

贝叶斯统计

马尔可夫链蒙特卡洛算法和Stan语言

Markov Chain Monte Carlo and Stan

第三天

- Stan语言
 - 11am – 12:30pm, 20 mins break
- 层次模型
 - 12:50pm – 3pm

其他 MCMC 算法

- 自己写的 MCMC 代码通常依赖于吉布斯采样算法、Metropolis 算法、切片采样 (slice sampling)
- 这些模型的代码写起来都非常耗时，并且涉及繁琐的数学运算
- 对模型的小调整都需要很长的时间去重新写代码

概率编程 (Probabilistic Programming Languages)

- 概率编程指用户通过编程语言，指定和估计概率模型（例如贝叶斯模型）
- 一些较老的软件 (BUGS, JAGS) ，主要使用吉布斯采样算法 和 Metropolis Hastings 算法
- 较新的软件大多使用哈密尔顿蒙特卡洛 (Hamiltonian Monte Carlo) 算法
 - 此算法的灵感来自物理学。因为其较为复杂，所以我们将在本课程中不做介绍

Stan 编程语言

- 使用 C++ 语言
 - 这有助于代码快速运行！
- 它的 API 适用于多种语言，包括 R、Stata、Python 等
- 允许用户从各种各样的概率分布中进行选择，以制定灵活的先验分布和似然函数
- 加速建模的过程



Stanislaw Ulam
Physicist
1909-1984

Stan的一个例子

$$y_i \stackrel{i.i.d.}{\sim} Normal(\mu, \sigma^2) \quad i = 1, \dots, 1000$$

$$\mu \sim Normal(\mu_0 = 100, \sigma_0^2 = 10)$$

$$\sigma^2 \sim Inverse\ Gamma(a = .01, b = .01)$$

从后验分布中抽取样本，
以进行后验预测检查

```
data {  
    int<lower=0> N;  
    array[N] real y;  
}  
parameters {  
    real mu;  
    real<lower=0> sigmasq;  
}  
transformed parameters {  
    real<lower=0> sigma;  
    sigma = sqrt(sigmasq);  
}  
model {  
    y ~ normal(mu, sigma);  
    mu ~ normal(100, sqrt(10));  
    sigmasq ~ inv_gamma(0.01, 0.01);  
}  
generated quantities {  
    array[N] real sample_dataset;  
    for (i in 1:N) {  
        sample_dataset[i] = normal_rng(mu, sigma);  
    }  
}
```

Stan 使用标准差而不是方差
作为正态分布的参数

R 演示

有效样本量 (Effective Sample Size)

	mean	se_mean	sd	2.5%	5%	50%	95%	97.5%	n_eff	Rhat
mu	104.99	0	0.04	104.91	104.93	104.99	105.05	105.06	3684	1
sigmasq	1.43	0	0.06	1.31	1.33	1.42	1.53	1.56	3209	1

- N_eff: 有效样本量 (effective sample size)
- 我们生成了 4000 个自相关的样本
- 4000 个自相关样本大致相当于 3684 个独立样本

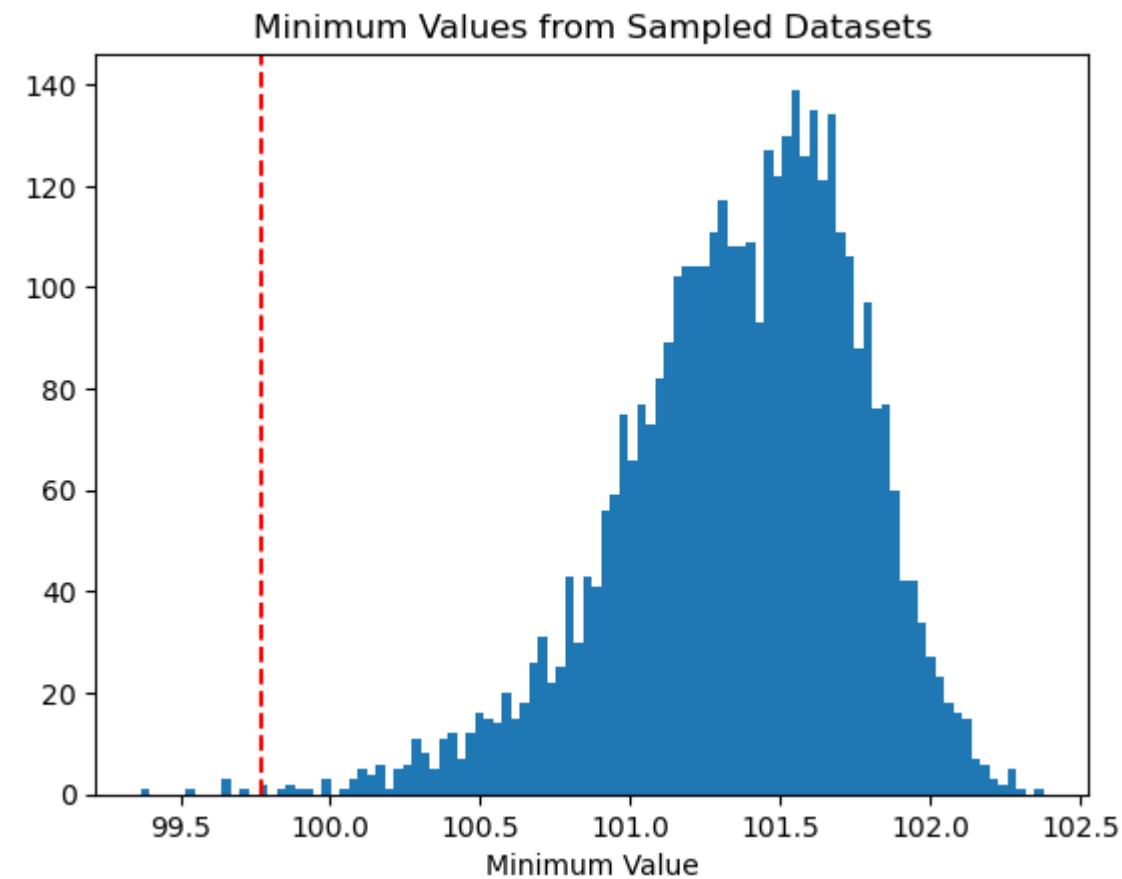
Rhat (Gelman-Rubin 检验)

