## Variables ampliadas por text (CONCATENATION)

**Python Cheat Sheet 1** 

Para encadenar texto

categoria1 = "verde" color\_detalle = categoria1 + ' ' + 'oscuro'

print(categoria1 + ' oscuro') print(categoria1, 'oscuro') type() and isinstance()

float/int/str(variable) cambia el tipo de data/type type(variable) devuelve: class 'float/int/str'

isinstance(variable, float/int/str) comprobar el tipo de dato (devuelve True/False)

## / dividir

restar multiplicar \*\* elevar division) round(x) redondear número x

## **Operaciones Binarias**

== comprobar si valores coinciden is comprobar si valores son exacamente igual != comprobar si valores son diferentes is not comprobar si valores no son exactamente iguales > (>=) mayor que (mayor o igual que) < (<=) menor que (menor o igual que)</pre>

and ambas verdaderas or ambas o solo una verdadera in/not in comprobar si hay un valor en una lista etc.

**Metodos String** 

string.upper()z MAYUSCULAS string.lower() minusculas string.capitalize()
Primera letra de la frase en may. string.title() Primera Letra De Cada Palabra En May. string.swapcase() mINUSCULAS A mAYUSCULAS O vICEVERSA string.strip() quita espacios del principio y final

string.split() divide string en lista - por espacios por defecto, o especifica otro divisor en () string.replace("frase", "frase") remplaza la primera frase del string por el otro

".join(string) une los elementos de una lista en una string con el separador espificado en " " list(string) convierte un variable string en una

len(lista) devuelve el no. de elementos

Listas [ ] Metodos no permanentes

lista = [] crea una lista vacia

min(lista)/max(lista) saca el valor minimo y maximo

lista.count() devuelve el no. de elementos que hay en la lista de un valor determinado en los()

<mark>sorted(lista)</mark> ordenar una lista de menor a mayor lista.copy() hacer una copia de la lista

Metodos con indices

list.index(x) devuelve la indice de x en la lista lista[i] devuelve el elemento en la indice i [start:stop:step] lista[i:j:x] devuelve los elementos por el rango de i a j (incluye i pero no j) saltando por x lista[-i:-j] devuelve los elementos por los indices negativos (incluye -j pero no -i)

Listas – Acciones Permanentes

string, integer o tuple) a la lista

Ampliar una lista [lista1, lista2] junta listas pero se mantienen como

listas separadas lista1 + lista2 hace una lista mas larga

.append() lista.append(x)# añade un solo elemento (lista,

.extend() lista.extend(lista2)# añade los elementos de una lista al final de la lista

.insert()

.insert(i, x)# mete un elemento (x) en un índice(i)

Ordenar una lista .sort()

lista.sort()# ordena de menor a mayor, usar con (reverse=True) para ordenar de mayor a menor lista.reverse()# ordena los elementos al reves del orden guardado

Quitar elementos de una lista

.pop()

lista.pop(i)# quita el elemento en indice i y devuelve su valor .remove()

lista.remove(x)# quita el primer elemento de la lista

con valor x lista.clear()# vacia la lista

del lista# borra la lista

del lista[i]# borra el elemento en indice i

variable = dict(x=y, m=n) crear un diccionario

dict()

dicc.copv() crear una copia

diccionario =  $\{x:y\}$  compuestos por un key(x) unica

len(dicc) devuelve el no. de elementos (x:y) hay en el diccionario

Diccionarios { key : value , }

y un valor(y) (cualquier tipo de datos)

sorted(dicc) ordena los kevs: usar con .items() para ordenar tuplas de los elementos o .values() para ordenar los values solos

Diccionarios – Metodos

Obtener informacion de un diccionario dicc.keys() devuelve todas las keys dicc.values() devuelve todos los values dicc.items() devuelve tuplas de los key:value in/not in comprobar si existe una clave dicc.get(x, y) devuelve el valor asociado al key x, o si no existe devuelve el output y dicc["key"] devuelve el valor del key (ver abajo que tiene mas usos)

Ampliar un diccionario .update()

dicc.update({x:y})# para insertar nuevos elementos dicc["key"] = valor# para inserter un nuevo key o

valor, o cambiar el valor de un key dicc. setdefault(x, y)# devuelve el value del key x, o si no existe la key x, la crea y asigna el valor y por defecto

Quitar elementos de un diccionario

dicc.pop(x)# elimina la key x (y lo devuelve) dicc.popitem()# elimina el ultimo par de key:value dicc.clear()# vacia el diccionario

tupla = (x,y) tuplas se definen con () y , o solo ,

Tuplas (,) inmutables, indexados

tupla1 + tupla2 juntar tuplas

tuple(lista) crear tuplas de una lista tuple(dicc) crear tuplas de los keys de un diccionario

len(tupla) devuelve el no. de elementos

convertirla en una lista y luego a tupla\*

tuple(dicc.values()) crear tuplas de los values tuple(dicc.items()) crear tuplas de los key:values

in/not in comprobar si hay un elemento tupla.index(x) devuelve el indice de x tupla.count(x) devuelve el no. de elementos con valor x en la tupla \*para cambiar el contenido de una tupla hay que listzip.sort() ordena las tuplas del zip por el primer elemento

zip(iterable1, iterable2) crea una lista de tuplas de

parejas de los elementos de las dos listas (mientras se

Sets {} no permiten duplicados, no tienen orden

 $set = \{x,v\}$ set(iterable) solo permite un argumento iterable; elimina duplicados

zip()

in/not in comprobar si hay un elemento

len(set) devuelve el no. de elementos

Ampliar un set set.add(x)# añadir un elemento

[] o {} o un variable tipo lista o set Quitar elementos de un set

set.update(set o lista)# añadir uno o mas elementos con

set.pop()# elimina un elemento al azar

set.remove(x)# elimina el elemento x set.discard(x)# elimina el elemento x (y no devuelve error si no existe) set.clear()# vacia el set

**Operaciones con dos Sets** 

set1.union(set2) devuelve la union de los dos sets: todos los elementos menos dupl. set1.intersection(set2) devuelve los elementos comunes de los dos sets

set1.difference(set2) devuelve los sets que estan en set1 pero no en set2 (restar) set1.symmetric difference(set2) devuelve todos los

set1.isdisjoint(set2) comprobar si todos los elementos de dos sets son diferentes set1.issubset(set2) comprobar si todos los elementos de

set1 estan en set2 set1.superset(set2) comprobar si todos los elementos de set2 estan en set1

input() • permite obtener texto escrito por teclado del usuario

· se puede guardar en un variable por defecto se guarda como un string

elementos que no estan en ambos

x = int(input("escribe un número") para usar el variable

como integer o float se puede convertir en el variable

input("el texto que quieres mostrar al usuario")

elif para chequear mas condiciones después de un if else agrupa las condiciones que no se han cumplido; no puede llevar condiciones nuevas if x > y:

if estableca una condición para que se ejecute el código que

esta debajo del if. \*tiene que estar indentado\*

print("x es mayor que y") elif x == v: print("x es igual que y") else: print("x e y son iguales")

Sentencias de control

if ... elif ... else

repite el código mientras la condición sea True, o sea se

parará cuando la condición sea False se pueden incluir condiciones con if... elif... else \*pueden ser infinitos\* (si la condición no llega a ser

False) while x < 5:

print("x es mayor que 5")

For loops

que tiene que ser un iterable (lista, diccionario, tupla, set, or string) se pueden combinar con if ... elif ... else, while, u otro

• sirven para iterar por todos los elementos de un variable

en diccionarios por defecto intera por las keys; podemos usar dicc.values() para acceder a los values

for i in lista: print("hola mundo")

List comprehension

su principal uso es para crear una lista nueva de un un for loop en una sola línea de codigo [ lo que queremos obtener iterable condición (opcional) ]

try ... except

Se usan para evitar que nuestro código se pare debido a un error en el código. Se puede imprimir un mensaje que avisa del error. try: print("2.split()) except:

print("no funciona")

range()

nos devuelve una lista de números que por defecto se aumentan de uno en uno empezando por 0 range(start:stop:step)

se puede especificar por donde empieza y el limite (que debe

ser +1 por que se para uno antes del limite que ponemos como tambien se puede especificar saltos

**Operaciones Algebraicas** 

// divider y redondear (modulus) % resto de una division (floor

# metodos permanentes (cambia el variable, no devuelve nada)

lista

string.find("substring") encuentra el indice en que empiece el substring/'-1' si no existe el substring

string[i] devuelve el elemento en la indice i string[i:j] devuelve un rango de caracteres

