# Métodos Computacionais em R

Claudiano Neto, Dr.

Universidade Federal do Recôncavo da Bahia Cruz das Almas, BA, BRA

Novembro, 8, 2021





# Agradecimentos

- Esses slides são fortemente baseados no trabalho da Dra. Silvia Canelón (@spcanelon), "Tour of the Tidyverse", bem como nos slides da Dra. Sara Mortara e da Dra. Andrea Sánchez-Tapia (Instituto Hub).
- Para isso usei xaringan to Dr. Yihui Xie e xaringanExtra to do Garrick Aden-Buie, e adaptado do R-Ladies xaringan theme designed by Alison Hill
- Utilizaremos várias referências, todas disponíveis nesse link GitHub

### apresentação



- Claudiano Carneiro da Cruz Neto Economista (UESC), MSc. Desenvolvimento Regional e Meio Ambiente (UESC), Dr. em Economia (UNB). Sou usuário do R desde 2018, e me considero apaixonado por essa linguagem de programação. Amo trabalhar estudando a interface entre Economia e Meio Ambiente, por isso a maioria dos meus trabalhos está direcionado para essa linha de pesquisa.
- Website, Twitter, Github
- Grupo de Estudos em Economia e Meio Ambiente Se quiser saber mais, clique aqui

### sobre nosso curso



#### Ambientação ao R e ao RStudio

- Vantagens de usarmos programação para analisar dados
- O que é e por que usar o RStudio
- Escrevendo e rodando códigos

#### Introdução à programação em R

- Objetos e vetores
- Classes: números, caracteres, lógicos e data frames
- Operadores de seleção; utilizar e criar funções no R
- Operadores lógicos e aritméticos
- Loopings de programação: for e while
- O operador pipe (%>%)

## sobre nosso curso - continuação



#### Programação no dia a dia

- Exemplos de scripts reais
- Usando e instalando pacotes
- Estruturação de projetos
- Boas práticas de programação em R

#### Importação de bases para dentro do R

- Importando arquivos de texto: .csv e .txt
- Importando arquivos excel: .xls e .xlsx

### sobre nosso curso - continuação



#### Manipulação de bases de dados (o pacote tidyverse)

- Selecionando colunas
- Filtrando e ordenando linhas
- Modificando e criando colunas
- Criando sumarizações
- Juntando duas bases

#### **Gráficos (o pacote ggplot2)**

- Gráficos de pontos (dispersão)
- Gráficos de barras
- Boxplots e histogramas
- Customizando gráficos

### sobre nosso curso - continuação



#### Construindo artigos e relatórios em R Markdown

- Introdução ao R Markdown
- Construindo relatórios em HTML, PDF e Word

## sobre hoje



- 1. conhecendo a linguagem R e fluxo de trabalho
- 2. introdução ao R
- 3. manipulação de dados
- 4. criando figuras básicas

## códigos de apoio

UF B

todos os códigos diponíveis em:

um bestiário de funções úteis

### antes de começar



- procure a janela de chat do zoom, e não hesite em fazer perguntas
- tem um botão verde para contar se tudo está certo. Periodicamente vamos perguntar se todo mundo está acompanhando, por favor use este botão ou responda no chat
- pode abrir sua câmera :) procure manter seu microfone silenciado.

1. conhecendo a linguagem R e fluxo de trabalho

### por que R?



- linguagem de código aberto, livre & sem custo: um dos pilares da ciência aberta
- baseada em scripts: essencial para reprodutibilidade, facilidade para ampliar a escala, transparência, correção/robusteza
- acessível (em comparação a outras linguagens de programação)
- muito comum na Biologia, Ciência de Dados e outras áreas. A escolha para quem precisa fazer analises estatísticas
- interdisciplinar e modular: muitos pacotes são escritos por especialistas
- uma filosofia de passar facilmente do uso à programação

### por que R?



- ferramentas para **comunicar os resultados**: manuscritos, presentações, *apps*
- comunicação com otras linguagens de programação (ex. python e reticulate)
- ótima capacidade gráfica
- suporte oficial: documentação, vignettes, listas de email
- suporte não oficial: uma comunidade ativa: listas de email, grupos de usuáries (useR), capítulos de R-Ladies+, comunidade de RStudio, Stack Overflow,

### R tem uma estrutura modular: pacotes



- a instalação de base de R inclui pacotes mantidos pelo R Core Development Team
- repositório oficial de pacotes: CRAN (The Comprehensive R Archive Network https://cran.r-project.org/) or Bioconductor, GitHub, rOpenSci.org
- pacotes fora da instalação de base precisam ser **instalados** e **carregados**
- os pacotes são coleções de **funções**
- as funções têm **opções**: "parâmetros", "argumentos"
- vamos manter a convenção nome\_da\_funcao() e pacote::nome\_da\_funcao() quando for preciso especificar o pacote ao qual a função pertence.

