### Exercicio de laboratorio

César A. Galvão - 19/0011572 2022-06-24

## Questao 1

#### Determine a forma do modelo e as hipóteses consideradas

A comparação das médias dos grupos, neste caso os tipos de circuito, será realizada mediante análise de variância. O modelo escolhido para tal é o modelo de efeitos, expresso na equação a seguir

$$y_{ij} = \mu + \tau_i + e_{ij}, \quad i = 1, 2, ..., a; \quad j = 1, 2, ..., n$$
 (1)

em que  $\mu$  é a média geral,  $\tau_i$  é a média ou efeito dos grupos e  $e_{ij}$  é o desvio do elemento. Os grupos são indexados por i e os indivíduos de cada grupo indexados por j.

As hipóteses do teste são as seguintes:

$$\begin{cases}
H_0: \tau_1 = \dots = \tau_a = 0, & \text{(O efeito de tratamento \'e nulo)} \\
H_1: \exists \tau_i \neq 0
\end{cases}$$
(2)

que equivale dizer

$$\begin{cases}
H_0: \mu_1 = \dots = \mu_a \\
H_1: \exists \mu_i \neq \mu_j, i \neq j.
\end{cases}$$
(3)

#### Qual a forma da estatística de teste e sua distribuição amostral?

A estatística de teste é calculada mediante a média ponderada entre a soma dos quadrados dos tratamentos e a soma dos quadrados dos resíduos (quadrados médios dos tratamentos e dos resíduos respectivamente). Sob  $H_0$  a estatística de teste tem distribuição F(a-1,an-a). Os graus de liberdade correspondem aos denominadores dos quadrados médios. Especificamente,

$$\frac{\frac{\text{SQTRAT}}{a-1}}{\frac{\text{SQRES}}{an-a}} = \frac{\text{QMTRAT}}{\text{QMRES}} \sim F(a-1, an-a)$$
(4)

## Construa a tabela de análise de variância e conclua o teste considerando alfa = 0.05

```
tabela <- aov(tempo ~ tipo, dados)
broom::tidy(tabela) %>%
  kbl(align = 'c')%>%
  kable_paper(full_width = T)
```

term	df	sumsq	meansq	statistic	p.value
tipo	2	260.9333	130.46667	4.006141	0.0464845
Residuals	12	390.8000	32.56667	NA	NA

Com base apenas na ANOVA, cujo p-valor é < 0,05, há evidências para rejeitar  $H_0$ , ou seja, existe pelo menos uma média de grupo diferente das demais.

# Quais são as suposições adotadas para a ANOVA? Essas suposições foram satisfeitas para esse experimento?

Para o teste de análise de variâncias, considerando o modelo de efeitos, supõe-se sobre os resíduos, elemento aleatório do lado direito da expressão do modelo:

- independência;
- normalidade;
- homogeneidade de variâncias (homocedasticidade).

Por hipótese, supõe-se que as amostras são independentes. Não há, a priori, como testar independência pois entende-se que isso é derivado do desenho do experimento.

A normalidade da distribuição dos resíduos pode ser testada mediante o teste de Shapiro-Wilk.

#### shapiro.test(tabela\$residuals)

```
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: tabela$residuals
## W = 0.9424, p-value = 0.4135
```

O teste assume como hipótese nula a normalidade dos dados amostrais. Com base no p-valor obtido, não há evidências para a rejeição de  $H_0$ . Isto é, supõe-se normalidade dos dados.

Quando à homocedasticidade, utiliza-se o teste de Levene. A hipótese nula supõe homogeneidade de variâncias entre as amostras.

# #teste de homocedasticidade sobre resíduos car::leveneTest(tempo ~ tipo, dados)

```
## Levene's Test for Homogeneity of Variance (center = median)
## Df F value Pr(>F)
## group 2 2.2415 0.1489
## 12
```

De fato, obtém-se p-valor superior a 0.05, sugerindo a não rejeição de  $H_0$ .

