Universidad Nacional Autónoma de México

FACULTAD DE CIENCIAS





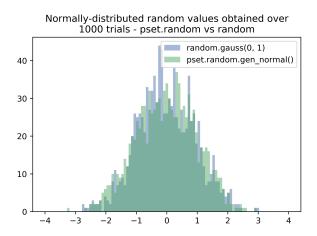
Tarea 06:

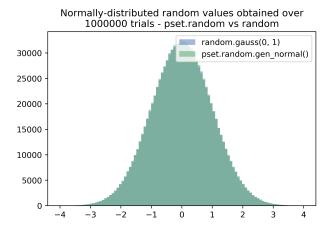
Estrategias evolutivas

Pablo A. Trinidad Paz - 419004279

1. [Ejercicio de programación] Escribe una función que genere números pseudo-aleatorios de las distribución normal estándar N(0,1) a partir de números uniformemente distribuidos. Indica el método usado.

Solución: Se implementó el método de muestreo de números pseudo-aleatorios descrito por Box-Muller¹. A continuación se presentan los resultados de la implementación comparados con el método random.gauss(0,1) de la librería estándar de Python.





¹https://en.wikipedia.org/wiki/Box-Muller_transform

2. [Ejercicio de programación] Implementa el algoritmo (1+1)-ES. Prueba tu algoritmo sobre la función Sphere, la cuál es una función unimodal d-dimensional definida como:

$$f(\vec{x}) = \sum_{i=1}^{d} x_i^2$$

Donde cada $x_i \in [-100, 100]$. Utiliza un parámetro $\sigma = 1$ y un punto inicial $\vec{x} = (x_1, ..., x_d) = (-99, ..., -99)$

a) Ejecuta tu algoritmo para d=10 y para d=100. ¿Qué tan cerca del óptimo converge y qué tan rápido?

Respuesta: Para d=10 con una precisión de 0.01 y un máximo de 10^6 iteraciones, el algoritmo concluye después 413 mutaciones exitosas debido a haber alcanzado el número máximo de iteraciones con un valor promedio para cada x_i de -0.068264 y un fitness de 0.34359 (el cual no cumple con la precisión). Para d=100 con la misma precisión, el algoritmo concluye después de 1296 mutaciones exitosas con un valor promedio para cada x_i de 0.03281650 y fitness de 125.16605 (nuevamente lejano al óptimo y terminando debido al número máximo de iteraciones).

b) Implementa la regla del 1/5 y vuelve a ejecutar tu algoritmo. ¿Qué diferencias observas respecto a la ejecución anterior?

Respuesta: La diferencia es fundamental en el sentido de que los algoritmos sí convergieron y en menos iteraciones que el límite permitía (10^6). Aproximadamente el $\sim 20\,\%$ de las mutaciones fueron exitosas en ambos casos a comparación del caso anterior donde menos del 0.001 % de las mutaciones fueron exitosas. En ambos casos se logró obtener fitness bajo la precisión solicitada: para d=10 se obtuvo 0.00907 y para d=100 se obtuvo 0.00987 con 515 y 22,867 iteraciones respectivamente y 120 y 5,715 mutaciones exitosas respectivamente.

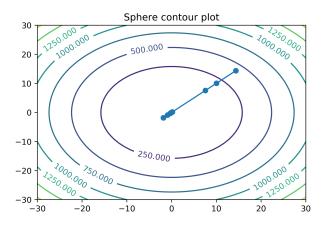
```
Starting simulation with d=10 (fifth rule disabled)
Objective reached
        Generations: 1000000
        Successful mutations: 413
        Chromosome mean: -0.06826455987971958
        Fitness: 0.34359743285720606
Starting simulation with d=100 (fifth rule disabled)
Objective reached
        Generations: 1000000
        Successful mutations: 1296
        Chromosome mean: 0.032816509152443094
        Fitness: 125.16605998855266
Starting simulation with d=10 (fifth rule enabled)
Objective reached
        Generations: 515
        Successful mutations: 120
        Chromosome mean: -0.005919947575676352
        Fitness: 0.009073898608427272
Starting simulation with d=100 (fifth rule enabled)
Objective reached
        Generations: 22867
        Successful mutations: 4715
        Chromosome mean: 0.0003964242388768172
        Fitness: 0.009875960400695284
```

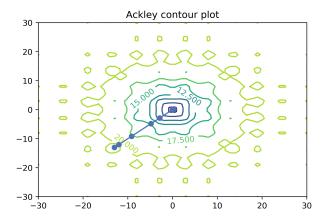
3. [Ejercicio de programación] Implementa el algoritmo $(\mu + \lambda)$ -ES usando mutación no correlacionada (una sola σ para todas las dimensiones del problema). Para adaptar el tamaño de la mutación de σ usa la recomendación dada en clases $\tau = 1/\sqrt{d}$. Prueba tu algoritmo en la función *Sphere* y también en la función *Ackley*, definida como:

$$f(\vec{x}) = -20 \cdot \exp\left(-0.2 \cdot \sqrt{\frac{1}{d} \cdot \sum_{i=1}^{d} x_i^2}\right) - \exp\left(\frac{1}{d} \cdot \sum_{i=1}^{d} \cos(2\pi x_i)\right) + 20 + \exp(1)$$

donde cada $x_i \in [-30, 30]$. Prueba con difer
ntes valores de μ y - λ hasta alcanzar convergencia al óptimo global con un error por debajo de 0.001. Puedes usar la recomendación de parámetros $\frac{\lambda}{\mu} \approx 7$.

a) Ejecuta tu algoritmo en d=2 y grafica los contornos de nivel de la función en los nivelos de f(x): 2,4,6,8,100,12,14,16,18 y 20.





b) ¿Qué tan bien funciona d = 10 respecto a la (1 + 1)-ES?

Respuesta: Usando precisión de 0.001 y d=10, $(\mu+\lambda)$ -ES converge después de 74 generaciones mientras que (1+1)-ES lo hace después de 667 generaciones con únicamente 146 mutaciones exitosas.

```
Starting simulation with d=10 (fifth rule enabled)
Objective reached
                                        Generations: 667
                                        Successful mutations: 146
                                        Chromosome mean: 0.0002929739209432219
                                       Fitness: 0.0008729120379531627
Starting (mu+lambda) simulation to solve Sphere with 10 dimensions
                                        Mu=5
                                                                           Lambda=35
                                        Max trials=1000000
                                        Precision=0.001
                                        Search space=[-30, 30]
Simulation finished!
                                        Generations: 74
                                        Best:
                                                                                Fitness: 0.0008629828305260569
                                                                               \textbf{Chromosome: 0.0035, 0.0067, -0.0063, -0.0060, 0.0139, -0.0154, -0.0063, 0.0032, -0.0032, -0.0154, -0.0154, -0.0063, 0.0032, -0.0032, -0.0032, -0.0154, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -0.0063, -
```