#### Então vamos instalar o R



- A instalação padrão do R é feita a partir do CRAN, uma rede de servidores espalhada pelo mundo que armazena versões idênticas e atualizadas de códigos e documentações para o R.
- Para instalar o R no Windows, siga os seguintes passos:
- Acesse o CRAN: https://www.r-project.org/
- No menu à esquerda, encontre a opção Download e clique em CRAN.
- Escolha a opção de servidor (mirror) mais próxima de você.

#### Então vamos instalar o R.



- Clique na opção base. Na nova página, clique em \*Download R x.x.x for Windows, sendo x.x.x o número da versão que será baixada. Em qualquer problema, tente escolher outro servidor no passo 3.
- Feito o download, clique duas vezes no arquivo baixado e siga as instruções para instalação.
- Para realizar o Download R 4.1.0 para Windows, clique no link:(https://cran.r-project.org/bin/windows/base/R-4.1.0-win.exe)
- pacotes fora da instalação de base precisam ser **instalados** e **carregados**

#### Então vamos instalar o R Studio.



- Agora vamos instalar a versão open source do RStudio, a IDE que utilizaremos para escrever e executar códigos em R.
- Para instalar o RStudio no Windows, siga os seguintes passos:
- Acesse a página de downloads da RStudio: https://rstudio.com/products/rstudio/download/#download
- Se você tiver acesso administrador, baixe a versão referente ao seu sistema operacional que está na lista de All Installers.
- Se você não tiver acesso de administrador, baixe a versão referente ao seu sistema operacional que está na lista de Zip/Tarballs.
- Clique duas vezes no arquivo baixado e siga as instruções para instalação.

### Pense no R assim





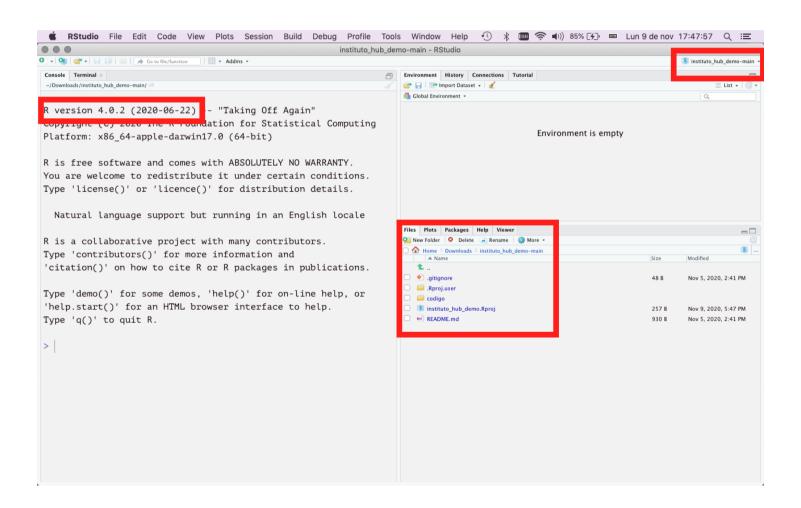
# E agora pense no R Studio





#### Visão do RStudio





#### **RStudio**



- tela separada em três paineis. criar um **script** abre o quarto painel.
- podemos executar código no console mas vamos usar o script para guardar os passos.
- escrever no script e clicar control + enter para mandar o conteúdo para o console.
- outras abas: help, environment, plots, files...

# configuração e organização de projetos

### pasta de trabalho



- R tem que saber em que pasta você está trabalhando, para poder buscar os arquivos que você quer ler, e saber onde guardar os resultados de suas análises: working directory: pasta de trabalho
- para saber onde você está: getwd()
- você pode mudar esta localização usando setwd() mas não é recomendado (erros!)
   Jenny Bryan
- melhor: em vez de abrir RStudio e trocar a pasta, abrir um script de R (extensão .R) ou um projeto de RStudio project (extensão .Rproj) já na pasta onde você vai trabalhar.
   (Igual ao que você faria abrindo um arquivo

### organização de projetos e Boas Práticas



- cada projeto de análise de dados deveria estar em uma única pasta
- **subpastas** para organizar o conteúdo.
- em vez de usar caminhos absolutos é melhor usar caminhos relativos
- evite C://usuario/seu\_nome/suas\_pastas/seu\_projeto -> caminho absoluto
- . "aqui" (o resultado de **getwd()**)
- ./subpastas (ex. /figs)
- o nível acima . .
- os **dados originais** não devem ser modificados. qualquer modificação deve ser salva à parte, junto com os scripts que fizeram a modificação.

