas en inglés)
 - Variantes de interés (VOI por sus siglas en inglés)
 - Variantes bajo monitoreo (VUM por sus siglas en inglés)

Número de genomas estudiados en México durante la epidemia 2020-2022 de COVID-19

Al corte del 04 de abril de 2022 y análisis hasta epidemiológica 12, un total de **57,823** secuencias se d en GISAID, una iniciativa global de intercambio de vigilancia genómica de virus de influenza y el SARS-CoV



Datos tomados de la base pública GISAID <https://www.gisaid.org/>





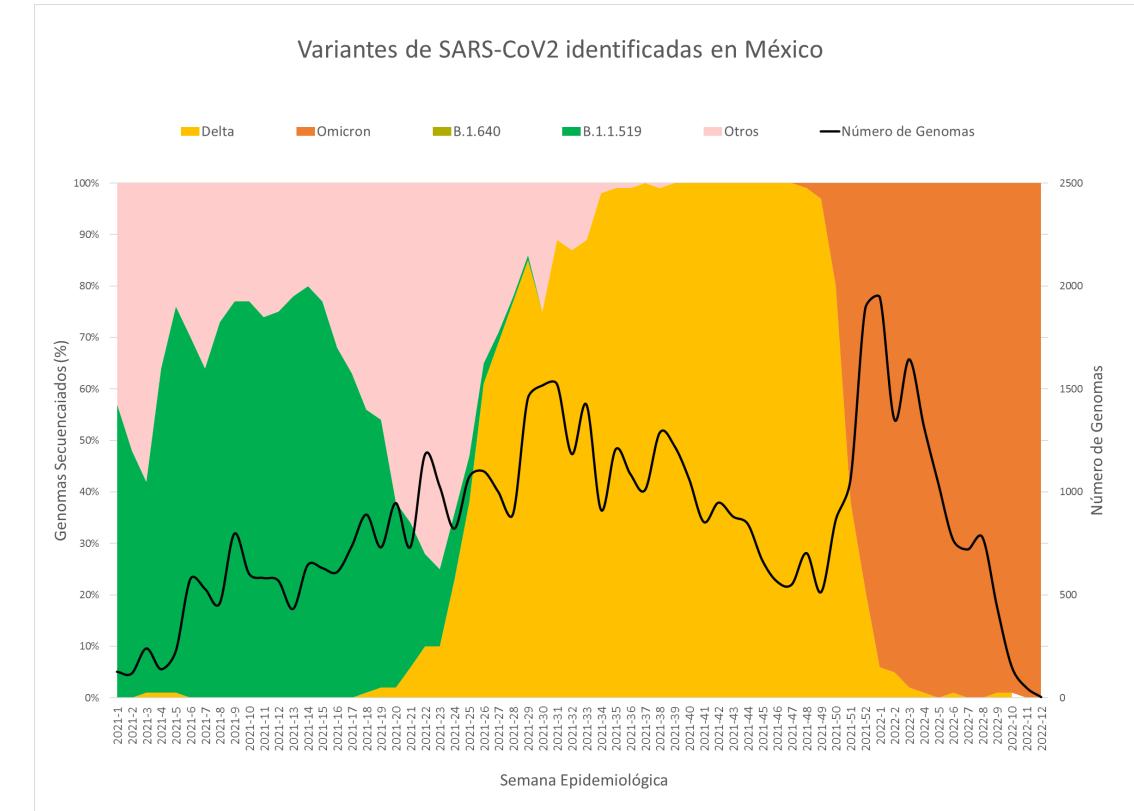
Variantes por entidad federativa: corte al 04 de abril de 2022

