

Reporte de vigilancia genómica del virus SARS-CoV-2 en México

Distribución nacional y estatal de variantes al 11 de julio de 2022

Dirección General de Epidemiología

Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos

Unidad de Desarrollo Tecnológico e Investigación Molecular



SALUD
SECRETARÍA DE SALUD



2022 *Ricardo Flores*
Año de *Magón*
PRECURSOR DE LA REVOLUCIÓN MEXICANA

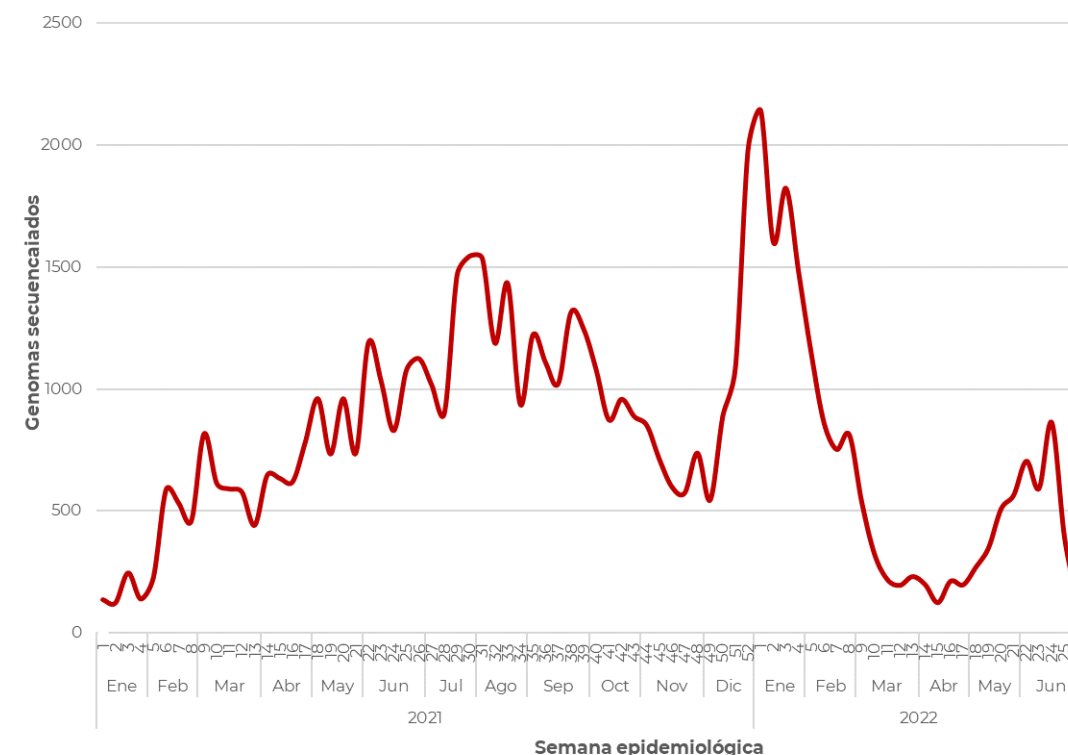
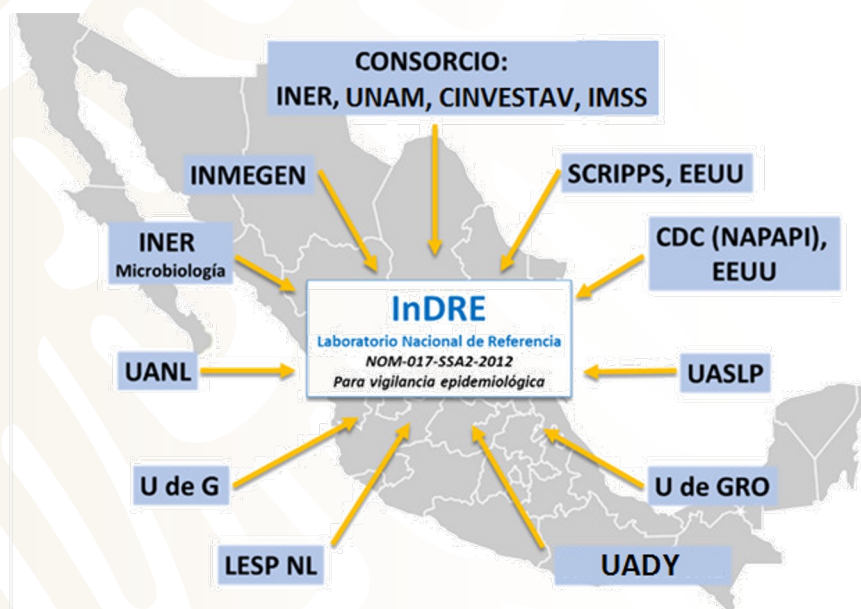
Importancia de la vigilancia genómica