Python Cheat Sheet 2	Regex	Modulos/Librerias (paquetes de funciones)	Ficheros xml	MySQL Connector/Python
Funciones	<ul> <li>una abreviatura de `expresión regular`,     `regex` es una cadena de texto que permite     crear patrones que ayudan a emparejar,</li> </ul>	Importar y usar modulos y sus funciones import modulo from modulo import funcion from modulo import funcion	<pre>import xml.etree.ElementTree as ET importa la librería xml variable_tree = ET.parse('ruta/archivo.xml') abre el archivo</pre>	Obtener resultados de una query  variable_cursor.fetchone()  devuelve el primer resultado
Definir una funcion:	localizar y gestionar strings	modulo.funcion() usar una funcion de un modulo	<pre>variable_root = variable_tree.getroot() que envuelve todo (el elemento raíz) en una lista</pre>	<pre>variable_cursor.fetchall() devuelve todos los resultados como iterable - cada fila es una tupla</pre>
<pre>def nombre_funcion(parametro1, parametro2,):     return valor del return</pre>	import re para poder trabajar con regex	<pre>modulo.clase.funcion() import modulo as md asignar un alias a un modulo</pre>	<root></root>	·
return varor_ucr_return	Operadores communes de regex		<pre><child_tag atributo1="valor" atributo2="valor"></child_tag></pre>	Pandas dataframe with SQL
Llamar una funcion:	+ coincide con el carácter precedente una o más veces	Libreria os os.getcwd() devuelve la ruta de donde estamos trabajando; se	<pre></pre>	import pandas as pd
<pre>nombre_funcion(argumento1, argumento2,)</pre>	* coincide con el carácter precedente cero o	puede guardar en un variable e.g. ruta = os.getcwd()		<pre>variable_df = pd.DataFrame(variable_resultado_fetchall, columns = ['columna1', 'columna2',]) crear un</pre>
return: es opcional, pero sin return devuelve None	más veces u opcional	os.listdir() devuelve una lista de los archivos y carpetas	<pre>variable_root.tag devuelve el nombre del tag del raiz variable root.attrib devuelve los atributos del fichero</pre>	dataframe con los resultados de una query en una variable
parametros por defecto: - siempre deben ser lo	indica cero o una ocurrencia del elemento	donde estamos trabajando <pre>os.listdir('carpeta')</pre> devuelve los contenidos de otra carpeta		<pre>variable_df.head(n) devuelve las n primeras filas del df,</pre>
ultimo	<pre>precedente . coincide con cualquier carácter individual</pre>	os.chdir('ruta') cambia la carpeta en la que estes	<pre>variable_root.find("tag").find("childtag").text la primera ocasión en que el tag de un elemento coincida</pre>	o 5 por defecto
*args: una tupla de argumentos sin limite	^ coincide con la posición inicial de cualquier	<pre>os.mkdir('nueva_carpeta') os.rename('nombre_carpeta', 'nueva_nombre') cambia el nombre</pre>	con el string	<pre>variable_df = pd.read_sql_query(variable_query, variable_cnx) convertir los resultados de la query en df</pre>
**kwargs: diccionarios cuyas keys se convierten en parámetros y sus valores en los argumentos de los	string	de una carpeta	<pre>variable_root.findall("tag").findall("childtag").text devuelve todos los elementos cuyos tag coincide</pre>	<pre>pd.read_sql(variable_query, variable_cnx)</pre>
parámetros	\$ coincide con la posición final de cualquier	os.rmdir('carpeta') borra la carpeta	devactive codos tos elementos cayos cag connetae	variable_df.to_csv("nombre_archivo.csv") guardar en csv
<pre>def nombre funcion(parametros, *args, **kwargs,</pre>	String	Libreria shutil	MySQL Connector/Python	<pre>variable_df.to_string() formatear el dato en string</pre>
parametro_por_defecto = valor)	Sintaxis básica de regex	from shutil inmport rmtree	Competent a super hand de datas	<pre>variable_df.to_latex()</pre> formatear el dato en un string que
arg/kwarg: sin */** dentro de la funcion	w cualquier caracter de tipo alfabético	rmtree('carpeta') borra la carpeta y subcarpetas	Conectar a una base de datos	facilite la inserción en un documento latex
arg[0]	<pre>\d cualquier caracter de tipo númerico \s espacios</pre>	Abrir y cerrar ficheros	<pre>import mysql.connector para importar MySQL Connector</pre>	Crear y alterar una base de datos
Llamar una funcion con *args:	\n saltos de línea	Primero hay que guardar la ruta del archivo:	<pre>pip install mysql-connector pip install mysql-connector-Python</pre>	<pre>variable_cursor.execute("CREATE DATABASE nombre_BBDD")</pre>
<pre>nombre_funcion(argumento, argumento,)</pre>	\₩ cualquier caracter que no sea una letra	ubicacion_carpeta = os.getcwd() nombre archivo = "text.txt"	<pre>connect() para conectar a una base de datos:</pre>	variable_cursor.execute("CREATE TABLE nombre_tabla
<pre>nombre_funcion(*[lista_o_tupla_de_args])</pre>	<b>\D</b> cualquier caracter que no sea un dígitos	<pre>ubicacion_archivo = ubicacion_carpeta + "/" + nombre_archivo</pre>	<pre>variable_cnx = mysql.connector.connect(user='root',</pre>	(nombre_columna TIPO, nombre_columna2 TIPO2)")
	\S cualquier elemento que no sea un espacio	<pre>f = open(ubicacion archivo) abrir un archivo en variable f</pre>	<pre>password='AlumnaAdalab', host='127.0.0.1',</pre>	<pre>variable_cursor.execute("ALTER TABLE nombre_tabla ALTERACIONES")</pre>
Llamar una funcion con **kwargs:	() aísla sólo una parte de nuestro patrón de búsqueda que queremos devolver	f.close() cerrar un archivo * IMPORTANTE *	database='nombre_BBDD')	ALTERACTORES
nombre_funcion(**diccionario)	[] incluye todos los caracteres que queremos	with open(ubicacion_archivo) as f:	<pre>from mysql.connector import errorcode importar errores</pre>	Insertar datos
	que coincidan e incluso incluye rangos como	<pre>codigo e.g. variable = f.read() abre el archivo solo para ejecutar el codigo indicado (y despues lo deja)</pre>	<pre>mysql.connector.Error se puede usar en un try/except</pre>	variable_query = "INSERT INTO nombre_tabla (columna1,
Clases	este: a-z y 0-9		<pre>cnx.close() desconectar de la base de datos</pre>	columna2) VALUES (%s, %s)"  variable valores = (valor1, valor2)
	es como el operador 'or' \text{\ señala una secuencia especial ( escapar)}	Encoding	Realizar queries	variable_cursor.execute(variable_query, variable_valores)
Definir una clase:  class NombreClase:	caracteres especiales)	<pre>from locale import getpreferredencoding getpreferredencoding() para saber que sistema de encoding</pre>	<pre>variable_cursor = cnx.cursor() crear el objeto cursor que</pre>	otro método:
CLASS NOIDD ECLASE.	{} Exactamente el número especificado de	estamos usando	nos permite comunicar con la base de datos	variable query = "UPDATE nombre tabla SET nombre columna =
<pre>definit(self, atributo1, atributo2):</pre>	ocurrencias <pre>{n} Exactamente n veces</pre>	<pre>f = open(ubicacion_archivo, encoding="utf-8") y leerlo con el encoding usado; guardar con .read()</pre>	variable_cursor.close() desconectar el cursor	"nuevo_valor" WHERE nombre_columna = "valor"
self.atributo1 = atributo1	{n,} Al menos n veces	y reer to come the emoderning about of guaratum com in case()	<pre>variable_query = ("SQL Query") variable</pre>	Insertar múltiples filas a una tabla
<pre>self.atributo2 = atributo2 self.atributo_por_defecto = 'valor'</pre>	{n,m} Entre n y m veces	mode: argumento opcional al abrir un archivo	<pre>variable cursor.execute(variable query) variable cursor.execute(variable query)</pre>	<pre>variable_valores_en_tuplas = ((valor1columna1,</pre>
<u></u>		r - read w - write - sobreescribe	devuelve una lista de tuplas	<pre>valor1columna2), (valor2columna1, valor2columna2))</pre>
<pre>def nombre_funcion1(self, parametros)</pre>	Métodos Regex	x - exclusive creation, sólo crearlo si no existe todavía	import datetime sacar fechas en el formato AAAA-MM-DD	<pre>variable_cursor.executemany(variable_query, variable_valores_en_tuplas)</pre>
<pre>self.atributo += 1 noturn f"cl nuovo valon os (self atribute)"</pre>	re.findall("patron", string) busca en todo el	a - appending, añadir texto al archivo sin manipular el texto que ya había	datetime.date(AAAA, M, D) devuelve el formato de fecha	vai Taute_vatoi es_eii_tuptas)
return f"el nuevo valor es {self.atributo}"	string y devuelve una lista con todas las	hay que anadir otra letra:	<pre>variable_query = "SQL Query %s AND %s") query dinamica</pre>	<pre>variable conexion.commit() después de ejecutar la</pre>
Definir una clase hija:	coincidencias en nuestro string	t - texto - leer en texto	<pre>variable_cursor.execute(query, (variable1, variable2)) valores que van en lugar de los %s</pre>	inserción, para que los cambios efectúen en la BBDD
<pre>class NombreClaseHija(NombreClaseMadre):</pre>	<pre>re.search("patron", string_original) todo el string y devuelve un objeto con la</pre>	<ul><li>b - bytes - leer en bytes (no se puede usar con encoding)</li></ul>	variable cursor.execute("SHOW DATABASES") mostrar las BBDD	<pre>variable_conexion.rollback()</pre> se puede usar después de
<pre>definit(self, atributo1, atributo2):</pre>	primera coincidencia en nuestro string	<pre>f = open(ubicacion_archivo, mode = "rt")</pre>	variable cursor.execute("SHOW TABLES") mostrar las tablas	execute y antes de commit para deshacer los cambios
<pre>super()init(atributo_heredado1,)</pre>	re.match("patron", "string original) busca en	Leer ficheros	de la BBDD indicado en la conexión	<pre>print(variable_cursor.rowcount, "mensaje") imprimir el número de filas en las cuales se han tomado la accion</pre>
<pre>def nombre_funcion_hija (self, parametros):</pre>	la primera linea del string y devuelve un	f.read() leer el contenido de un archivo	<pre>variable_cursor.execute("SHOW TABLES")</pre>	
	objeto con la primera coincidencia en nuestro string	f.read(n) leer los primeros n caracteres de un archivo	variable_cursor.execute("SHOW COLUMNS FROM bbdd.table")	Eliminar registros
Crear un objeto de la clase:		<pre>variable = f.read() guardar el contenido del archivo (o n caracteres de un archivo) en un variable</pre>	mostrar las columnas de la tabla especificada; hay que conectarse a la bbdd information schema	<pre>variable_query = "DROP TABLE nombre_tabla"</pre>
<pre>variable_objeto = NombreClase(valor_atributo1, valor_atributo2) instanciar (crear) un objeto</pre>	<pre>resultado_match.span() de las posiciones donde hizo el "match"</pre>	<pre>f.readline(n) por defecto devuelve la primera linea o n lineas</pre>	Argumentos cursor:	Añadir errores
variable_objeto.atributo devuelve el valor del	<u> </u>	<pre>f.readlines() devuelve una lista de todas las lineas del archivo (cada linea es un elemento); se usa vacio sin n y</pre>	<pre>variable_cursor = cnx.cursor([arg=value[, arg=value]])</pre>	importar errorcode y usar try/except:
atributo guardado para ese objeto	<pre>resultado_match.group() devuelve el element resultando de la coincidencia del "match"</pre>	list_name[x:] para seleccionar lineas especificas	buffered=True devuelve todas las filas de la bbdd	try:
<pre>variable_objeto.atributo = nuevo_valor el valor del atributo</pre>	re.split("patron", "string original") busca en	Facultiu au fichausa	raw=True el cursor no realizará las conversiones	accion except mysgl.connector.Error as err:
<pre>variable_objeto.nombre_funcion() </pre>	todo el string y devuelve una lista con los	Escribir en ficheros with open(ubicacion archivo, "w") as f:	automáticas entre tipos de datos	print(err)
	elementos separados por el patron	f.write("Texto que va en el fichero.") para escribir	dictionary=True devuelve las filas como diccionarios	<pre>print("Error Code:", err.errno) print("SQLSTATE", err.sqlstate)</pre>
<pre>print(help(NombreClase) imprime informacion sobre la</pre>		with open(ubicacion archivo, "a") as f:	<pre>named tuple=True devuelve las filas como named tuples</pre>	print( Sylstate, err.sqistate)
clase	<pre>re.sub("patron", "string_nuevo",</pre>		named_tuple=11 de devdeive las l'ilas como named tuples	<pre>print("Message", err.msg)</pre>
clase	<pre>re.sub("patron", "string_nuevo",     "string_original") busca en todo el string y devuelve un string con el element que coincide</pre>	f.write("Texto que va en el fichero.") para anadir texto f.writelines('lista') para anadir lineas de texto de una lista	cursor_class un argumento que se puede usar para indicar que subclase queremos usar para instanciar el nuevo cursor	<pre>print("Message", err.msg)</pre>