### o projeto atual



```
./nome_do_projeto/
— README.md
— codigo
— dados
— brutos
— processados
— figs
— nome_do_projeto.Rproj
```

### os projetos de RStudio



- arquivos opcionais, com extensão .Rproj para abrir a sessão de R no local correto
- um projeto de RStudio pode ser criado clicando no canto superior direito (Project:
   none > New project)

# Introdução a R

### criação de objetos



• executar no script ou no console -> não cria nada

\_\_

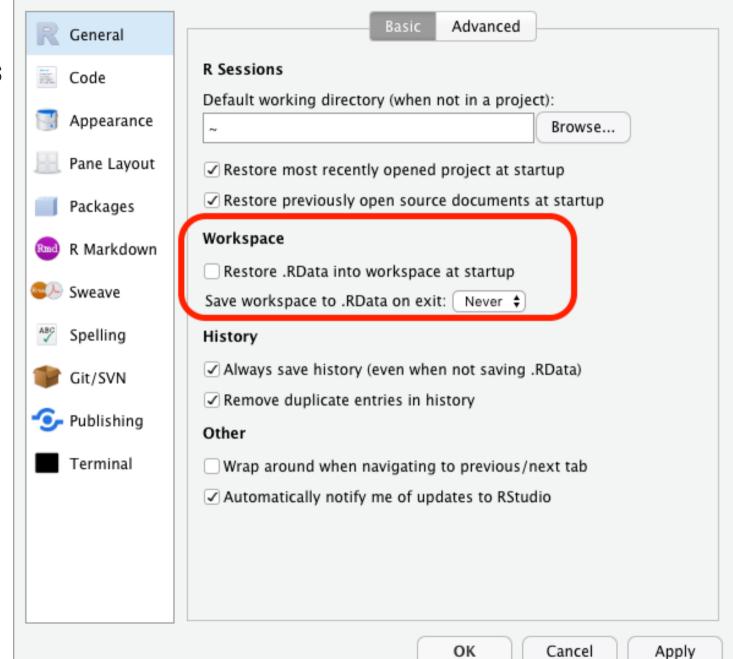
- <- serve para atribuição a objetos ALT + -</li>
- cria dentro do espaço de trabalho "workspace", aba Environment de RStudio
- pode explorar o conteúdo com ls() (listar)
- quando você cria objetos eles ocupam memória RAM do computador
- o workspace pode ser salvo e carregado entre sessões mas não é recomendável fazer isto #boaspráticas

### criação de objetos



- confiar no script para recriar todos os objetos (reprodutibilidade!)
- guardar os objetos importantes como tabelas, figuras, ou objetos individuais de R (.rda ou .rdata)
- um script deve ler ou criar objetos no início e salvar resultados no final
- é bom criar diferentes **scripts sucessivos** para manter a ordem
- você pode perder controle de como foram criados os objetos
- pode guardar objetos com erros e isto pode interferir no seu trabalho

#### nas opções gerais





### tipos de dados em R



• R entende dados **numéricos** (*numeric*, e *integer* para números inteiros), de **texto** (*character*), valores lógicos (**TRUE/FALSE**), entre outros.

```
populacao <- c(1500, 2000)
  estados <- c("Acre", "Alagoas", "Amapá", "Amazonas", "Tocantins")
  class(populacao)

## [1] "numeric"

class(estados)

## [1] "character"</pre>
```

### tipos de dados em R



```
verdadeiro_falso <- c(FALSE, TRUE)</pre>
 verdadeiro_falso
## [1] FALSE TRUE
 class(verdadeiro_falso)
## [1] "logical"
 posicao <- c(1L, 2L)</pre>
 posicao
## [1] 1 2
 class(posicao)
```

#### vetores

## [1] 5



• c() para criar - "concatenar"

```
str(estados) #estrutura

## chr [1:5] "Acre" "Alagoas" "Amapá" "Amazonas" ...

length(estados)
```