- Todos los virus cambian con el paso del tiempo, y también lo hace el SARS-CoV-2, el virus causante de la COVID-19.
- La mayoría de los cambios tienen escaso o nulo efecto sobre las propiedades del virus.
- Es importante vigilar estos cambios porque algunos pudieran influir sobre la propagación, gravedad de la enfermedad, eficacia de las vacunas o medicamentos, medios de diagnóstico u otras medidas de mitigación y control de la enfermedad.
- Actualmente existen tres clasificaciones de la Organización Mundial de la Salud sobre variantes:
 - Variantes de preocupación (VOC por sus siglas en inglés)
 - Variantes de preocupación /Linajes bajo monitoreo (VOC-LUM por sus siglas en inglés)*
 - Variantes bajo monitoreo (VUM por sus siglas en inglés)

* Conformado por sublinajes de Ómicron (BA4, BA5, BA.2.9.1, BA.2.12.1, BA.2.11, BA.2.13)

Número de genomas estudiados en México durante la epidemia 2020-2022 de COVID-19

Al corte del 11 de julio de 2022 y análisis hasta la semana epidemiológica 26, un total de **65,557** secuencias se depositaron en GISAID, una iniciativa global de intercambio de datos de vigilancia genómica de virus de influenza y el SARS-CoV-2.



Variantes por entidad federativa: corte al 11 de julio de 2022

Clasificación de la Variantes de acuerdo a la OMS.

