

Zea mays

Axis1 - Assembly

Clément Birbes
Christophe Klopp
Claire Kuchly

Amaizing – Assembly production

- 25 Maize :

- 23 Sequenced
- 23 Assembled and scaffolded
- 15 Available assemblies

- Problems encountered :

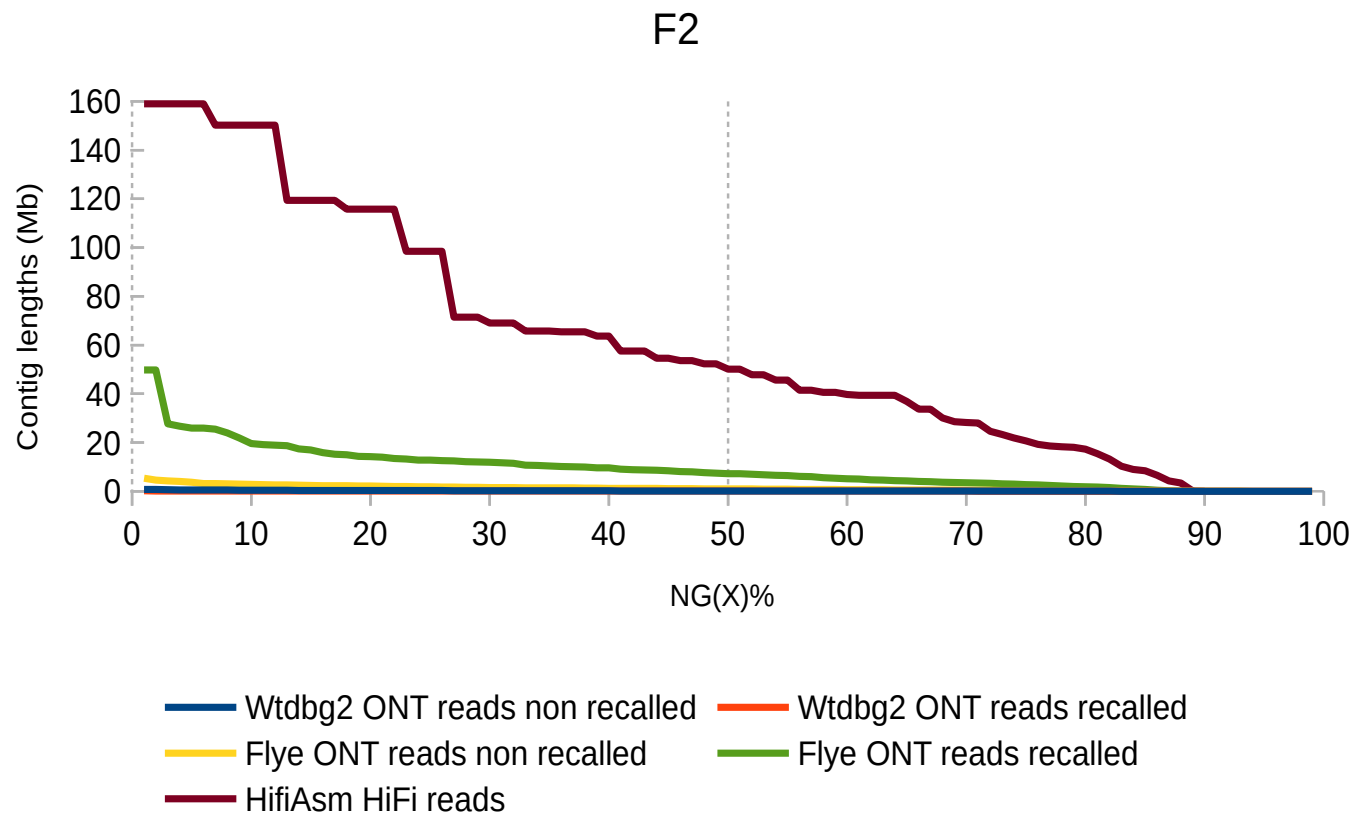
- Resources needed for scaffolding
- RagTag struggles in telomeric areas
- **Mitochondria and chloroplasts are not scaffolded**



	F2				F4			
	original	%	rebasecall	%	original	%	rebasecall	%
Total reads	2 998 334		2 998 326		15 972 729		14 395 282	
Reads mapped	2 605 045	87	2 684 131	90	13 517 315	85	12 576 475	87
Unmapped	393 289	13	314 195	10	2 455 414	15	1 818 807	13
Reads total length	54 124 161 572		55 269 005 540		202 945 366 984		185 205 782 426	
Bases mapped	51 240 577 547	95	53 010 921 912	96	187 737 313 806	93	174 677 375 407	94
Mismatches	8 710 680 341	16	6 142 810 812	11	32 111 337 408	16	23 180 990 715	13

- Less reads, filtered by guppy
- Better alignment
- Less mismatches

Rebasecalling – F2 Flye Assembly



Partenaires du projet

SeqOccln

Coordination

Cécile Donnadiou
Christine Gaspin
Carole Iampietro
Denis Milan

Axe1 Génomique

Clément Birbes
Arnaud Di-Franco
Andreea Dréau
Camille Eché
Thomas Faraut
Carole Iampietro
Christophe Klopp
Claire Kuchly
Camille Marcuzzo
Amandine Suin
Matthias Zytnicki

Axe2 Epigénétique

Remy Félix Serres
Paul Terzian
Celine Vandecasteele
Christophe Klopp

Axe3 Métagénomique

Adrien Castinel
Jean Mainguy
Olivier Bouchez
Géraldine Pascal
Claire Hoede

Axe 4 Transversal

Amandine Broha
Abdias-Archimede Towe-Patipe
Erwan Denis
Romain Therville
Didier Laborie
Céline Noirod
Gérald Salin
Marie-Stéphane Trotard

GenPhySE

Julie Demars
Cédric Cabau
Sylvie Combes
Patrice Dehais
Thomas Faraut
Katia Feve
Nathalie Iannucelli
Sophie Leroux
Géraldine Pascal
Frédérique Pitel

MIAT

Matthias Zytnicki

GABI

Didier Boichard
Mekki Boussaha
Sébastien Fritz
Cécile Grohs

Le Moulon

Alain Charcosset
Johann Joets
Delphine Madur
Stéphane Nicolas
Rémi Séraphin
Clémentine Vitte