Datos tomados de la base pública GISAID
<https://www.gisaid.org/>

Estado	VOC		VUM	
	Delta	Omicron	B.1.640	B.1.1.519
Ciudad de México y Estado de México				
Ciudad de México	4,911	3,482	-	2,820
Estado de México	2,195	891	-	823
Frontera				
Chihuahua	667	211	-	187
Coahuila	677	91	-	52
Nuevo León	889	366	-	245
Tamaulipas	556	475	-	55
Pacífico norte				
Baja California	1,731	434	-	33
Baja California Sur	439	161	-	77
Nayarit	185	121	-	23
Sinaloa	1,205	336	-	137
Sonora	774	208	-	23
Pacífico centro				
Colima	272	92	-	27
Jalisco	810	555	-	181
Michoacán	453	200	-	96
Pacífico sur				
Guerrero	150	307	-	74
Morelos	389	106	-	228
Oaxaca	244	285	-	58
Puebla	426	254	-	588
Centro				
Hidalgo	533	320	-	130
Tlaxcala	97	60	-	45
Veracruz	800	469	-	297
Centro norte				
Aguascalientes	382	140	-	26
Durango	258	75	-	38
Guanajuato	1183	287	-	255
Querétaro	555	162	-	307
San Luis Potosí	355	144	-	104
Zacatecas	395	174	-	224
Península				
Campeche	379	128	-	69
Chiapas	353	344	-	33
Quintana Roo	667	432	-	42
Tabasco	880	436	-	280
Yucatán	1146	578	-	380
TOTALES	24,956	12,324	0	7,957

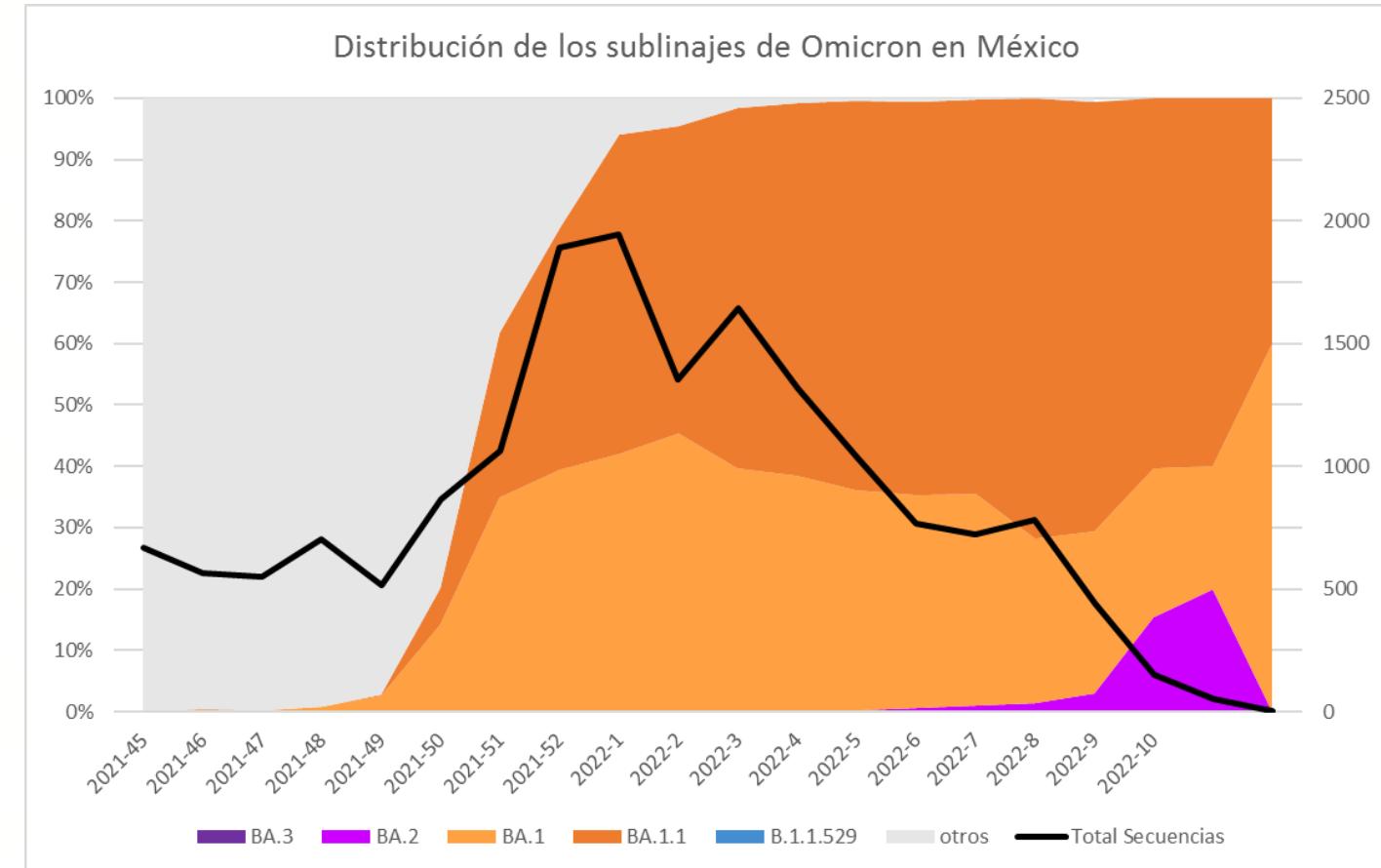
Variantes del virus SARS-CoV-2 a nivel nacional durante 2021-2022