Python Cheat Sheet 3	DataFrames	Metodos de exploracion	Tipos de datos	Valores nulos
Pandas	<pre>Crear DataFrames df = pd.DataFrame(data, index, columns)</pre>	<pre>df.head(n) devuelve las primeras n lineas del dataframe df.tail(n) devuelve las últimas n lineas del dataframe</pre>	Tipos de datos en Pandas: - object	Identificar nulos
Series: estructuras en una dimension	<pre>data: NumPy Array, diccionario, lista de diccionarios index: indice que por defecto se asigna como 0-(n-1), n</pre>	<pre>df.Sample(n) devuelve n filas aleatorias de nuestro dataframe, o uno por defecto</pre>	<pre>- int64 - float64 - datetime, timedelta[ns]</pre>	<pre>df.isnull() o df.isna() devuelve True o False según si cada valor es nulo o no df.isnull().sum() o df.isna().sum() devuelve una serie con el</pre>
	siendo el número de filas; index = [lista] para asignar "etiquetas" (nombres de	df.shape devuelve el número de filas y columnas	- category - bool	número de valores nulos por columnas
Crear series serie = pd.Series() crear serie vacía	filas) <pre>column: nombre de las columnas; por defecto 0-(n-1);</pre>	<pre>df.dtypes devuelve el tipo de datos que hay en cada columna</pre>	df.dtypes devuelve el tipo de datos que hay	<pre>df_%_nulos = ((df.isnull().sum() / df.shape[0] * 100).reset_index()</pre>
<pre>serie = pd.Series(array) crear serie a partir de un array con el indice por defecto</pre>	columns =[lista] para poner mas nombres	df.columns devuelve los nombres de las columnas	<pre>en cada columna df_tipo = df.select_dtypes(include = "tipo")</pre>	<pre>df_%_nulos.columns = ['columna', '% nulos'] crea un dataframe de los porcentajes de los valores nulos</pre>
<pre>serie = pd.Series(array, index = ['a', 'b', 'c']) crear una serie con indice definida; debe ser lista de</pre>	<pre>df = pd.DataFrame(array) crear un dataframe a partir de un array con indices y columnas por defecto</pre>	df.describe devuelve un dataframe con un resumen de los principales estadísticos de las columnas numéricas	crea un dataframe de las columnas del tipo de datos especificado	Eliminar nulos
la misma longitude del array serie = pd.Series(lista) crear una seria a partir de	<pre>df = pd.DataFrame(diccionario) crear un dataframe a partir de un diccionario - los keys son los nombres de las</pre>	<pre>df.info() devuelve un resumen sobre el no. de columnas,</pre>	<pre>df['columna'] = df['columna'].astype('tipo', copy = True, errors = 'ignore') convierte una</pre>	<pre>df.dropna(inplace = True, axis=b, subset=[lista_de_columnas], how=) quitar nulos</pre>
una lista <b>serie = pd.Series(número, indice)</b> crear una serie a	columnas	nombres de columnas, numero de valores no nulos y los tipos de datos df["nombre columna"].unique() o	columna en el tipo de dato especificado copy = True devuelve una copia	how = 'any'   'all' por defecto 'any': si hay algun valor NA, se elimina la fila o columna; all: si todos los valores son NA,
partir de un escalar con la longitude igual al número de indices	DataFrames: carga de datos	<pre>df.nombre_columna.unique() devuelve un array con los valores únicos de la columna</pre>	<pre>copy = False *cuidado: los cambios en los valores pueden propagarse a otros objetos</pre>	se elimina la fila o columna, all. Si todos los valores son MA, se elimina la fila o columna subset una columna o lista de columnas
<pre>serie = pd.Series(diccionario) crear una serie a partir de un diccionario</pre>	Carga de datos	<pre>df["nombre_columna"].value_counts() o</pre>	pandas* errors = ignore omita excepciones; en caso de	Tipos de nulos
Acceder a informacion de una serie	<pre>df = pd.read_csv("ruta/nombre_archivo.csv") crear un</pre>	<pre>df.nombre_columna.value_counts() devuelve una serie con el recuento de valores únicos en orden descendente</pre>	error devuelve el objeto original errors = raise permite que se generen	np.nan significa "not a number"; es un tipo numérico None valores nulos en columnas tipo string
<pre>serie.index devuelve los indices serie.values devuelve los valores</pre>	<pre>dataframe de un archivo de Comma Separated Values df = pd.read_csv("ruta/nombre_archivo", sep= ";") crear un dataframe de un csv si el separador es;</pre>	<pre>df.duplicated().sum() devuelve el numero de filas duplicadas</pre>	excepciones	NaT valores nulos tipo datetime valores texto: "n/a", "NaN", "nan", "null" strings que
serie.shape devuelve la forma (no. filas) serie.size devuelve el tamaño	<pre>df = pd.read_csv("ruta/nombre_archivo", index_col= 0)</pre>	Eliminar filas duplicadas		normalmente se convierten automaticamente a np.nan 99999 o 00000 integers que se pueden convertir a nulos
serie.dtypes devuelve el tipo de dato	crear un dataframe de un csv si el archivo ya tiene una columna indice	<pre>df.drop_duplicates(inplace = True, ignore_index=True) elimina filas duplicadas; ignore index para no tener el</pre>	<pre>pd.options.display.max_columns = None ejecutar antes del df.head() para poder ver todas las</pre>	Reemplazar nulos
<pre>serie[i] devuelve el valor del elemento en indice i serie[[i,i]] devuelve el valor de los dos elementos</pre>	<pre>df = pd.read_excel("ruta/nombre_archivo.xlsx") crear un</pre>	indice en cuenta	columnas	df = pd.read_csv('archivo.csv', na_values = ['n/a'])
serie[i:m] devuelve el valor de un rango	dataframe de un archivo de Excel - si sale "ImportError: openpyxl", en el terminal:	Metodos de estadistica	pd.set_option("display.precision", 2)	<pre>.fillna(np.nan) cargar el dataframe</pre>
<pre>serie["etiqueta"] devuelve el valor de los elementos en indices i y j</pre>	pip3 install openpyxl o pip install openpyxl	<pre>df['columna'].mean()   mode()   median()   var()   std()</pre>	Outliers	<pre>df.fillna(df[value=n, axis=b, inplace=True) reemplazar todos los NaN del dataframe con el valor que especifiquemos</pre>
	<pre>df = pd.read_json("ruta/nombre_archivo.json") dataframe de un archivo de JavaScript Object Notation</pre>	calcula la media/moda/mediana/variación/desviación	Calcular tres desviaciones estandares:	<pre>df['columna'].fillna(df['columna'].median, axis=b, inplace=True) reemplazar los nulos de una columna por la</pre>
<pre>Operaciones con series serie1 +-*/ serie2 suma/resta/multiplica/divide las</pre>	<pre>(formato crudo) df = df['data'].apply(pd.Series) convertir el dataframe de</pre>	estándar de los valores de una columna df['columna1'].corr(df['columna2'] calcula la	<pre>media = df.column.mean() desviacion = df.column.std()</pre>	mediana de esa columna  value=n por defecto NaN; es el valor por el que queremos
<pre>filas con indices comunes entre las dos series serie1.add(serie2, fill_value = número) suma las filas</pre>	json en un formato legible	correlacion entre dos variables  matriz correlacion = df.corr() crea una matriz mostrando	lcb = media - desviacion * 3	reemplazar los valores nulos que puede ser un escalar, diccionario, serie o dataframe
con indices comunes, y suma el fill value a los valores sin indice comun	<pre>df = pd.read_clipboard(sep='\t') crear un dataframe de datos en forma de dataframe en el clipboard; el separador</pre>	<pre>las correlaciones entre todos los variables df_crosstab = pd.crosstab(df['columna1'],</pre>	ucb = media + desviacion * 3	axis por defecto 0 (filas)
<pre>serie1.sub(serie2, fill_value = número) restan las filas de la seria2 de la serie1 cuando tienen indices</pre>	podria ser \n ; , etc.	<pre>df['columna2'], normalize = True, margins = True)</pre>	Eliminar Outliers outlier step = 1.5 * IQR calcular outlier step	<pre>df.replace(valor_nulo, valor_nuevo, inplace=True, regex=False) reemplazar los nulos por el valor nuevo</pre>
comunes, y resta el fill value de las otras indices de serie1	<pre>with open('ruta/nombre_archivo.pkl', 'wb') as f:     pickle.dump(df,f) pone los datos de un dataframe en</pre>	normalize muestra los valores en porcentajes (por uno) margins muestra los totales y subtotales	outliers_data = df[(df['columna'] < Q1 - outlier step)   (df['columna'] > Q3 +	Imputacion de nulos
<pre>serie1.mul(serie2, fill_value = número) multiplica las filas con indices comunes y multiplica el fill value</pre>	el archivo pkl	<pre>media_ponderada = np.average(df['columna'], weights = w)</pre>	<pre>outlier_step)] identificar datos fuera del rango del maximo hasta el minimo</pre>	<pre>from sklearn.impute import SimpleImputer imputer = SimpleImputer(strategy='mean', missing_values =</pre>
<pre>con las otras *usar 1 para conservar el valor* serie1.mul(serie2, fill value = número) divida las</pre>	<pre>pd.read_pickle('ruta/nombre_archivo.csv').head(n) leer n filas y 5 columnas del archivo pickle</pre>	<pre>calcula la media ponderada según los pesos percentil_n = np.percentile(df['columna'], n) saca el</pre>	lista_outliers_index = list(outliers_data. index) crear una lista de los indices de las	np.nan) inicia la instancia del metodo, especificando que queremos reemplazar los nulos por la media
filas de la serie1 entre las de la serie2 cuando tienen indices comunes, y divide las otras por el fill	<pre>pd.read_parquet('ruta/nombre_archivo.parquet') leer un</pre>	<pre>valor en el percentil n q3, q1 = np.percentile(df["columna"], [75, 25]) saca los</pre>	filas con outliers	<pre>imputer = imputer.fit(df['columna1']) aplicamos el imputer</pre>
value serie1.mod(serie2, fill_value = número) devuelve el	archivo parquet	tercer y primer cuartiles	if outliers_data.shape[0] > 0: dicc indices[key] =	<pre>df['media_columna1'] = imputer.transform(df[['price']]) rellena los valores nulos segun como hemos especificado</pre>
modulo (division sin resta) serie1.pow(serie2, fill_value = número) calcula el	Guardado de datos  df.to csv('ruta/nombre archivo.csv') guardar dataframe	Sidetable: frecuencias de datos	(list(outliers_data.index)) crear un diccionario de los indices de las filas con	from sklearn.experimental import enable_iterative_imputer from sklearn.impute import IterativeImputer
exponencial serie1.ge(serie2) compara si serie1 es mayor que	como archivo csv  df.to_excel('ruta/nombre_archivo.xlsx') guardar dataframe	<pre>df.stb.freq(['columna']) devuelve un dataframe con</pre>	nulos; se puede hacer iterando por columnas	<pre>imputer = IterativeImputer(n_nearest_features=n, imputation_order='ascending') crea la instancia</pre>
serie2 y devuelve True o False serie1.le(serie2) compara si serie1 es menor que	como archivo de Excel  df.to_json('ruta/nombre_archivo.json') guardar dataframe	informacion sobre la frecuencia de ocurrencia de cada categoría de un variable categorica	<pre>valores = dicc_indices.values() sacar todos los valores e.g. todos los indices</pre>	n_nearest_features por defecto None; numero de columnas a
serie2 y devuelve True o False	como archivo de JSON  df.to_parquet('ruta/nombre_archivo.parquet') guardar	parametros:  thresh = n limita los valores mostrados a los más	valores = {indice for sublista in valores for indice in sublista} set comprehension para	utilizar para estimar los valores nulos imputation_order por defecto ascendente; el orden de imputacion
Filtrado booleanos	dataframe como archivo de parquet	frecuentes hasta un umbral de n% cumulative y agrupando los restantes bajo la etiqueta "other"	eliminar duplicados  df sin outliers = df.drop(df.index[list	<pre>imputer.fit(df_numericas) aplicamos el imputer df_datos_trans = pd.DataFrame(imputer.transform(df_numericas),</pre>
<pre>serie &lt; &gt; &gt;= &lt;= == valor devuelve True o False segun si cada condición cumple la condición</pre>	<pre>df.to_pickle('ruta/nombre_archivo.pkl') como archivo de pickle</pre>	<pre>other_label = 'etiqueta' cambia la etiqueta 'other' value = 'columna' ordena los resultados por la columna</pre>	(valores)]) crear nuevo dataframe sin outliers	columns = df_numericas.columns) crea un dataframe de los datos transformados; metemos estas columnas en el dataframe original
<pre>serie1[serie1 &lt; &gt; &gt;= &lt;= == valor] devuelve solo los valores que cumplen la condición</pre>	ExcelWriter	<pre>especificada df.stb.freq(['columna1', 'columna2']) combina dos</pre>	Reemplazar Outliers	from sklearn.impute import KNNImputer
<pre>np.nan crear valor nulo (NaN) serie.isnull() devuelve True o False segun si los</pre>	<pre>with pd.ExcelWriter("ruta/archivo.ext") as writer:     df.to_Excel(writer, nombre_hoja = 'nombre')</pre>	columnas y devuele las frecuencias de las subcategories	<pre>for k, v in dicc_indices.items():     media = df[k].mean()</pre>	<pre>imputerKNN = KNNImputer(n_neighbors=5) crea la instancia imputerKNN.fit(df numericas)</pre>
valores existen o son nulos ("" no cuenta como nulo) serie.notnull() devuelve True o False segun si los	guardar un dataframe en una hoja de Excel	<pre>df.stb.missing(['columna'] devuelve informacion sobre la frequencia de datos nulos</pre>	<pre>for i in v:     df.loc[i,k] = media reemplazar</pre>	<pre>df_knn_imp = pd.DataFrame(imputerKNN.transform(df_numericas), columns = numericas.columns) crea un dataframe de los datos</pre>
valores existen o son nulos ("" no cuenta como nulo)			outliers por la media	transformados; metemos estas columnas en el dataframe original