<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>

Las VOC/LUM son linajes que esta incluídos en la columna de Omicron

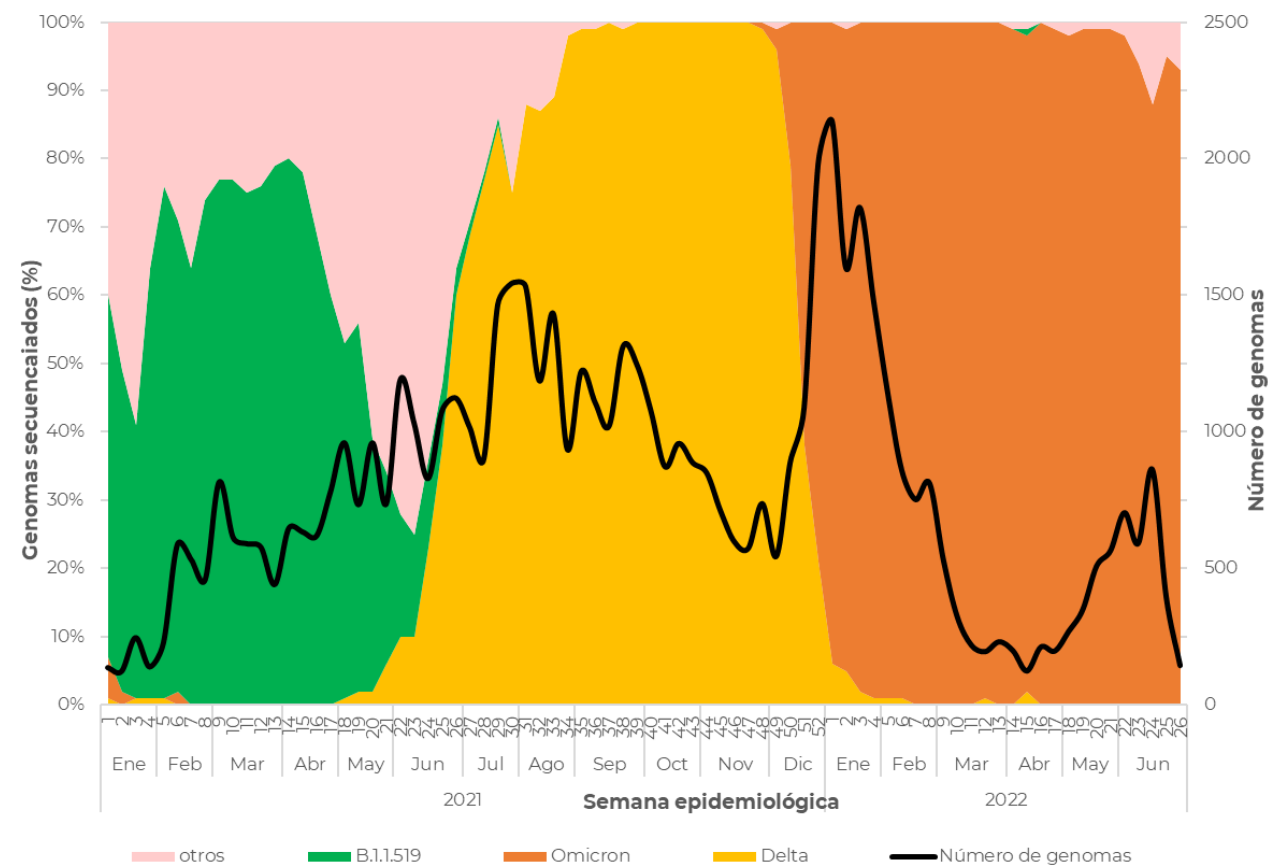
Datos tomados de la base pública GISAID

<https://www.gisaid.org/>

Estado	VOC		VOC LUMs						Sublinajes Omicron				
	Delta	Omicron	BA.4	BA.5	BA.2.12.1	BA.2.9.1	BA.2.11	BA.2.13	BA.1	BA.2	BA.3	BA.2.9	BA.2.12
Ciudad de México y Estado de México													
CDMX	4,930	-	102	269	506	-	-	4	3,805	569	-	194	3
MEX	2,225	-	28	117	201	-	-	-	1,409	232	-	61	1
Frontera													
CHH	675	-	-	2	15	-	-	1	238	13	-	-	-
COA	729	-	2	-	2	-	-	-	171	5	-	2	-
NLE	988	-	9	19	54	-	-	-	502	58	-	19	-
TAM	563	-	3	24	21	-	-	-	486	10	-	8	-
Pacífico norte													
BCN	1,732	-	3	2	53	-	-	-	695	36	-	1	2
BCS	439	-	2	-	72	-	-	-	174	68	-	30	-
NAY	186	-	-	-	3	-	-	-	124	2	-	1	-
SIN	1,209	-	-	1	41	-	-	-	447	26	-	7	-
SON	779	-	3	1	6	-	-	-	219	3	-	-	-
Pacífico centro													
COL	272	-	3	-	10	-	-	-	108	11	-	3	-
JAL	811	-	15	10	86	-	-	-	581	52	-	27	-
MIC	455	-	-	1	5	-	-	-	226	11	-	7	-
Pacífico sur													
GRO	152	-	-	6	14	-	-	-	311	6	-	4	-
MOR	390	-	1	1	13	-	-	-	121	3	-	1	-
OAX	244	-	4	14	38	-	-	-	306	23	-	19	-
PUE	425	-	4	2	24	-	-	-	311	13	-	11	-
Centro													
HID	533	-	3	1	9	-	-	-	360	9	-	5	-
TLX	97	-	-	-	3	-	-	-	63	-	-	2	-
VER	801	-	7	3	7	-	-	-	528	15	-	44	-
Centro norte													
AGS	395	-	-	-	11	-	-	-	180	12	-	4	-
DUR	269	-	6	1	9	-	-	-	79	-	-	-	-
GUA	1,231	-	3	-	25	-	-	-	332	11	-	8	-
QRO	559	-	2	3	17	-	-	1	193	17	-	4	-
SLP	357	-	-	1	0	-	-	-	151	3	-	-	-
ZAC	396	-	1	1	5	-	-	-	185	8	-	-	-
Península													
CAM	380	-	-	-	14	-	-	-	135	7	-	60	-
CHP	355	-	2	9	14	-	-	-	361	18	-	10	-
QROO	670	-	5	69	46	-	-	-	425	39	-	42	-
TAB	883	-	7	14	55	-	-	-	439	22	-	13	-
YUC	1,305	-	4	55	154	-	-	4	751	177	-	354	-
TOTALES	25,435	0	219	626	1,533	0	0	10	14,416	1,479	0	941	6