	mean	se_mean	sd	2.5%	5%	50%	95%	97.5%	n_eff	Rhat
mu	104.99	0.04	104.91	104.93	104.99	105.05	105.06	105.06	3684	1
sigmasq	1.43	0.06	1.31	1.33	1.42	1.53	1.56	1.56	3209	1

- 运行多条MCMC链并进行比较
 - 如果链与链之间非常不同，这就是没有收敛的证据
- 当Rhat近于1时代表收敛，且不应大于1.05
- Rhat值越大，说明MCMC链没有收敛
 - 但低值并不能确保收敛！需要进行其他检验，例如迹线图

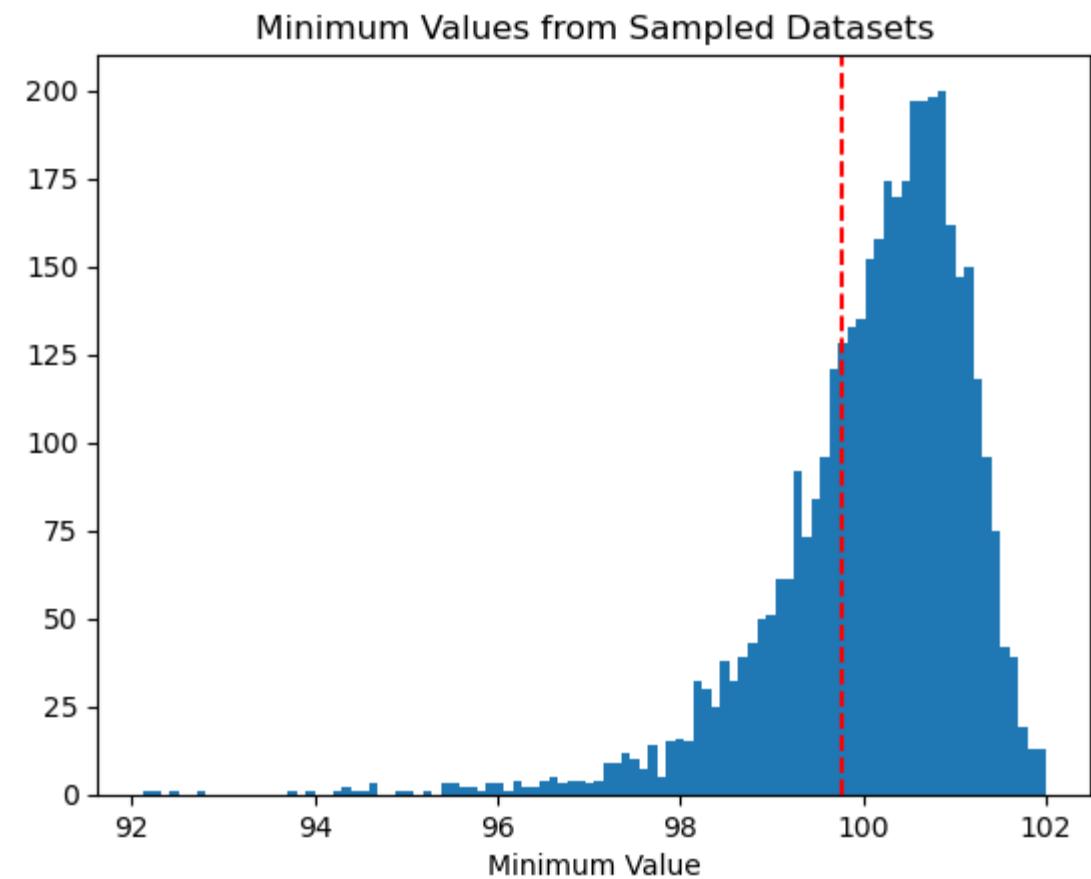
回顾后验预测检查

- 观测到的数据的最小值是 99.8
- 这与我们复制的数据一致吗？
- 我们的 4,000 次复制中只有 7 次的最小值在 99.8 左右



在Stan里可以简便的更改似然函数

```
data {  
    int<lower=0> N;  
    vector[N] y;  
}  
parameters {  
    real mu;  
    real<lower=0> sigmasq;  
}  
transformed parameters {  
    real<lower=0> sigma;  
    sigma = sqrt(sigmasq);  
}  
model {  
    y ~ student_t(8, mu, sigma);  
    mu ~ normal(100, sqrt(10));  
    sigmasq ~ inv_gamma(0.01, 0.01);  
}  
generated quantities {  
    vector[N] sample_dataset;  
    for (i in 1:N) {  
        sample_dataset[i] = student_t_rng(8, mu, sigma);  
    }  
}
```



共轭先验分布不再是必须

- 由于 Stan 不使用吉布斯抽样，因此共轭先验分布不再是必须
- 早些时候，我们提到使用逆伽马先验分布可能存在问题
- 用截断正态分布先验分布 (truncated normal distribution) 作为先验分布可能更加合理
- 一些建议：
[https://github.com/stan-dev/stan-wiki/Prior-Choice-Recommendations](https://github.com/stan-dev/stan/wiki/Prior-Choice-Recommendations)

```
data {  
    int<lower=0> N;  
    vector[N] y;  
}  
parameters {  
    real mu;  
    real<lower=0> sigma;  
}  
model {  
    y ~ student_t(8, mu, sigma);  
    mu ~ normal(100, sqrt(10));  
    sigma ~ normal(0, 100);  
}  
generated quantities {  
    vector[N] sample_dataset;  
    for (i in 1:N) {  
        sample_dataset[i] = student_t_rng(8, mu, sigma);  
    }  
}
```



例子

- 线性回归
- $y \sim Normal(\alpha + x' \beta, \sigma^2)$
- 如果用户没有指定先验分布，在没有先验的情况下，Stan 将使用默认的非正常先验分布（improper prior）