Python Cheat Sheet 4				
Pandas				
Union de datos				
<pre>.concat() unir dataframes con columnas en comun df_union = pd.concat([df1, df2, df3], axis=b, join = 'inner/outer', ignore_index = True/False) parametros:</pre>				
<pre>axis = 0 une por columnas - los dataframes van uno encima del otro; las columnas tienen que ser de formatos compatible axis = 1 une por filas - los dataframes van uno al lado del otro; los datos deben ser relacionados para que tenga sentido join = 'inner' solo se quedan elementos que aparecen en todos los dataframes</pre>				
<pre>join = 'outer' se queda todo los datos de todos los dataframes ignore_index = True/False por defecto es False; si es True no usa las índices para la union (por ejemplo para union por el axis 0)</pre>				
<pre>.merge() unir las columnas de un dataframe a otro df_nuevo = df1.merge(df2, on = 'columna') inner merge</pre>				
df_nuevo = pd.merge(left = df1, right = df2, how='left', left_on =				
<pre>'columna_df1', right_on = 'columna_df2') left merge parametros:</pre>				
how = 'left'   'right'   'outer'   'inner'   'cross' on = columna   [columna1, columna2, etc] si las columnas se llaman igual en los dos dataframes				
<pre>left_on = columna_df1   right_on = columna_df2 para especificar</pre>				
<pre>por donde hacer el merge suffixes = ['left', 'right'] por defecto nada, el sufijo que aparecera en columnas duplicadas</pre>				
.join() unir dataframes por los indices				
<pre>df_nuevo = df1.join(df2, on = 'columna', how = 'left') inner merge parametros:</pre>				
how = 'left'   'right'   'outer'   'inner' por defecto left  on = columna la columna o indice por el que queremos hacer el union; tienen que tener el mismo nombre en los dos dataframes  lsuffix = 'string'   rsuffix = 'string' por defecto nada, el sufijo que aparecera en columnas duplicadas				
Group By				
<pre>df_groupby = df.groupby("columna_categoría") crea un objeto DataFrameGroupBy; agrupa los valores segun las categorías de los valores de la columna indicada (o múltiples columnas en una lista) df_groupby.ngroups devuelve el numero de grupos df_groupby.groups devuelve un diccionario donde los keys son las categorías y los valores son listas de los índices de cada elemento en la categoría</pre>				
<pre>df_grupo1 = df_groupby.get_group("grupo1") con los resultados de un grupo (la categoria indicada como grupo1) Cálculos con groupby:</pre>				
<pre>df_nuevo = df.groupby("columna_categoría").mean() dataframe con la media de todas las columnas de valores numéricos, por categoría</pre>				
<pre>df_nuevo = df.groupby("columna_categoría")["columna1"].mean() devuelve un dataframe con la media de la columna especificada count() número de observaciones</pre>				
no nulas  describe() resumen de los				
<pre>principales estadísticos sum() suma de todos los valores mean() media de los valores</pre>				
<pre>df_nuevo = df.groupby("columna_categoría", dropna = False) ["columna_valores"].agg([nombre_columna = 'estadistico1', nombre_columna2 = 'estadistico2']) añade columnas con los cálculos de los estadísticos especificados</pre>				
<mark>dropna = False</mark> para tener en cuenta los Nan en los cálculos (por defecto es True)				

Python Chast Shoot 1

## df.loc[:,"etiqueta columna"] devuelve los valores de todas las filas de una columna df.iloc[indice fila, indice columnal devuelve el contenido de un campo en una columna de una fila df.iloc[indice\_fila, :] devuelve los valores de todas las columnas de una fila df.iloc[:,indice columna] devuelve el contenido de un campo en una columna de una fila df.loc[[lista etiquetas filas], [lista etiquetas columnas]] devuelve el contenido de varias filas / varias columnas df.loc[[lista indices filas], [lista indices columnas]] devuelve el contenido de varias filas / varias columnas - se puede usar los indices/rangos de las listas [start:stop:step] dentro de los loc/iloc df.loc[df.etiqueta > x] seleccionar datos basado en una condición usando operadores comparativos df.loc[(df.etiqueta > x) & (df.etiqueta == y)] seleccionar datos que tienen que cumplir las dos condiciónes (and) df.loc[(df.etiqueta > x) | (df.etiqueta == y)] seleccionar datos que tienen que deben cumplir una de las dos condiciones (or) df.iloc[list(df.etiqueta > x), :] iloc no acepta una Serie booleana; hay que convertirla en lista variable df.head(n) devuelve las n primeras filas del df, o 5 por defecto Filtrados de datos Filtrado por una columna con operadores de comparación df filtrado = df[df["nombre columna"] == valor] extrae las filas donde el valor de la columna igual al valor dado Filtrado por multiples columnas con operadores df\_filtrado = df[(df["columna1"] == valor) & (df["columna2"] == valor) & (df["columna3"] > n valor)] extrae las filas donde los valores de las columnas cumplan las condiciónes en df filtrado = df[(df["columna1"] == valor) | (df["columna1"] == valor) extrae las filas donde los valores de las columnas cumplan con una condición u otra df filtrado = ~(df[df["columna1"] == valor]) extrae las filas donde los valores de las columnas NO cumplan con la condición