- Semana 10 hay 150 secuencias registradas el 100% son variante Omicron.
- Semana 11 hay 50 secuencias registradas el 100% son variante Omicron.



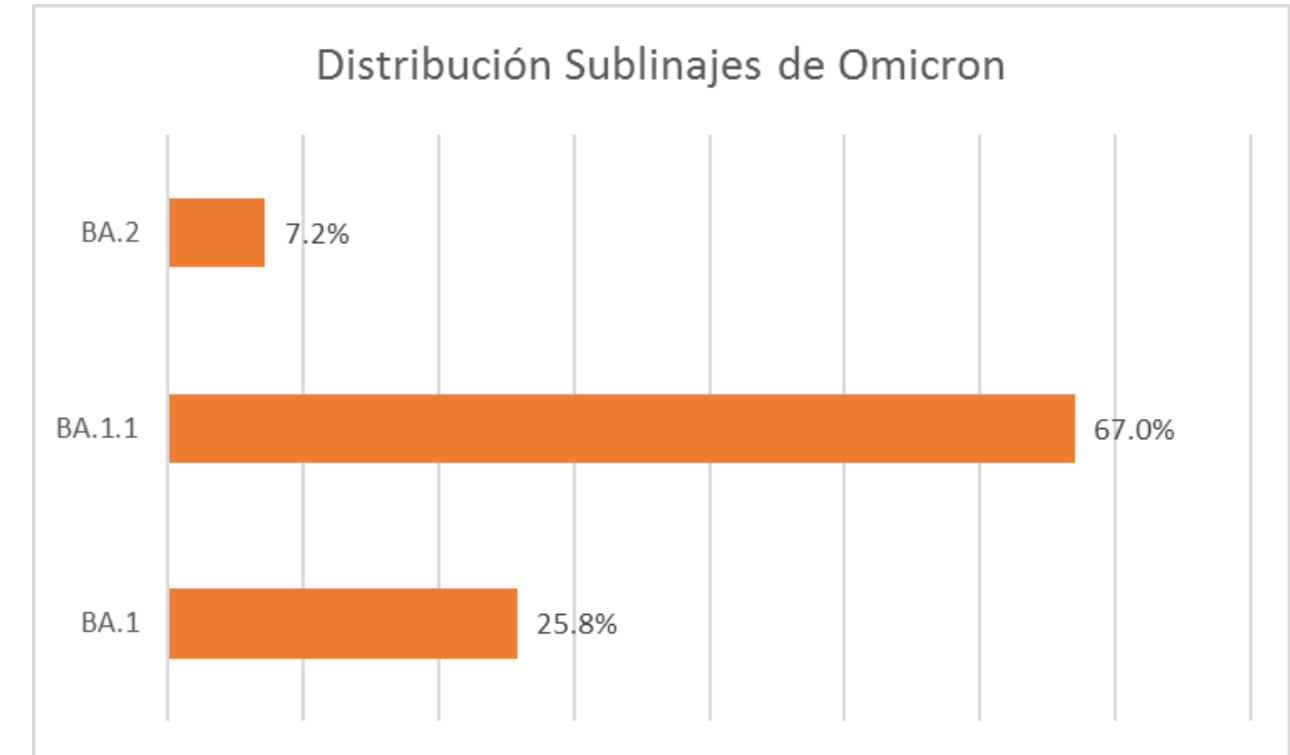
Distribución de los linajes de Omicron en México

- Semana 10 hay 150 secuencias registradas el 60% son linaje BA.1.1, el 24% BA.1 y el 15% BA.2.
- Semana 11 hay 50 secuencias registradas el 60% son linaje BA.1.1, el 20% BA.1 y 20% BA.2.