## Faça comparações entre os pares de médias pelo teste de Tukey e apresente os resultados.

Opta-se pelo teste de Tukey para comparações múltiplas de médias. Trata-se de um teste unilateral para comparação de médias entre grupos de tratamento. Sob  $H_0$ , ou seja, a igualdade entre as médias comparadas, a estatística de teste segue uma distribuição Tukey, cujos parâmetros são os graus de liberdade do resíduo e o número de comparações:

$$\frac{|\bar{y}_{i}. - \bar{y}_{j}.|}{\sqrt{\frac{\text{QMRES}}{n}}} \stackrel{H_0}{\sim} \text{Tukey} (gl.res., n^{o}comp.)$$
 (5)

#### TukeyHSD(tabela)

```
## Tukey multiple comparisons of means
## 95% family-wise confidence level
##
## Fit: aov(formula = tempo ~ tipo, data = dados)
##
## $tipo
## diff lwr upr p adj
## II-I 7.4 -2.22898 17.0289799 0.1425885
## III-I -2.4 -12.02898 7.2289799 0.7876393
## III-II -9.8 -19.42898 -0.1710201 0.0459970
```

Pelo teste de Tukey, há indícios para rejeição de  $H_0$  apenas quando comparados os grupos II e III, corroborando o resultado da análise de variâncias.

# Construa um intervalo de confiança para média do circuito com menores tempos considerando gama = 0.98

```
dados %>%
  group_by(tipo)%>%
  summarise(media = mean(tempo))%>%
  print()
```

```
## # A tibble: 3 x 2
## tipo media
## <fct> <dbl>
## 1 I 20.8
## 2 II 28.2
## 3 III 18.4
```

O grupo de menor média de tempo é o grupo III, cuja média é de 18,4. Considerando que a comparação da média do grupo à média global é uma análise de resíduos, utiliza-se como variância QMRES, pois  $E\left(\text{QMRES}\right) = \sigma^2$ . Dessa forma, calcula-se o intervalo de confiança considerando  $\gamma = 0,98$ :

$$IC(\bar{y}_i:;\gamma) = \bar{y}_i. \pm t_{(an-a;1-\alpha/2)} \cdot \sqrt{\frac{\text{QMRES}}{n}}$$
 (6)

$$= \bar{y}_3. \pm t_{(15-3;1-0,01)} \cdot \sqrt{\frac{32,56667}{5}} \tag{7}$$

$$= \bar{y}_3. \pm t_{(12;0,99)} \cdot \sqrt{\frac{32,56667}{5}} \tag{8}$$

$$IC(\bar{y}_3:;0,98) = 18,4 \pm 2,68 \cdot \sqrt{\frac{32,56667}{5}}$$
 (9)

$$= 18, 4 \pm 6, 84 \tag{10}$$

$$= [11, 55; 25, 24] \tag{11}$$

### Exercício de simulação

Faça um experimento de simulação considerando a=4 tratamentos com n=4 repetições e um valor de  $\sigma^2=25$ . Faça k=1000 iterações em que a hipótese nula da ANOVA seja verdadeira e verifique a proporção de casos com pelo menos um erro do tipo I para os testes de comparações múltiplas de médias usando as técnicas de Tukey e Fisher e verificando se existem diferenças entre as técnicas.

São realizadas 1000 iterações considerando 4 tratamentos e 4 repetições independentes cada – portanto amostras de um tamanho total de 16 unidades – advindas de distribuições normais com variância igual a 25. Dessa forma, são satisfeitos os pressupostos da hipótese nula da ANOVA: (1) independência, (2) normalidade e (3) homocedasticidade.

No bloco abaixo, primeiramente é gerado um seed para controlar a geração das 1000 seed únicos seguintes (cuja parte inteira apenas é considerada), usadas na geração das amostras. Assim garante-se a replicabilidade do experimento. Como todas as amostras são geradas aleatoreamente sem qualquer dependência, considera-se que são independentes. Por fim, cada amostra $_k$ ;  $k \in \{1, 2, ..., 1000\}$  de tamanho 16 é gerada com um seed $_k$  correspondente.

```
#seed inicial para gerar as seeds das amostras
set.seed(12)

#seeds para a geracao de amostras nas iteracoes
random <- unique(as.integer(runif(1000, 1, 500000)))

#um vetor que receberá todos os p-valor
resultados <- c()</pre>
```

```
for (k in 1:1000){ #mil iteracoes
  set.seed(random[k]) #seleciona a seed correspondente
  amostra <- data.frame(
    trat = factor(c('I', 'II', 'III', 'IV')),
    medidas = rnorm(16, sd = 5))
  #registra p-valor na tabela
  resultados <- c(resultados,broom::tidy(
    aov(medidas~trat, data = amostra))$p.value[1])
}</pre>
erro_tipo1 <- sum(resultados <= 0.05)
```

Observa-se da simulação que em 57 casos houve erro do tipo 1 considerando  $\alpha=0,05,$  o que representa 5.7% dos casos.

A seguir, são realizados os testes de comparações múltiplas de médias de Tukey e de Fisher.

Caso os testes de comparação múltipla sejam feitos apenas após o teste da anova ser significativo os resultados do item anteiror são alterados?