Subsets: loc e iloc

de una fila

logicos

parentesis

df.loc["etiqueta fila", "etiqueta columna"] devuelve el contenido de un campo en una columna

df.loc["etiqueta fila",:] devuelve los valores

de todas las columnas de una fila

filas cuvas valores de la columna nombrada están en el iterable (una lista, serie, dataframe o diccionario) df filtrado= df[df["nombre columna"].str.contains (patron, regex = True, na = False)] extrae las filas cuvas valores de la columna nombrada contenienen el natron de regex df filtrado = df[df["nombre columna"].str.contains ("substring", case = False, regex = False)] extrae las filas cuyas valores de la columna nombrada contienen el substring, no siendo case sensitive df filtrado = df[df["nombre columna"].str.contains ("substring", case = False, regex = False)] extrae las filas cuyas valores de la columna nombrada contienen el substring, no siendo case sensitive df[pd.notnull(df["nombre columna"])] devuelve las filas que no tiene valores nulos en la columna especificada Cambiar columnas lista columnas = df.columns.to list() crea una lista de los nombres de las columnas del dataframe df.set index(["nombre columna"], inplace = True) establece el índice utilizando uno o mas columnas; puede sustituir o ampliar un índice existente inplace = True los cambios sobreescriben sobre el df \* cuando una columna se cambia a índice ya no es df.reset index(inplace = True) quitar una columna como indice para que vuelva a ser columna; crea un dataframe de una serie Renombrar columnas df.rename(columns = {"nombre columna": "nombre nueva"}, inplace = True) cambia los nombres de una o mas columnas ejemplo de dict comprehension para crear diccionario sobre las columnas existentes de un dataframe: diccionario = {col : col.upper() for col in df.rename(columns = diccionario, inplace = True) cambia los nombres de las columnas según el diccionario Eliminar columnas df.drop(columns = ["columna1", "columna2"], axis = b, inplace=True) eliminar una o mas columnas o filas segun lo que especificamos Reordenar columnas df = df.reindex(columns = lista reordenada) cambia el orden de las columnas del dataframe segun el orden de la lista reordenada

Filtrados de datos

df filtrado =

Metodos de pandas de filtrar

df[df["nombre columna"].isin(iterable)] extrae las

/ df["columna2"], axis = 1) Creacion de porcentaies def porcentaie(columna1, columna2): return (columna1 \* 100) / columna2 df["columna %"] = df.apply(lambda df: porcentaje(df["columna1"], datos["columna2"]), axis = 1) df["nueva\_columna"] = np.where(df["nombre\_columna"] > n, "categoria if true", "categoria\_if\_false") crea una nueva columna basada en una condición df["nueva columna"] = np.select(lista de condiciones, lista de opciones) crea una nueva columna con los valores basados en multiples condiciones df["columna nueva"] = pd.cut(x = df["nombre columna"], bins = [n,m,1..], labels = ['a', 'b', 'c']) separa los elementos de un dataframe en diferentes intervalos (n-m, m-l, etc), creando una columna nueva que indica en cual intervalo cae el valor; con labels se puede asignar un string a cada intervalo df["nueva\_columna"] = (df["etiqueta\_columna"] + x) crea una nueva columna basada en otra df = df.assign(nueva columna= df["etiqueta columna] + x) crea una nueva basada en otra df = df.assign(nueva columna= [lista valores]) crea una nueva columna de una lista de valores \*tiene que ser de la misma longitud como el número de filas del dataframe\* df.insert(indice\_nueva\_columna, "nombre\_columna", valores) crea una nueva columna en la indice indicada allow\_duplicates = True parametro cuando queremos permitir columnas duplicadas (por defecto es False) Apply apply() toma una función como argumento y la aplica a lo largo de un eje del DataFrame df['columna nueva'] = df['col 1'].apply(función) crea una columna nueva con los valores de otra columna transformados según la función indicada df['columna nueva'] = df['col 1'].apply(lambda x: x.método() if x > 1)crea una columna nueva con los valores de otra columna transformados según la lambda indicada df['columna nueva'] = df.apply(lambda nombre: función(nombre['columna1'], nombre['columna2']), axis = b) crea una columna nueva usando una función que coge dos parámetros (columna 1 y columna2) df.applymap(funcion, na action=None, \*\*kwargs) acepta y devuelve un escalar a cada elemento de un dataframe; se tiene que aplicar a todo el DataFrame df['columna'] = df['columna'].map(mapa, na action = 'ignore) reemplaza valores de la columna según el mapa, que puede ser un diccionario o una serie; solo se puede aplicar a una columa en particular. apply() con datetime df['columna fecha'] = df['columna fecha'] .apply(pd.to datetime) cambia una columna de datos tipo fecha en el formato datetime def sacar año(x): return x.strftime("%Y") df['columna\_año'] = (df['columna\_fecha'] .apply (sacar\_año) crea una columna nueva del año solo usando un método de la librería datetime; ("%B") para meses

Crear columnas

Creacion de ratios

df["columna?ratio"] = df.apply(lambda df: df["columna1"]

Reemplazar valores basados en indices y condiciones: indices filtrados = df.index[df["columna"] == "valor"] for indice in indices filtrados: df["nombre columna"].iloc[indice] = "valor nuevo" Reemplazar valores basados en metodos NumPy: df.replace(to replace = valor, value = valor nuevo, inplace = True) reemplaza cierto valor por otro que especificamos df["nombre columna"].replace(to replace = valor, value = valor nuevo, inplace = True) reemplaza cierto valor en una columna por otro que especificamos df[["columna1", "columna2"]] = df[["columna1", "columna2"]].replace(r"string", "string", regex=True) cambiar un patron/string por otro en multiples df["nombre columna"] = df["nombre columna"] + x reemplaza los valores de la columna por el valor + x (o otro valor que indicamos) datetime import datetime datetime.now() devuelve la fecha actual timedelta(n) representa una duración la diferencia entre dos instancias; n es un numero de días datetime.strftime(variable fecha, '%Y-%m-%d') formatea la fecha al formato indicado ayer = datetime.now() - timedelta(1) ayer = datetime.strftime(ayer, '%Y-%m-%d') df["fecha"] = ayer crea una columna con la fecha de