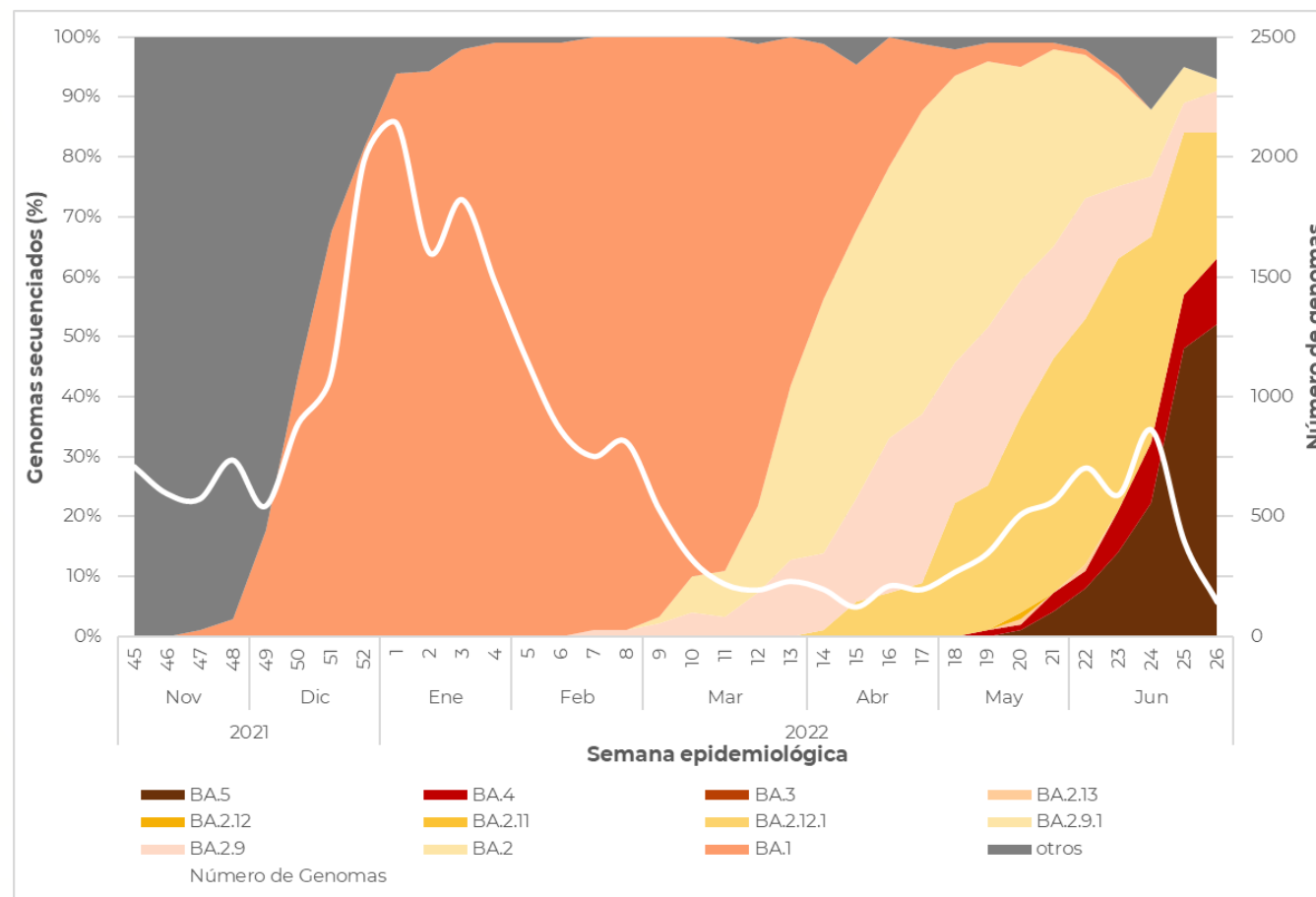
Variantes del virus SARS-CoV-2 a nivel nacional durante 2021-2022

- Semana 25 hay 396 secuencias registradas el 95% son variante Omicron, 5% otros.
- Semana 26 hay 145 secuencias registradas el 93% son variante Omicron, 7% otros.