## selecionando elementos de vetores (subsetting)



- entre colchetes []
- com vetores de **posição** ou vetores **lógicos** (TRUE/FALSE)

```
estados <- c("Acre", "Alagoas", "Amapá", "Amazonas", "Tocantins")
estados[1]
estados[c(TRUE, FALSE, TRUE, FALSE)]
estados[1:2]
estados[1:4]
#estados[ 1,3,5] #NAO! a vírgula marca dimensões
estados[c(1,3,5)] #tem que ser um vetor</pre>
```





```
casos <- c(150, 200, 400, 500, 500, 600)
casos > 150
casos[casos > 150]
casos >= 150 # superior ou igual
casos < 300
casos == 200
casos != 200</pre>
```

#### operadores lógicos



- iqualdade: ==
- diferença: != (! em geral é negação)
- desigualdades: <. >, <=, >=
- união (OR/OU):
- interseção (AND): &
- pertenecimento: **%in%**
- não pertenecimento: !a %in% b

- casos == 200
- casos != 200
- casos < 300, casos >= 150
- casos < 200 | casos > 500
- casos > 200 & casos < 500
- casos %in% c(100, 200, 300)
- !casos %in% c(400)

O operador lógico cria um **vetor lógico**, a seleção vai entre colchetes:

```
casos[casos > 150]
```

## [1] 200 400 500 500 600





```
1:10

seq(1, 10, 2)

rep(1:4, 2)

rep(1:4, each = 2)

unique(casos)
```

#### estruturas de dados em R



- vetor: lineal, uma dimensão só: length()
- fatores: vetores que representam variáveis categóricas e portanto têm níveis (levels())
   factor(estados)
- matrizes: arranjos de duas dimensões de dados do mesmo tipo (dim(), nrow(), ncol()).
- listas: literalmente listas de qualquer outro objeto (inclusive listas)
- data frames: arranjos bi-dimensionais de dados de diferentes tipos (i.e., uma coluna numérica, outra com nomes, outra com um fator etc.)

#### instalando pacotes



```
# Para instalar pacotes desde CRAN
install.packages("remotes")
# Para instalar coronabr desde GitHub
remotes::install_github("cccneto/Ibamam")
# Para carregar pacotes
library(name_pckg)
# Para buscar ajuda
?name_pckg
```

## funções, argumentos e entendendo a ajuda



```
help(funcao)
?funcao
??palavra_chave
args(funcao)
```

```
help("get_corona_br")
?get_corona_br
??corona
args(get_corona_br)
```

- ou selecionar o nome da função e clicar F1
- No help estão os argumentos na ordem correta, e os valores padrão (por default) estão indicados. Se a gente não especificasse a função usaria esses valores.

#### download dos dados para Amapá



```
#library(coronabr)
caminho <- "dados/brutos"</pre>
if (!dir.exists(caminho)) {
  dir.create(caminho)
get_corona_br(dir = caminho,
              filename = "01-amapa",
              uf = "AP")
```





```
names(amapa)
dim(amapa)
nrow(amapa)
ncol(amapa)
head(amapa) # 6 linhas por padrão
tail(amapa)
rownames(amapa)
length(amapa) # numero de colunas
summary(amapa) # quantis e a média
```

#### selecionar colunas e filtrar linhas



• entre colchetes também mas as dimensões separadas por uma vírgula

```
amapa[linhas, colunas]
```

## |1| 0

```
amapa[1:3, 1:3] # 3 primeiras linhas, e três primeiras colunas

## city city_ibge_code date

## 1 Macapá 1600303 2020-03-20

## 2 <NA> 16 2020-03-20

## 3 Macapá 1600303 2020-03-21

amapa[4, 13] #quarto elemento da coluna 13
```

### fontes de ajuda



- Material de estudo em português link
- LearnR4Free em inglês e em espanhol
- Disciplina Projetos de análise de dados usando R link
- R Reference Card PDF
- Base R cheatsheet PDF
- R Taskviews: listas de pacotes por tema curados por especialistas link
- Livro R for Data Science
- Pacote dados: os conjuntos de dados de R4DS traduzidos para o português: GitHub
- RStudio cheatsheet PDF
- RStudio Data Import Cheatsheet PDF
- R Bloggers https://www.r-bloggers.com/

### Onde pedir ajuda?



- Latin-R http://bit.ly/latinr-slack
- RLadies+ https://rladies.org/
- Slack da comunidade RLadies+ https://rladies-community-slack.herokuapp.com/
- YouTube de RLadies+ global https://www.youtube.com/c/RLadiesGlobal
- Comunidade de RStudio https://community.rstudio.com/
- Configuração das opções globais de RStudio link
- Stack OverFlow
- E os coleguinhas de turma!

# Proximo titulo da seção