**Cambiar valores** 

fig. ax = plt.subplots(numero filas, numero columnas) Line plot **Titulos** Colores Matplotlib crear una figura con multiples graficas; fig es la fig = sns.lineplot(x = 'columna1', y = 'columna2', data = plt.title(label = "titulo") asignar un titulo a color = "color" establece el color de la grafica figura y ax es un array con subplots como elementos df, ci = None) crea una gráfica lineal donde los ejes son: la gráfica facecolor = "color" establece el color del relleno columna1 - x, columna2 - y se establece como es cada grafica con los indices: Gráficas ci = None para que no muestra el intervalo de confianza de edgecolor = "color" establece el color de los bordes ax[indice].tipo grafica(detalles de la grafica) los datos Colores en Scatter Plots: ax[indice].set title('titulo') import matplotlib.pyplot as plt Eies hue = columna opcional; muestra lineas en diferentes c= df['columna'].map(diccionario) ax[indice].set xlabel('xlabel') colores por categorias segun una variable plt.xlabel("etiqueta\_eje\_x") asignar nombre al eje x diccionario = {"valor1": "color1", "valor1": "color1"} plt.rcParams["figure.figsize"] = (10,8) ax[indice].set vlabel('vlabel') plt.ylabel("etiqueta eje y") asignar nombre al eje y Scatter plot plt.figure(figsize = (n,m)) inicia una grafica <u>lista de colores</u> fig = sns.scatterplot(x = 'columna1', y = 'columna2', data ax[indice].set xlim(min, max plt.xlim([n,m] establece el rango del eje x; donde n es dibujando el marco de la figura; n es la anchura y Paletas Seaborn: = df, hue = 'columna') crea una gráfica de dispersión ax[indice].set ylim(min, max) el mínimo v m es el máximo m es la altura, en pulgadas plt.show() muestra la figura plt.ylim([n,m]) establece el rango del eje y; donde n Accent', 'Accent r', 'Blues', 'Blues r', 'BrBG', 'BrBG r', Swarm plot ax[indice].set xticklabels(labels = df['column'], fig = sns.swarmplot(x = 'columna1', y = 'columna2', data = rotation = n) para cambiar los nombres y/o la rotacion es el mínimo y m es el máximo 'BuGn', 'BuGn r', 'BuPu', 'BuPu r', 'CMRmap', 'CMRmap r', 'Dark2', 'Dark2\_r', 'GnBu', 'GnBu r', 'Greens'. df, hue = 'columna') crea una gráfica de dispersión donde de las etiquetas de los valores en los ejes Gráficas básicas 'Greens r', 'Greys', 'Greys r', 'OrRd', 'OrRd r', los marcadores no se solapan fig.set(xlabel = 'etiqueta eje x', ylabel = Bar plot 'Oranges', 'Oranges\_r', 'PRGn', 'PRGn\_r', 'Paired', Count plot 'etiqueta eje y') asignar nombre a los ejes Crear subplots en un for loop 'Paired\_r', 'Pastel1', 'Pastel1 r', 'Pastel2'. plt.bar(df["columna1"], df["columna2"]) crea un fig = sns.countplot(x = 'columna1', data = df, hue = fig, axes = plt.subplots(numero filas, numero columnas, fig.set title('titulo') asignar un titulo a la gráfica diagrama de barras donde los ejes son: columna1 -'Pastel2 r', 'PiYG', 'PiYG r', 'PuBu', 'PuBuGn', 'columna') crea una gráfica de barras con la cuenta de una figsize = (n, m)PuBuGn r', 'PuBu r', 'PuOr', 'PuOr r', 'PuRd', 'PuRd r', x. columna2 - v variable categórica; se puede especificar solo una axes = axes.flatten( 'Purples', 'Purples r', 'RdBu', 'RdBu r', 'RdGy', fig.set\_xlabel(xlabel = "etiqueta\_eje\_x", fontsize = n) Horizontal bar plot variable en la eje x o v. mas una variable opcional con 'RdGy r', 'RdPu', 'RdPu r', 'RdYlBu', 'RdYlBu r', for col in df.columns: plt.barh(df["columna1"], df["columna2"]) crea una fig.set\_ylabel(ylabel = "etiqueta\_eje\_y", fontsize = n) RdYlGn', 'RdYlGn r', 'Reds', 'Reds r', 'Set1', 'Set1 r', diagramma de barras horizontales donde los ejes fig = sns.plot(x=col, data=df, ax=axes[i] Histogram Set2', 'Set2 r', 'Set3', 'Set3 r', 'Spectral', son: columna1 - x, columna2 - y fig = sns.histplot(x = 'columna1', data = df, hue = fig.set(xticks = [1, 2, 3]) 'Spectral r', 'Wistia', 'Wistia r', 'YlGn', 'YlGnBu' Stacked bar plot 'columna3', kde = True, bins = n) crea una histograma que 'YlGnBu r', 'YlGn r', 'YlOrBr', 'YlOrBr r', 'YlOrRd', fig.set(yticks = [1, 2, 3, 4, 5]) Usos de los tipos de gráficas plt.bar(x, y, label = 'etiqueta') muestra la frecuencias de una distribución de datos; donde 'YlOrRd\_r', 'afmhot', 'afmhot\_r', 'autumn', 'autumn\_r', fig.set(xticklabels = ['0%', '20%', '40%', '60%', '80%', plt.bar(x2, y2, bottom = y, label = 'etiqueta2') x es la variable de interés y n es el número de barras binary', 'binary r', 'bone', 'bone r', 'brg', 'brg r', '100%'1) crea una diagrama de barras apiladas para kde = True muestra una curva de la distribucion Datos categóricos bwr', 'bwr\_r', 'cividis', 'cividis\_r', 'cool', 'cool\_r', fig.set(yticklabels = ['cat1', 'cat2', 'cat3']) visualizar dos variables juntas; y indica la barra 'coolwarm', 'coolwarm\_r', 'copper', 'copper\_r', 'crest', **Box Plot** de referencia 'crest r', 'cubehelix', 'cubehelix r', 'flag', 'flag r', fig = sns.boxplot(x = 'columna1', data = df, hue = muestra la relación entre una variable numérica y fig.set xticklabels(labels = [0, 500, 1000, 1500], flare', 'flare\_r', 'gist\_earth', 'gist\_earth\_r', 'columna') crea un diagrama de cajas; x es la variable de 'gist\_gray', 'gist\_gray\_r', 'gist\_heat', 'gist\_heat\_r', plt.scatter(df["columna1"], df["columna2"]) crea interés; por defecto se muestra con orientación horizontal - barplot si tienes una variable numérica gist\_ncar', 'gist\_ncar\_r', 'gist\_rainbow', una gráfica de dispersión donde los ejes son: - usar eje y para orientación vertical fig.set yticklabels(labels = fig.get yticklabels(), countplot para contar registros/filas por categoría gist\_rainbow\_r', 'gist\_stern', 'gist\_stern\_r', columna1 - x, columna2 - y Catplot gist\_yarg', 'gist\_yarg\_r', 'gnuplot', 'gnuplot2', fig = sns.catplot(x = 'columna1', y = 'columna2', data = Pie chart/quesitos 'gnuplot2\_r', 'gnuplot\_r', 'gray', 'gray\_r', 'hot', Gráficas estadísticas df, hue = 'columna', kind = 'tipo') crea una gráfica que determinación de frecuencias Para poner etiquetas encima de las barras hot r', 'hsv', 'hsv r', 'icefire', 'icefire r', muestra la relacion entre una variable categorica y una Histogram for indice, valor in enumerate(df ["col"]): 'inferno', 'inferno\_r', 'jet', 'jet\_r', 'magma', variable numerica plt.hist(x = df['columna1'], bins = n) crea una magma\_r', 'mako', 'mako\_r', 'nipy\_spectral', Datos numéricos plt.text(valor+1, indice, valor, kind = 'box' | 'bar' | 'violín' | 'boxen' | 'point' por histograma que muestra la frecuencias de una 'nipy\_spectral\_r', 'ocean', 'ocean\_r', 'pink', 'pink r', horizontalalignment='left', fontsize= 16) defecto es strip plot distribución de datos: donde x es la variable de plasma', 'plasma r', 'prism', 'prism r', 'rainbow', interés y n es el número de barras Pairplot rainbow r', 'rocket', 'rocket r', 'seismic', 'seismic r', - tendencias/evolución de una o más variables numéricas fig = sns.pairplot(data = df, hue = 'columna', kind = order = df.sort values('columnay', ascending=False) spring', 'spring r', 'summer', 'summer r', 'tab10', (normalmente sobre un periódo de tiempo) plt.boxplot(x = df['columna1']) crea un diagrama de 'tipo') crea los histogramas y diagramas de dispersión de ['columnax'] 'tab10 r', 'tab20', 'tab20 r', 'tab20b', 'tab20b r', cajas para estudiar las caracteristicas de una todas las variables numéricas de las que disponga el tab20c', 'tab20c\_r', 'terrain', 'terrain\_r', 'turbo', sns.set(font scale=2) variable numerica: x es la variable de interés dataset con el que estemos trabajando; hue es opcional - distribución de una variable numérica turbo\_r', 'twilight', 'twilight\_r', 'twilight\_shifted', plt.rcParams.update({'font.size': 22}) font size el mínimo es lo mismo que O1 - 1.5 \* IOR kind = 'scatter' | 'kde' | 'hist' | 'reg' | 'point' por 'twilight shifted r', 'viridis', 'viridis r', 'vlag', general el máximo es lo mismo que Q3 + 1.5 \* IQR 'vlag\_r', 'winter', 'winter\_r defecto es scatter -representación de las medidas de posición más usadas: Heatmap palette='light:nombre paleta'|'dark:nombre paleta' ← Outliers mediana, IQR, outliers Levendas sns.heatmap(df.corr(), cmap = 'color palette', annot = Scatterplot \_<del>ઁ</del> ← "Máximo" True, vmin = -1, vmax = 1) crea un heatmap con una escala plt.legend(labels = ['label1', 'label2', etc) muestra Marcadores de colores que refleja los valores de correlacion muestra la relación entre dos variables numéricas la leyenda cuando mostramos la figura marker = 'tipo' establece el tipo de marcador; se usa con annot = True para que aparezcan los valores Regplot plt.legend(bbox\_to\_anchor = (1, 1) coloca la leyenda en plt.scatter y plt.plot relación con los ejes vmin/vmax establecen la escala de color - scatterplot con una línea de regresión "." Punto "P" Más (relleno) Swarmplot Regplot "\*" Estrella ," Pixel fig = sns.regplot(x = 'columna1', y = 'columna2', data = **Ouitar bordes** "o" Circulo "h" Hexágono 1 - tipo de gráfica de dispersión para representar — ← "Mínimo" df, scatter\_kws = {'color':'blue'}, line\_kws = {'color'; "v" Triángulo abajo "H" Hexágono 2 variables categóricas; evita que se solapan los fig.spines[["top", "right"]].set visible(False) 'blue'})crea un scatterplot mas la línea de regresión; nos "^" Triángulo arriba "+" Más marcadores ← Outliers permite encontrar la mejor función de la recta que permite "<" Triángulo izquierda "x" x Violinplot Linea de tres desviaciones estandares: predecir el valor de una variable sabiendo los valores de "X" x (relleno) ">" Triángulo derecha Pie Chart fig.axvline(x=valor, c='color', label='valor' - para visualizar la distribución de los datos y su otra variable "8" Octágono "D" Diamante plt.pie(x, labels = categorias, radius = n) crea un fig.axvline(x=valor, c='color', label='valor') densidad de probabilidad "d" Diamante fino "s" Cuadrado Jointplot gráfico de sectores donde x es la variable de "p" Pentágono sns.jointplot(x = 'columna1', y = 'columna2', data = df, interés (debe esta agrupado por categorias); n es color = 'blue', kind = 'tipo') crea un scatterplot o - para representar múltiples relaciones entre dos el tamaño plt.grid() crea una cuadrícula al fondo de la figura; regplot con histogramas pegados en los lados para cada variables coge los parámetros: variable Violin Plot color = "color" plt.violinplot(x, showmedians = True, showmeans = - evaluar la correlación entre las variables en una True) crea un diagrama de violin donde x es la Exportar figuras linestyle = "solid" | "dashed" | "dashdot" | "dotted" matriz de correlación plt.savefig('nombre\_de\_la\_figura.extension') variable de interés y muestra la mediana y la media linewidth = n establece la anchura de la linea