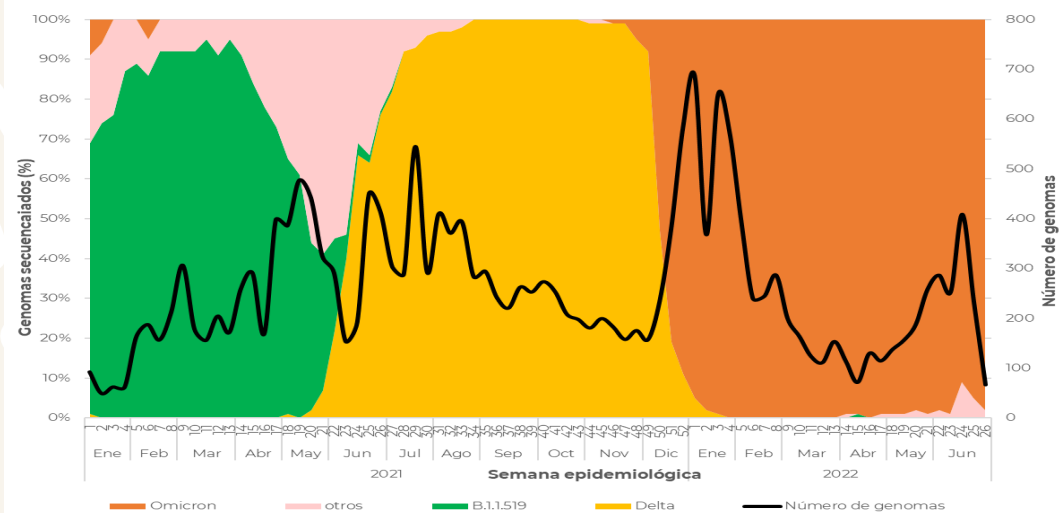
Distribución de los linajes de omicron en México

- Semana 25 hay 396 secuencias registradas el 48% son linaje **BA.5**, **BA.2.12.1** en el 27%, el 9% **BA.4**, el 6%, BA.2, el 5% BA.2.9, y otros 5%
- Semana 26 hay 145 secuencias registradas el 52% son linaje **BA.5**, **BA.2.12.1** en el 21%, **BA.4** 11%, BA.2.9 el 7%, otros el 7%, y BA.2 el 2%.