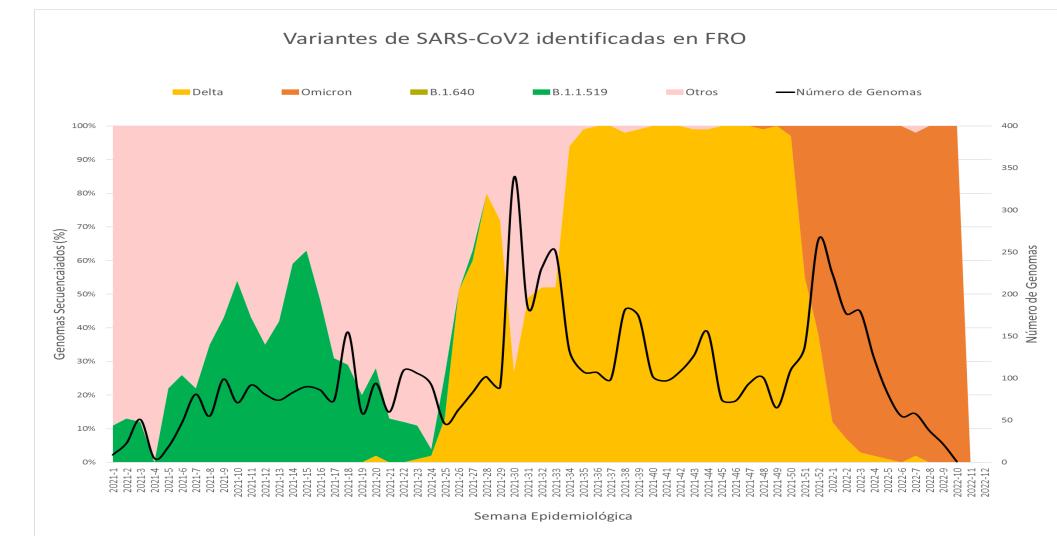
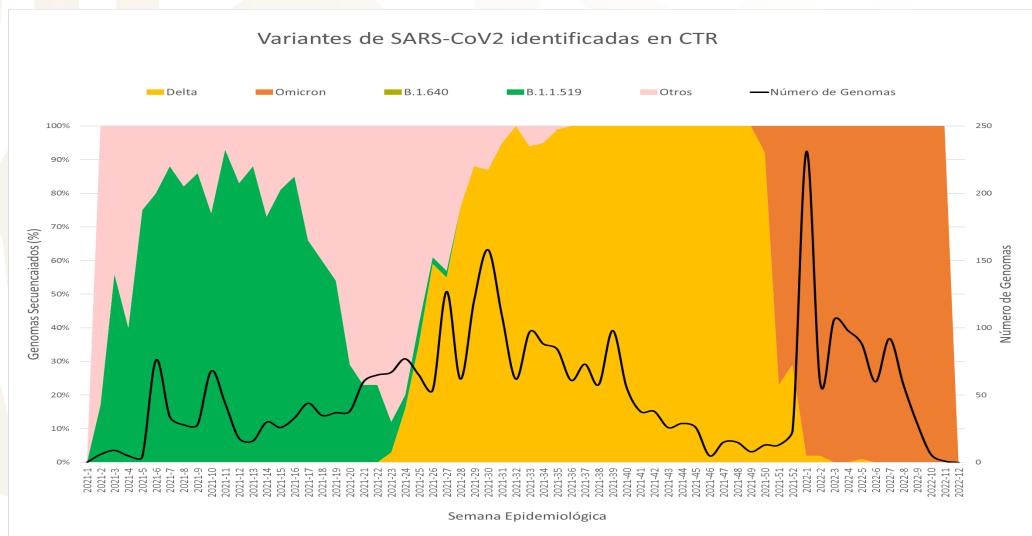
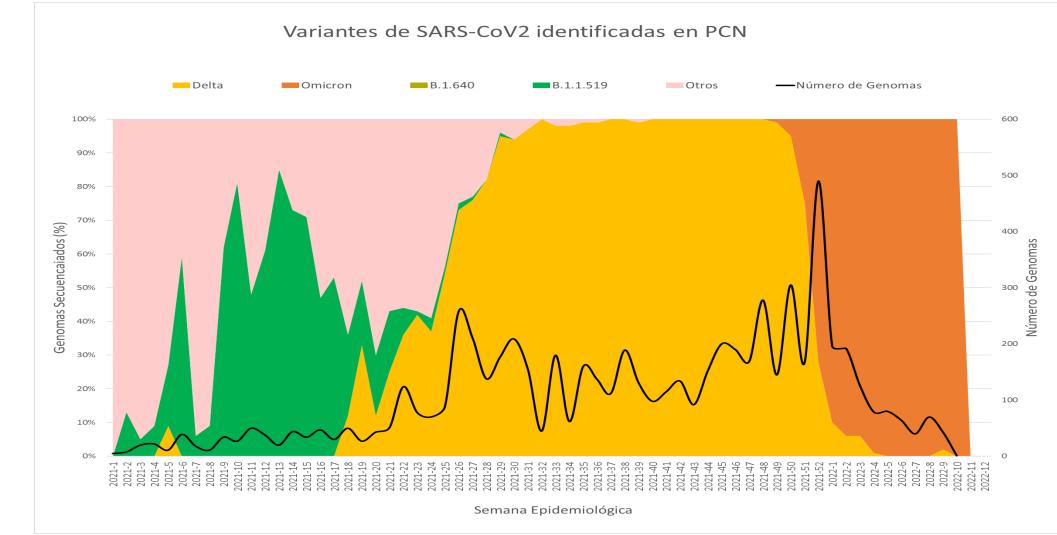