Personalización

Personalización

Multigráficas

**Python Cheat Sheet 5** 

Seaborn gráficas

NumPy (Numerical Python)	Indices, Subsets, Metodos de Arrays	Operaciones estadísticas y matemáticas	Funciones de conjuntos	Estadística
Crear arrays	Indices de arrays	Operaciones estadísticas y matemáticas	np.unique(array) devuelve un array con los valores únicos del array ordenados	Tablas de frecuencias
Crear arrays de listas  array = np.array(lista, dtype= tipo) unidimensional de una lista	<pre>array[i] devuelve la indice i; las indices de los arrays unidimensionales funcionan igual que las listas array[i, j] o array[i][j] devuelve el elemento de la columna j de la fila i</pre>	El parametro axis en arrays bidimensionales:  axis = 0 columnas  axis = 1 filas  - si especificamos el axis, la operación devuelve el resultado por cada fila o columna.	np.unique(array, return_index=True) devuelve un array con los valores únicos del array ordenados y un array con la posición de la primera instancia de cada valor np.unique(array, return_inverse=True) devuelve un array con los valores únicos del array ordenados y un array con las	Frecuencias absolutas el número de veces que se repite un número en un conjunto de datos  df = df.groupby('columna').count().reset_index()
<pre>array = np.array([lista1, lista2]) bidimensional de dos listas array = np.array([listadelistas1, listadelistas2]) un array bidimensional de dos listas</pre>	<pre>array[:,:n] seleccionar todas las filas y las columnas hasta n-1 array[h, i, j] o array[h][i][j] devuelve el elemento de la columna j de la fila i del array h array[h][i][i] = n cambiar el valor del elemento en</pre>	Por ejemplo:  np.sum(array, axis = 0) devuelve un array con la suma de cada fila	posiciones de cada elemento de cada valor  np.unique(array, return_counts=True) devuelve un array con los valores únicos del array ordenados y un array con el número de veces que aparece cada valor	Frecuencias relativas  las veces que se repite un número o categoría en un conjunto de datos respecto al total, en porcentajes  df_group_sin_str = df_group.drop('columna_str',
Crear otros tipos de arrays  array = np.arange(valor_inicio, valor_final, saltos) un array usando el formato [start:stop:step]	esta posicion al valor n  Subsets	El parametro axis en arrays multidimensionales:  axis = 0  axis = 1  columnas  axis = 2  filas	np.unique(array, axis = b) devuelve un array con los valores únicos ordenados de las filas o columnas  Funciones para arrays unidimensionales	<pre>axis=1) frecuencia_relativa = df_group_sin_str / df.shape[0] * 100 columnas = df group sin strings.columns</pre>
<pre>array = np.ones(z,y,x) crea un array de todo unos de la forma especificada array2 = np.ones_like(array1) crea un array de todo unos de la forma basada en otra array</pre>	<pre>array &gt; n devuelve la forma del array con True o False según si el elemento cumple con la condición o no array[array &gt; n] devuelve un subset: todos los valores</pre>	- si especificamos el axis, la operación devuelve el resultado por cada dimensión, fila o columna. Por ejemplo:	<pre>np.intersect1d(array1, array2) devuelve un array con los valores únicos de los elementos en común de dos arrays np.intersect1d(array1, array2, return indices=True)</pre>	<pre>df_group[columnas] = frecuencia_relativa  Tablas de contingencia</pre>
<pre>array = np.zeros(z,y,x) crea un array de todo zeros de la forma especificada array2 = np.zeros_like(array1) crea un array de todo zeros de la forma basada en otra array</pre>	que cumplen la condición en una lista dentro de un array array[(array > n) & (array < m)] devuelve un subset:	<pre>np.sum(array_3D, axis = 0) devuelve un array de una matriz con la suma de todas las matrices np.sum(array_3D, axis = 1) devuelve un array donde las filas contienen las sumas de las columnas de</pre>	devuelve un array con los valores únicos de los elementos en común de dos arrays y arrays con los índices de cada valor, por array	tabla de frecuencias que cuenta todas las combinaciones posibles de cada pareja de valores de las columnas que estamos intentando comparar  df_crosstab = pd.crosstab(df['columna1'],
<pre>array = np.empty((z,y,x), tipo) datos por defecto tipo float array2 = np.empty_like(array1)</pre> crea un array vacia con la	todos los valores que cumplen las condiciones en una lista dentro de un array; se puede usar   para "or"	Cada matriz  Operaciones con parámetro del axis:  np.sum(array 3D) devuelve la suma de todos los	np.union1d(array1, array2) devuelve un array ordenado con los elementos resultantes de unir dos arrays (valores únicos) np.in1d(array1, array2) devuelve un array con True o False	df['columna2'], normalize = True, margins = True)  normalize muestra los valores en porcentajes (por uno)  margins muestra los totales y subtotales
forma basada en otra array  array = np.eye(z,y,x, k = n) crea un array con unos en  diagonal empezando en la posicion k  array = np.identity(x) crea una matriz de identidad con  ceros en filas y unos en la diagonal, de forma cuadrada	<pre>Metodos de arrays nuevo_array = array.copy() crea un a copia del array np.transpose(array_bidimensional) cambia los filas del array a columnas y las columnas a filas np.transpose(array_multidimensional) cambia el número</pre>	np.sum(array) devuelve la suma de todos los elementos de los matrices np.mean(array) devuelve la media de todo el array np.std(array) devuelve la desviación estándar de todo np.var(array) devuelve la varianza de valores de	por cada elemento de array1 según si aparece el mismo valor en array2 np.setdiff1d(array1, array2) devuelve un array ordenado con los valores únicos que están en array1 pero no en array2 np.setxor1d(array1, array2) devuelve un array ordenado con los valores únicos que NO están en común de los dos arrays	Coeficiente de correlación de Pearson - nos permite conocer la intensidad y dirección de la relación entre las dos variables - coeficiente > 0: correlación positiva
NumPy Random	de columnas al número de arrays y viceversa; el número de filas no cambia  np.transpose(array_multidimensional, (z,y,x)) hace la	todo  np.min(array) devuelve el valor mínimo del array np.max(array) devuelve el valor máximo del array np.sum(array) devuelve la suma de los elementos del	Estadística	- coeficiente < 0: correlación negativa - coeficiente = 1 o -1: correlación total - coeficiente = 0: no existe relación lineal
<pre>np.random.seed(x) generador de números aleatorios, para que las funciones random que van después siempre cogerán los mismos valores "aleatorios"  Crear arrays con valores aleatorios array = np.random.randint(inicio, final, forma matriz)</pre>	transposicion segun lo que especificemos usando las posiciones de la tupla (0,1,2) de la forma original array = np.arange(n).reshape((y,x)) crea un array usando reshape para definir la forma array = np.reshape(array, (z,y,x)) crea un array con los valores de otro array usando reshape para definir la forma	array  np.cumsum(array) devuelve un array con la suma acumulada de los elementos a lo largo del array np.cumprod(array) devuelve un array con la multiplicación acumulada de los elementos a lo largo del array	Medidas de dispersión  Desviación respecto a la media la diferencia en valor absoluto entre cada valor de los datos y su media aritmética  diferencias = df['columna'] - df['columna'].mean() desviación_media = np.abs(diferencias)	<pre>df['columna1'].corr(df['columna2'] calcula la correlacion entre dos variables matriz_correlacion = df.corr() crea una matriz mostrando las correlaciones entre todos los variables sns.heatmap(df.corr()[['column1', 'column2']], cmap = 'color_palette', annot = True, vmin = -1, vmax = 1) crea una grafica heatmap de la matriz de correlaciones</pre>
crea un array de números aleatorios entre dos valores;  forma_matriz: (z,y,x)  z: número de arrays y: número de filas x: número de columnas  array = np.random.randint(inicio, final) devuelve un número aleatorio en el rango  array = np.random.rand(z,y,x) crea un array de floats aleatorias con la forma que le especificemos; por defecto genera números aleatorios entre 0-1  array = np.random.random sample((z,y,x)) crea un array de	array = np.swapaxes(array, posicion, posicion) intercambia dos ejes de una matriz usando las posiciones (z=0,y=1,x=2) de la forma original  Otras operaciones  np.sort(array) devuelve un array con los valores de cada fila ordenados en orden ascendente por defecto  np.sort(array, axis = 0) devuelve un array con los valores de cada columna ordenados en orden ascendente	Operaciones sin parámetro del axis: np.sqrt(array) devuelve un array con la raíz cuadrada no negativa de cada elemento del array np.exp(array) devuelve un array con el exponencial de cada elemento del array np.mod(array1, array2) devuelve un array con el resto de la división entre dos arrays np.mod(array1, n) devuelve un array con el resto de la división entre el array y el valor de n np.cos(array) devuelve un array con el coseno de cada elemento del array	Varianza medida de dispersión; la variabilidad respecto a la media df['columna'].var()  Desviación estándar o desviación típica la raíz cuadrada de la varianza; cuanto mayor sea, mayor será la dispersión o variabilidad en nuestros datos df['columna'].std()  Robustez - cuanto más cantidad de datos, más robustos	Sesgos (skewness) medida de la asimetría de la distribución de los valores de una variable alrededor de su valor medio - valor de sesgo positivo: sesgado a la derecha - valor de sesgo negativo: sesgado a la izquierda - valor de sesgo igual a 0: valores simetricos sns.displot(df['columna'], kde = True) crea un histograma que muestra la distribution de los valores import scipy.stats import skew skew(df['columna'] muestra el valor del sesgo de una
floats aleatorias con la forma que le especificemos; por defecto genera números aleatorios entre 0-0.9999999  array = np.random.z,y,x=None) devuelve un número aleatorio en 0 y 0.999999999999  np.round(np.random.rand(z,y,x), n) crear array con floats	<pre>np.sort(-array) cada fila ordenados en orden descendente np.round(array, decimals = x) valores del array redondeados a x decimales np.round(array, decimals = x) valores del array redondeados a x decimales valores del array redondeados a x decimales</pre>	<pre>np.sin(array) devuelve un array con el seno de cada elemento del array np.sin(array) devuelve un array con la tangente de cada elemento del array  Operaciones de comparación en arrays</pre>	<pre>1/n donde n es el numero de registros Coeficiente de variación el cociente entre la desviación típica y la media; cuanto mayor sea, mayor será la dispersión en nuestros datos df['columna'].std() / df['columna'].mean()</pre>	Intervalos de confianza describe la variabilidad entre la medida obtenida en un estudio y la medida real de la población (el valor real)
de n decimales  np.random.uniform(n,m, size = (z,y,x))  aleatorias de una distribución uniforme en el intervalo  entre n y m  np.random.binomial(n,m, size = (z,y,x))  con una distribución binomial; n es el numero total de  pruebas; m es la probabilidad de éxito	np.where(array > x) devuelve los indices de los valores que cumplan la condición, por fila y columna  Operaciones con arrays np.add(array1, array2) suma dos arrays	bidimensionales  np.any(array > n) devuelve True o False segun si cualquier valor del array cumpla con la condicion  np.any(array > n, axis = b) devuelve un array con  True o False por cada columna o fila según si algún valor de la fila o columna cumpla con la condición	<pre>Percentiles divide datos ordenados de menor a mayor en cien partes; muestra la proporción de datos por debajo de su valor percentil_n = np.percentile(df['columna'], n) saca el valor en el percentil n</pre>	<pre>import scipy.stats as st st.t.interval(alpha = n, df = len(df['columna']-1, loc = np.mean(df['columna']), scale = st.sem(df['columna'])) devuelve el rango de valores para lo cual hay un n% de</pre>
np.random.normal(loc = n, scale = m, size = (z,y,x)) genera números aleatorios de una distribución normal (curva de campana); loc es la media; scale es la desviación estándar np.random.permutation(array) devuelve un array con los mismos valores mezclados aleatoriamente	np.subtract(array1, array2) resta el array2 del array1 np.multiply(array1, array2) multiplica dos arrays np.divide(array1, array2) divide el array1 por el array2 array + n, n * array, etc operadores algebraicos	np.all(array > n) devuelve True o False segun si todos los valores del array cumpla con la condicion np.all(array > n, axis = b) devuelve un array con True o False por cada columna o fila según si todos los valores de la fila o columna cumplan con la condición	Rangos intercuartílicos medida de dispersión: diferencia entre cuartiles 75 y 25 q3, q1 = np.percentile(df["columna"], [75, 25]) saca los tercer y primer cuartiles rango_intercuartílico = q3 - q1	probabilidad que un valor real cae en ese rango alpha: porcentaje de confianza (p.ej. 90%, 95%, o 99%) df: los datos loc: la media scale: la desviación estándar