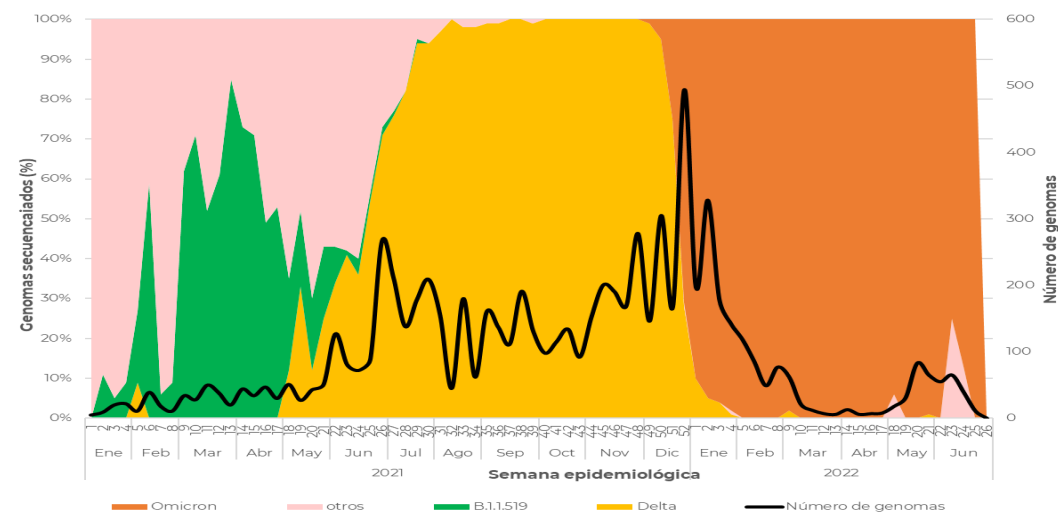




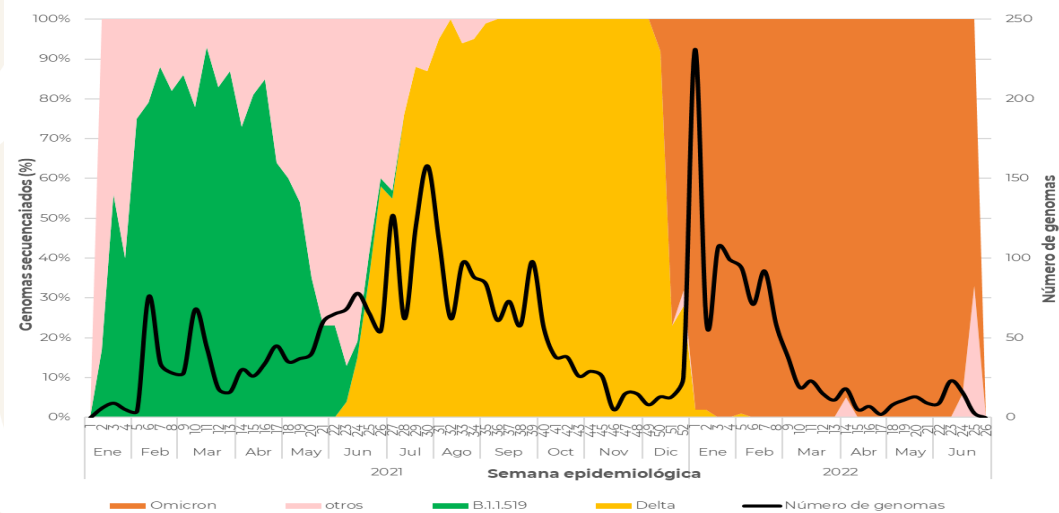
CDM



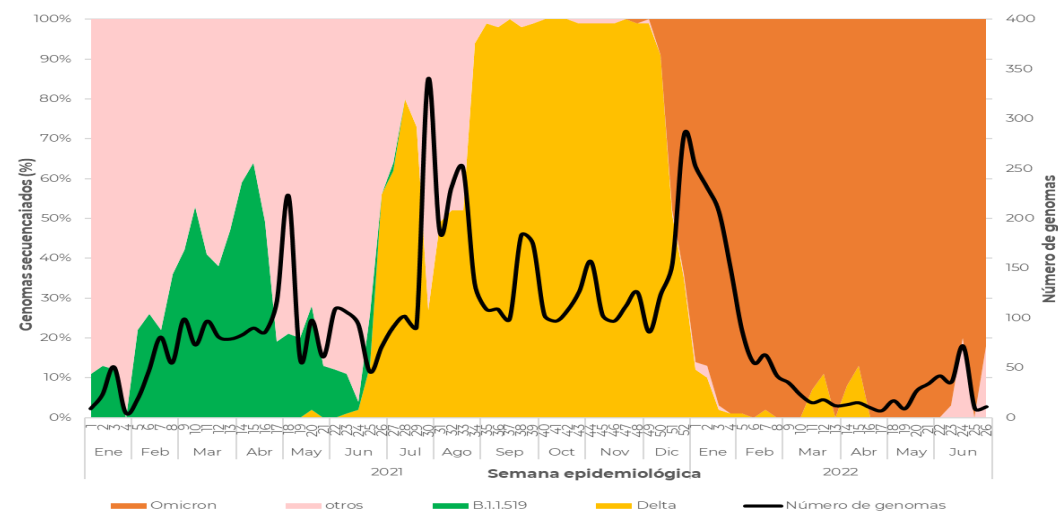
PCN



CTR