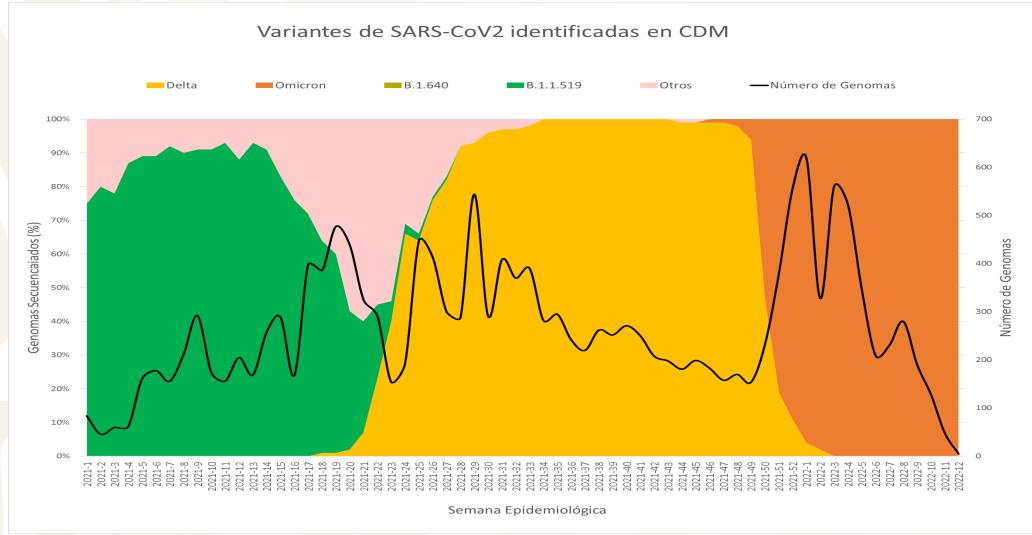
Distribución de los linajes de Omicron en México