**EDA** Exploratory Data Analysis Análisis exploratorio de datos

El Análisis Exploratorio de Datos se refiere al

proceso de realizar una serie de investigaciones

inciales sobre los datos que tenemos para poder

hipótesis y comprobar suposiciones con la ayuda de

descubrir patrones, detectar anomalías, probar

.head(), .tail(), .describe(), .info(), .shape

stb.freq() devuelve el value counts de variables

stb.missing() tabla de cuenta de nulos y el

quitar duplicados (filas o columnas)

separar columna en dos con str.split()

decidir como tratar outliers: mantenerlos,

eliminarlos, o reemplazarlos con la media,

- eliminar filas o columnas con nulos drop.na()

- reemplazarlos con la media, mediana o moda

- imputer con metodos de machine learning

usando la libreria sklearn: Simple-Imputer,

Analizar relaciones entre las variables

matriz de correlación y heatmap

Relaciones entre dos variables numéricas:

Relaciones entre dos variables categóricas:

3. Analizar relaciones entre variables

para encontrar patrones, relaciones o anomalias

regplot - scatterplot con línea de regresion

joinplot - permite emparejar dos gráficas - una

histograma con scatter o reg plot por ejemplo

Relaciones entre variables numéricas y categóricas:

mediana o moda; o aplicar una imputacion

cambiar tipo de datos de columnas

cambiar nombres de columnas

crear intervalos con pd.cut()

crear porcentajes o ratios

decidir como tratar nulos:

- imputar valores perdidos:

usando .fillna() o .replace()

Iterative-Imputer, o KNN Imputer

scatterplot

countplot

swarmplot

violinplot

pointplot

boxplot

categóricas, mas el porcentaje, cuenta cumulativa y

estadísticas y representaciones gráficas.

1. Entender las variables

si temenos nulos o duplicados

que valores unicos temenos

.unique(), .value\_counts()

que variables temenos

que tipos de datos

.dtypes(), .info()

.duplicated().sum()

librería sidetable:

porcentaje cumulativa

porcentaie del total

2. Limpiar el dataset

ordenar columnas

isnull().sum()

Extraccion obtener datos crudos v almacenarlos

- Tablas de bases de datos SOL o NoSOL - Ficheros de texto plano

- Emails - Información de páginas web - Hoias de cálculo

- Ficheros obtenidos de API's

**ETL: Extract, Transform, Load** 

Transformación procesar los datos, unificarlos, limpiarlos,

validarlos, filtrarlos, etc. - Formetear fechas - Reordenar filas o columnas

- Unir o separar datos - Combinar las fuentes de datos

- Limpiar y estandarizar los datos - Verificar y validar los datos - Eliminar duplicados o datos erroneos

- Filtrado, realización de calculos o agrupaciones

Carga

complejidad de los datos. Los sistemas más comunes suelen ser:

- Ficheros csv - Ficheros ison

- cargar los datos en su formato de destino, el tipo

de lo cual dependerá de la naturaleza, el tamaño y la

- Bases de datos - Almacenes de datos (Data Warehouse)

- Lagos de datos (Data Lakes)

**APIs** 

import requests libreria para realizar peticions HTTP a una URL, para hacer web scraping url = 'enlace' el enlace de la que queremos extraer datos header = {} opcional; contiene informacion sobre las

peticiones realizadas (tipo de ficheros, credenciales) response = requests.get(url=url, header = header) pedimos a la API que nos de los datos variables = {'parametro1':'valor1'. 'parametro2': 'valor2'}

response = request.get(url=url, params=variables) pedimos a la API que nos de los datos con los parametros segun el diccionario de parametros que le pasamos

response.status code devuelve el status de la peticion response.reason devuelve el motive de codigo de estado response.text devuelve los datos en formato string response.json() devuelve los datos en formato json df = pd.json normalize(response.json) devuelve los datos en un dataframe

Codigos de respuesta de HTTP

1XX informa de una 4XX error durante peticion respuesta correcta 401 peticion incorrecta 2XX codigo de exito 402 sin autorizacion 403 prohibido 200 OK 201 creado 404 no encontrado 202 aceptado 5XX error del servidor 204 sin contenido 501 error interno del servidor 3XX redireccion 503 servicio no disponible

Hipótesis nula (H0) - en general es la afirmación contraria a la que queremos probar Hipótesis alternativa (H1)

- en general la afirmación que queremos comprobar

**Machine Learning: Preparación** 

Hipotesis Nula y Errores Tipo I y II

- medida de la probabilidad de que una hipótesis nula sea cierta - valor entre 0 y 1

- si \*p-valor\* > 0.05 ✔ Aceptamos la hipótesis nula. Error Tipo I: - rechazar la hipótesis nula cuando es verdadera

- si \*p-valor\* < 0.05 **X** Rechazamos la hipótesis nula.

**Error Tipo II:** 

- aceptar la hipótesis nula cuando es falsa

Tests estadísticos

Normalidad

- la variable respuesta tiene que tener una distribución normal para poder crear un modelo de regresión lineal Visualmente:

más alineados están los puntos entorno a la recta, más normales

- histograma o distribución - grafico de cuantiles teóricos (0-0)

serán nuestros datos import statsmodels.api as sm

sm.qqplot(datos, line ='45') Metodos analiticos:

Asimetría

- distribuciones asimétricas positivas: media > mediana y moda - distribuciones asimétricas negativas: media < mediana y moda

from scipy.stats import skew skew(datos\_normales) método de scipy que calcula el sesgo df['columna'].skew() método de pandas que calcula el sesgo

Curtosis

- leptocurtosis: valor de curtosis mayor que 0 (pico alto) mesocurtosis: valor de curtosis igual a 0 (pico medio)

platicurtosis: valor de curtosis menor que 0 (plana) from scipy.stats import kurtosistest

kurtosistest(datos) devuelve un p-valor - p-valor del test > p-valor (alfa) 0.05: datos normales

- p-valor del test < p-valor (alfa) 0.05: datos NO normales Test de Shapiro-Wilk

- para muestras < 5000

- hipótesis nula: distribución normal from scipy import stats

stats.shapiro(df["datos"]) - p-valor del test > p-valor (alfa) 0.05: datos normales - p-valor del test < p-valor (alfa) 0.05: datos NO normales

Test de Kolmogorov-Smirnov - para muestras > 5000

- hipótesis nula: distribución normal

from scipy import kstest kstest(df["datos"], 'norm')

- p-valor del test > p-valor (alfa) 0.05: datos normales - p-valor del test < p-valor (alfa) 0.05: datos NO normales Variables numéricas: Correlaciones

- las variables predictoras tienen que ser independientes para

pairplot sns.pairplot(df) covarianza

poder crear un modelo de regresión lineal

**Independencia** entre variables predictoras

Tests estadísticos

df numéricas.cov() - correlación de Pearson (relación lineal) df numéricas.corr()

- correlación de Spearman (relación no lineal) df numéricas.corr(method = 'spearman')

- correlación de Kendall (datos numéricos pero categóricos y ordinales) df numéricas.corr(method = 'kendall')

- V-Cramer: varía entre 0 y 1 - más cerca a 1 más dependientes

Variables categóricas: Chi-cuadrado

- límite de 0,7 para hacer ML

crosstab, test results, expected = rp.crosstab (df["col1"], df["col2"], test= "chi-square", expected\_freqs= True, prop= "cell")

varianzas en comparación con la variable respuesta

test results devuelve los resultados del test en un **Homocedasticidad** (homogeneidad de varianzas) - las variables predictoras tienen que tener homogeneidad de

Visualmente: violinplot

import researchpy as rp

- regplot (columnas numéricas vs variable respuesta) Metodos analiticos:

- test de Levene (más robusto ante falta de normalidad) o Bartlett

from scipy import stats from scipy.stats import levene

Variables categóricas:

- hay que crear un dataframe para cada valor único de

las columnas categóricas df valor1 = df[df['col1'] == 'valor1']['col VR'] df valor2 = df[df['col1'] == 'valor2']['col VR']

levene test = stats.levene(df valor1, df valor2, center='median') bartlett test = stats.bartlett(df valor1, df valor2,

Variables numéricas:

center='median')

- hav que crear un dataframe de las columnas numéricas sin la variable respuesta

for col in df numericas.columns: statistic, p\_val = levene(df[col], df['col\_VR'], center='median')

resultados[col] = p val devuelve los p-valores en un diccionario

diferentes, heterocedasticidad

- p-valor del test > p-valor (alfa) 0.05: varianzas iguales, homocedasticidad

- p-valor del test < p-valor (alfa) 0.05: varianzas

df["col esta"] = (df ["col VR"] - df ["col VR"].media()) / (df ["col VR"].std()

Estandarización

Método manual

Sklearn StandardScaler from sklearn.preprocessing import StandardScaler

Normalización

df["col VR"].min())

Método raiz cuadrada

Método stats.boxcox()

Método MinMaxScaler

modelo = MinMaxScaler()

modelo.fit(df["col VR"])

columns = ['col norm'])

df['col norm'] = df datos norm

from scipy import stats

stats.boxcox(df["col VR"])

df["col norm"], lambda ajustada =

math.sart(x))

np.log(x) if x > 0 else 0)

Método logarítmica

df["col norm"] = (df["col VR"] -

df["col VR"].media()) / (df["col VR"].max() -

df["col norm"] = df["col VR"].applv(lambda x:

df["col norm"] = df["col VR"].apply(lambda x:

from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler

datos normalizados = modelo.transform(df["col VR"])

df datos norm = pd.DataFrame(datos normalizados,

\*no se puede hacer si algún valor sea 0\*

Método manual

scaler = StandardScaler() scaler.fit(df num sin VR)

scaler = RobustScaler()

(df\_num\_sin\_VR)

datos estandarizados = scaler.transform (df num sin VR)

scaler.fit(df num sin VR)

columns = df num sin VR.columns)

df\_datos\_esta = pd.DataFrame(datos\_estandarizados,

columns = df num sin VR.columns) Sklearn RobustScaler from sklearn.preprocessing import RobustScaler

df datos esta = pd.DataFrame(datos estandarizados,

datos estandarizados = scaler.transform