- <https://mc-stan.org/docs/stan-users-guide/linear-regression.html>

```
data {  
    int<lower=0> N; // number of data items  
    int<lower=0> K; // number of predictors  
    matrix[N, K] x; // predictor matrix  
    vector[N] y; // outcome vector  
}  
  
parameters {  
    real alpha; // intercept  
    vector[K] beta; // coefficients for predictors  
    real<lower=0> sigma; // error scale  
}  
  
model {  
    y ~ normal(x * beta + alpha, sigma); // likelihood  
}
```

例子

- 逻辑回归

- $\Pr(y = 1) = \frac{1}{1 + \exp(-(\alpha + \beta x))}$

- <https://mc-stan.org/docs/stan-users-guide/logistic-probit-regression.html>

```
data {  
    int<lower=0> N;  
    vector[N] x;  
    array[N] int<lower=0, upper=1> y;  
}  
parameters {  
    real alpha;  
    real beta;  
}  
model {  
    y ~ bernoulli_logit(alpha + beta * x);  
}
```

例子

- AR(1) 时间序列模型
- $y_t \sim Normal(\alpha + \beta y_{t-1}, \sigma^2)$
- <https://mc-stan.org/docs/stan-users-guide/autoregressive.html>

```
data {  
    int<lower=0> N;  
    vector[N] y;  
}  
parameters {  
    real alpha;  
    real beta;  
    real<lower=0> sigma;  
}  
model {  
    for (n in 2:N) {  
        y[n] ~ normal(alpha + beta * y[n-1], sigma);  
    }  
}
```

关于使用Stan的一些小贴士

- 不用再把目光限制在共轭先验分布上
- 缩放你的数据和先验分布，使它们的均值为0，标准差为1
 - 使用“transformed parameters”
 - 无信息先验分布可能会减慢代码运行的速度
 - <https://mc-stan.org/docs/stan-users-guide/standardizing-predictors-and-outputs.html>
- 查阅Stan的说明书！里面提供了很好的贴士和示例

关于Stan的结语

- Stan使贝叶斯建模变得容易
- Hamiltonian MCMC 算法使它比吉布斯抽样更加高效
- C++ 语言使代码运行速度更快，但也增加了它的复杂性
 - E.g. 很难在 Windows 上安装 PyStan
 - 报错的原因更难理解
- 可能难以处理某些类型的模型 (e.g. 离散参数 discrete parameters)
 - 有变通的办法，但都很复杂
- 在大型数据上运行可能会非常慢
 - 有时重参数化 (reparameterization) 或缩放 (scaling) 可以提供帮助