```
Creado el 4 de junio de 2018
Actualizado el 4 de mayo de 2020
Ejemplo de script para usar con el módulo de automatización disgenet.
Antes de ejecutar este script, asegúrese de que Cytoscape se esté ejecutando.
@autor: jsauch
importar json
solicitudes de importación
def disgenetRestUrl(netType,host="127.0.0.1",port=1234,version="v7"):
    """Crea una URL REST válida para la llamada REST al módulo de automatización disGeNET.
    @param netType Una cadena que contiene el tipo de red que se creará.
    @param host El host de la URL, por defecto 127.0.0.1 (localhost). Para cambiar el host hazlo
manualmente.
    @param port El puerto de escucha, por defecto 1234. Para cambiar el puerto, hágalo manualmente.
    @param version La versión del módulo de automatización, por defecto v7.
    url = "http://"+host+":"+str(puerto)+"/disgenet/"+version+"/"+netType
   URL de retorno
def disgenetRestCall(netType,netParams):
    """Ejecuta una llamada REST al módulo de automatización disGeNET en Cytoscape y recupera el resultado de
la operación.
    Esta función crea la URL para la llamada rest automáticamente con los valores predeterminados.
    @param netType Una cadena que contiene el tipo de red que se creará.
    @param params Una lista con los parámetros de la red. Verifique los posibles parámetros en la interfaz
de usuario Swagger de cytoscape.
    @return result Una lista con los resultados de la operación.
    @autor jsauch
    url = disgenetRestUrl(netType)
    ENCABEZADOS = {'Tipo de contenido': 'aplicación/json'}
    restCall = request.post(url,data=json.dumps(netParams),headers=HEADERS)
    resultado = restCall.json()
    resultado de retorno
def imprimirHash(hashParaImprimir):
    """Imprime todos los valores-clave que se encuentran en un diccionario de Python (hash) con una sola
línea para la entrada y el formato clave-valor.
    @param hashToPrint hash que se va a imprimir.
    @autor jsauch
    para clave, valor en hashToPrint.items():
        imprimir(clave+" - "+valor)
def imprimirResultadoOperación(ResultadoOperación):
    """Imprime la respuesta de la llamada REST al módulo de automatización DisGeNET.
    @param hashToPrint hash que se va a imprimir.
    @autor jsauch
    mensaje = resultadoOperación["mensaje"]
    imprimir (mensaje)
    si 'networkResult' en operaciónResultado:
        netResult = operaciónResultado["redResultado"]
        printHash(resultadoneto)
    elif 'errores' en operaciónResultado:
        errores = resultado de la operación["errores"]
        printHash(errores)
#Ejemplo de parámetros para la red gen-enfermedad.
geneDisParams = {
    "fuente": "UNIPROT",
    "assocType": "Variación genética",
    "diseaseClass": "Neoplasias"
    "búsqueda de enfermedades": ""
    "geneSearch": "",
    "initialScoreValue": "0.0",
    "finalScoreValue": "1.0"
```

```
varianteDisParams = {
    "fuente": "UNIPROT",
    "assocType": "Variación genética",
    "diseaseClass": "Neoplasias",
    "búsqueda de enfermedades": " ",
    "geneSearch": " ",
    "variantSearch": " ",
    "initialScoreValue": "0.0",
    "finalScoreValue": "1.0",
    "showGenes": "verdadero"
    }

#Genere la red de enfermedades genéticas y muestre los resultados y muestre los resultados.
printOperationResult(disgenetRestCall("gene-disease-net", geneDisParams))
#Generar la red de variantes de enfermedades y mostrar los resultados.
printOperationResult(disgenetRestCall("variante-enfermedad-net", varianteDisParams))
```

#Ejemplo de parámetros para la red de enfermedades variantes.