- De la semana 09 a la 13 hay 640 secuencias registradas el 72.2% son linaje BA.1.1, el 25.5% BA.1 y el 2.3% BA.2.

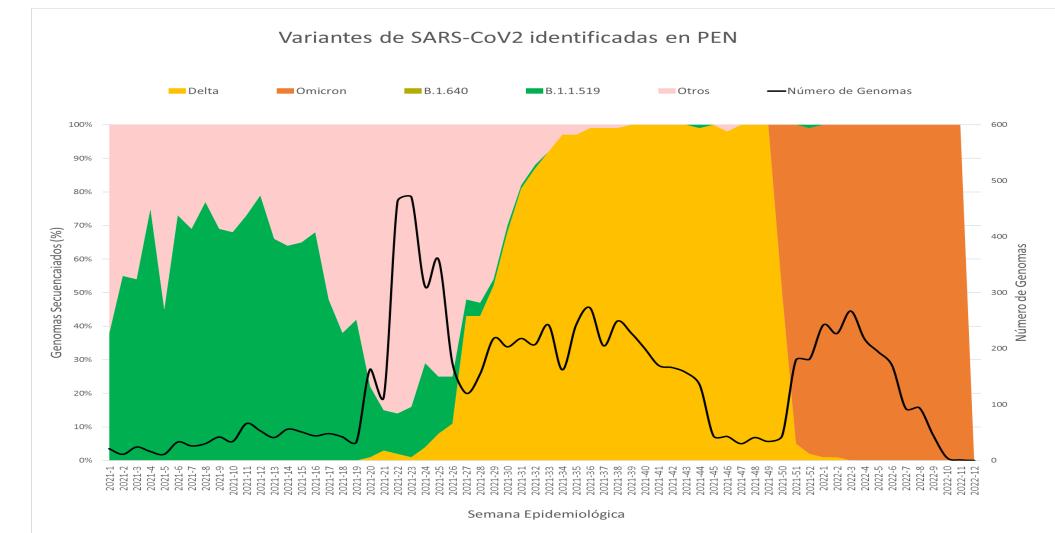
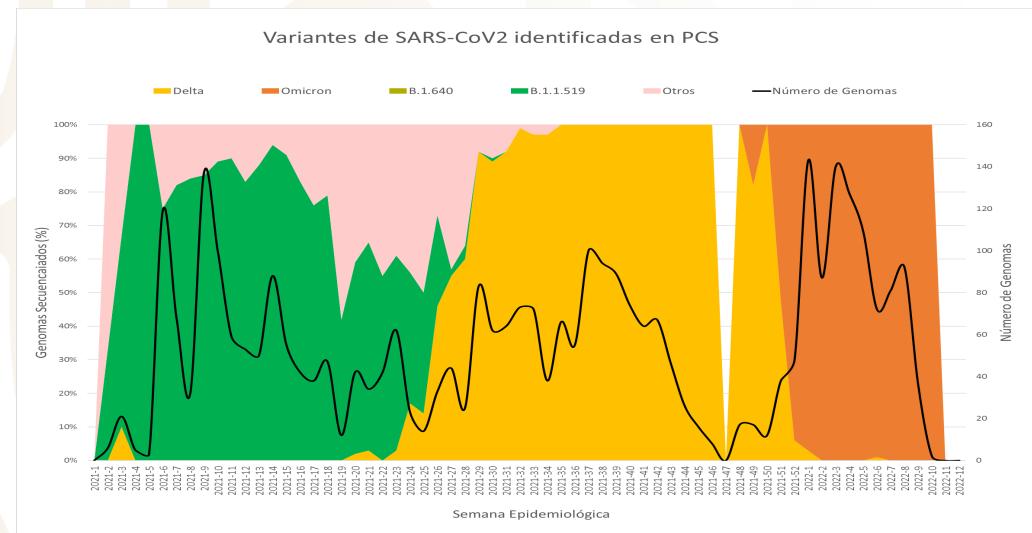
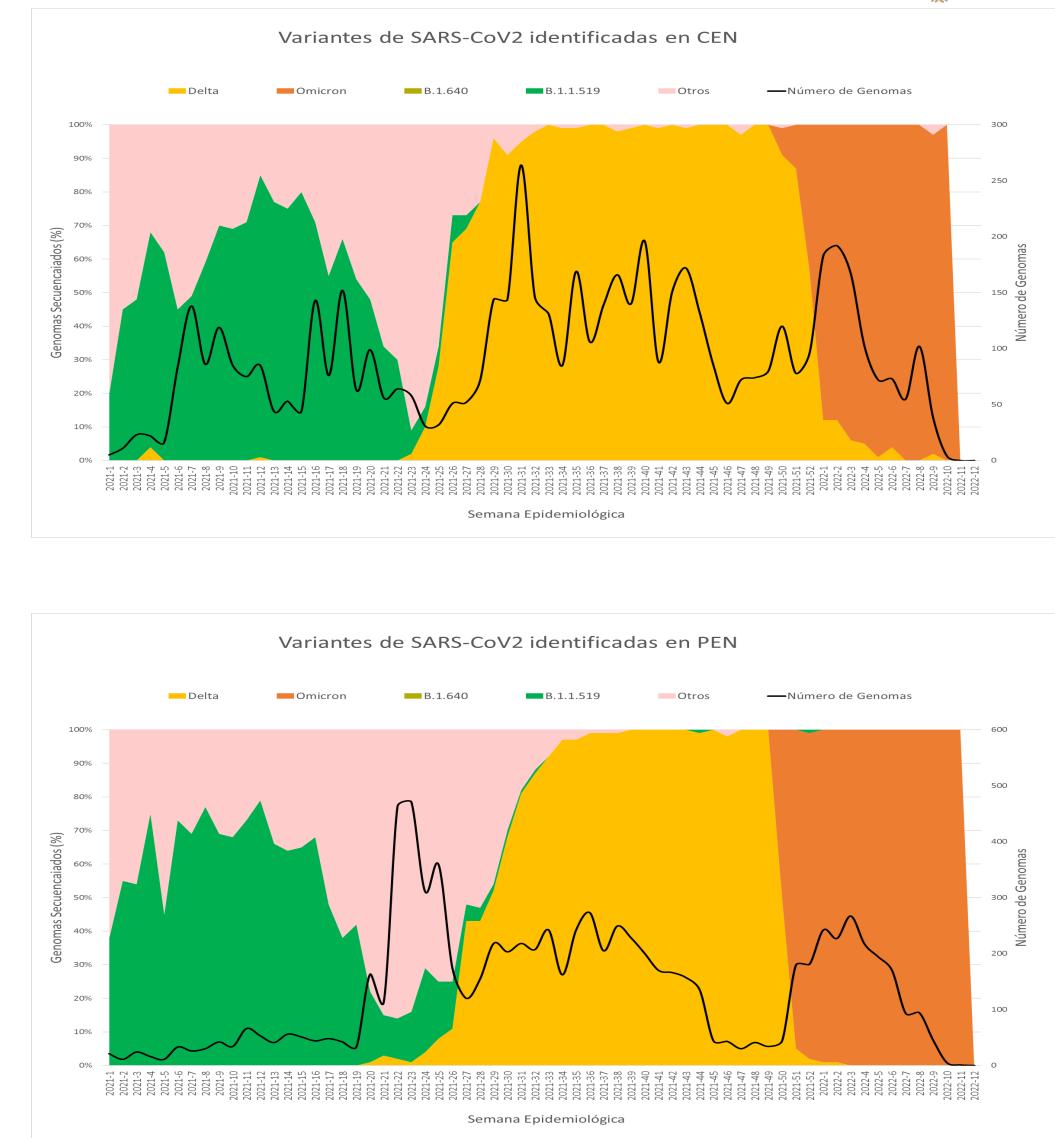
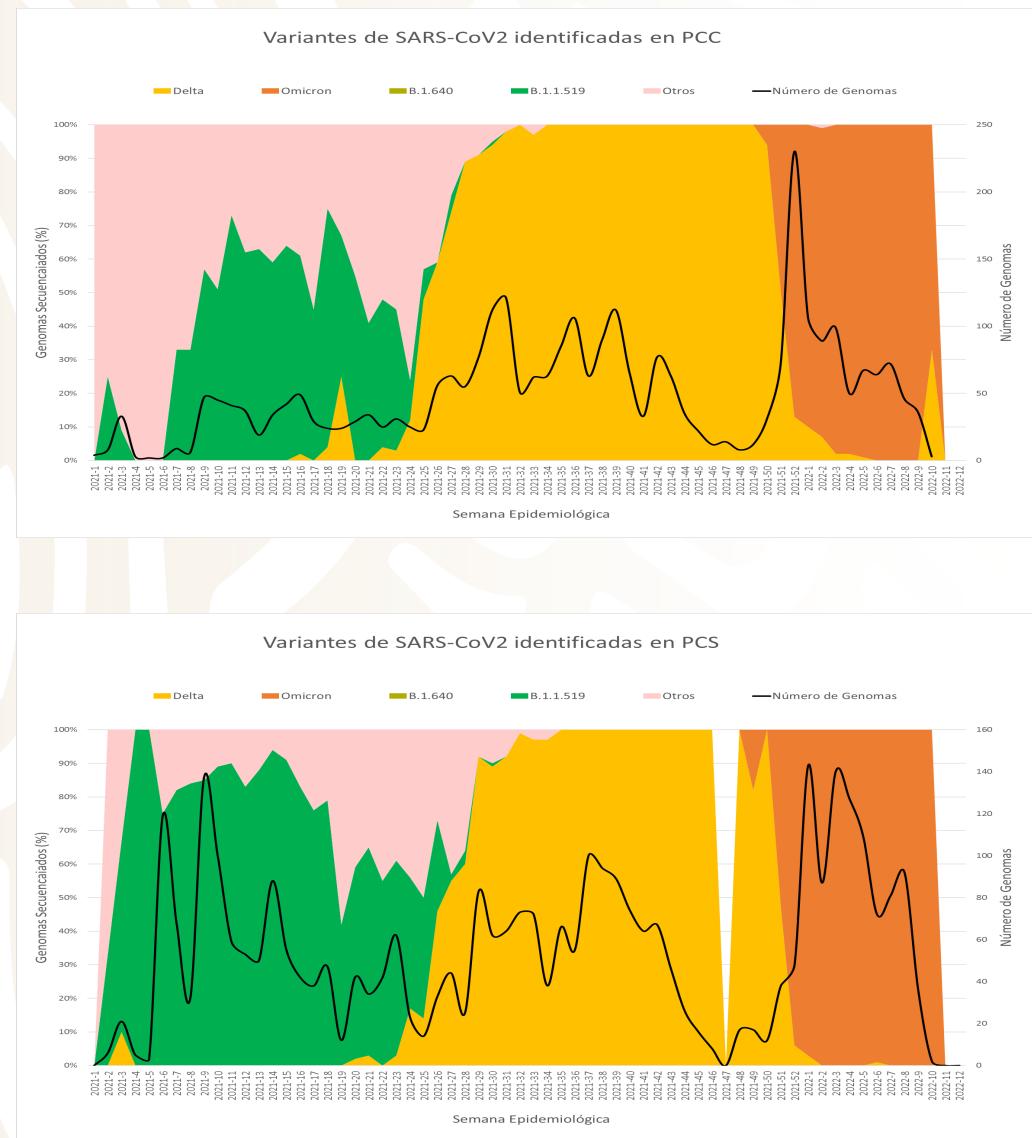


Variantes del virus SARS-CoV-2 identificadas por región en México

- Ciudad de México y Estado de México (**CDM**).
- Pacífico Norte (**PCN**) (Baja California Norte, Baja California Sur, Sonora, Sinaloa, Nayarit).
- Centro (**CTR**) (Hidalgo, Tlaxcala, Veracruz).
- Frontera (**FRO**) (Coahuila, Tamaulipas, Nuevo León, Chihuahua).
- Pacífico Centro (**PCC**) (Jalisco, Michoacán, Colima).
- Centro Norte (**CNN**) (Querétaro, Zacatecas, San Luis Potosí, Aguascalientes, Durango, Guanajuato).
- Pacífico Sur (**PCS**) (Puebla, Morelos, Guerrero, Oaxaca).
- Península (**PEN**) (Quintana Roo, Campeche, Tabasco, Yucatán, Chiapas).



Datos tomados de la base pública GISAID <https://www.gisaid.org/>



Datos tomados de la base pública GISAID <https://www.gisaid.org/>