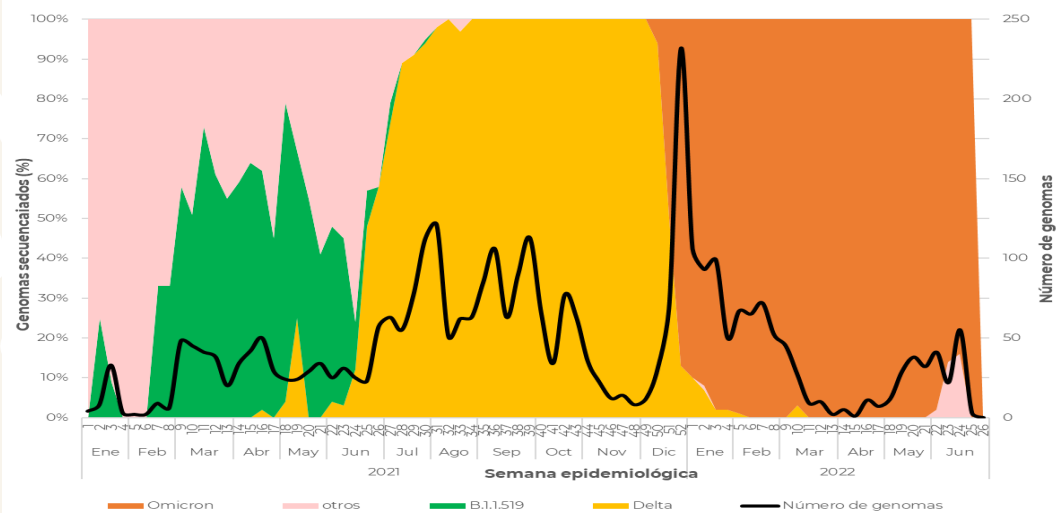


FRO

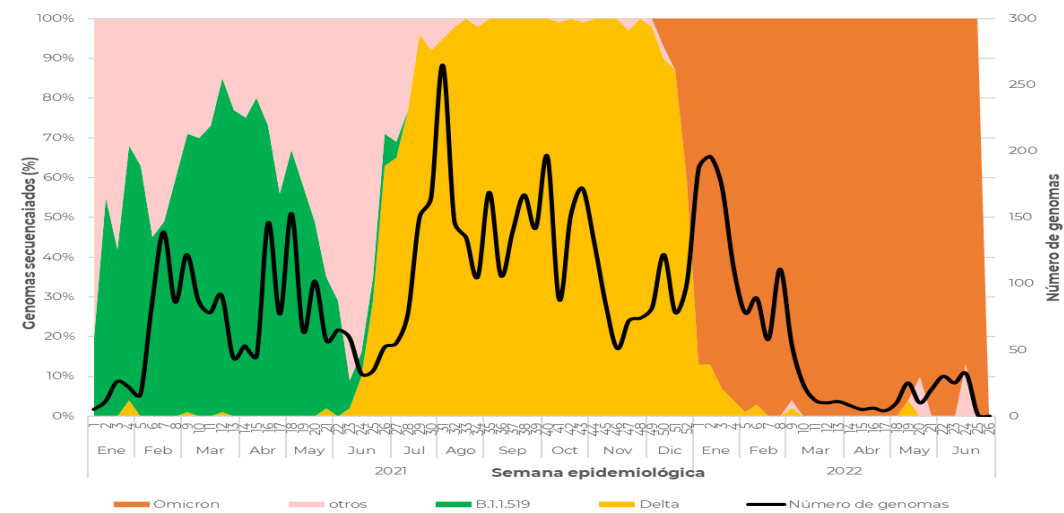




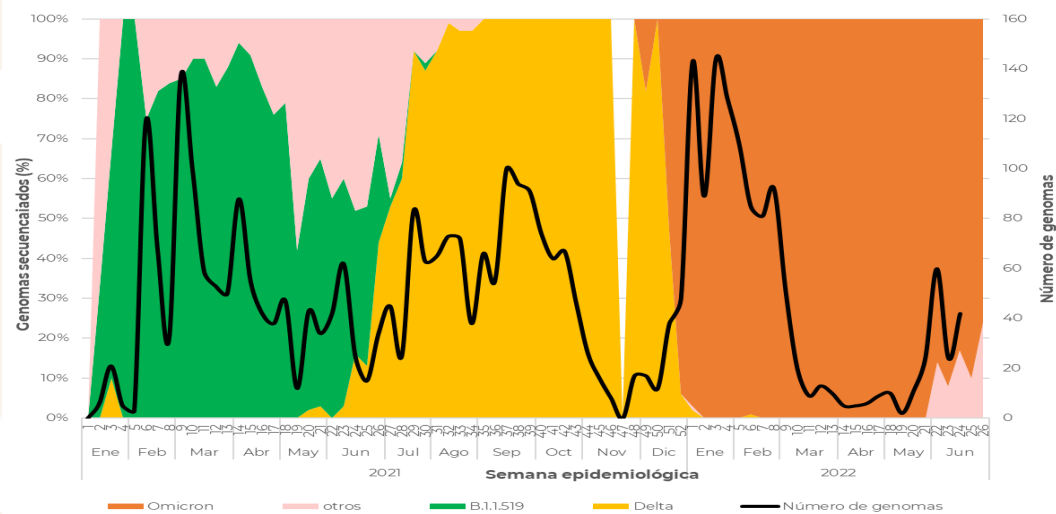
PCC



CEN



PCS



PEN

