# Asignación 3: Contraste de medias

**Dr. Marco Aurelio González Tagle** 

**Alumno: César Enrique Martínez Sánchez** 

### **Objetivos**

- 1.- Describir y comprender la estructura de un conjunto de datos reales.
- 2.- Aplicar pruebas estadísticas básicas (prueba t de dos muestras) para contrastar hipótesis sobre medias poblacionales.
- 3.- Interpretar los resultados tanto en términos estadísticos (valores de p, intervalos de confianza, tamaño del efecto) como en términos biológicos (diferencias entre especies de iris).
- 4.- Desarrollar habilidades prácticas en la escritura de código reproducible en R y en la presentación de resultados mediante reportes en formato PDF.

#### Informe escrito:

- Redacte una síntesis (máx. 1 cuartilla) que incluya:
  - Planteamiento del problema y de las hipótesis.
  - Resultados numéricos y gráficos.
  - Interpretación estadística y biológica.

#### Instrucción de tarea

#### Primer contacto con R:

- Explorar la base de datos de iris usando funciones como head(), summary().

# data\_sub <- subset(iris, Species %in% c("versicolor", "virginica")) head(data\_sub)</pre>

```
> head(data_sub)
  Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
                                  4.7
           7.0
                      3.2
                                             1.4 versicolor
51
                                  4.5
                                             1.5 versicolor
           6.4
                      3.2
53
           6.9
                     3.1
                                  4.9
                                             1.5 versicolor
54
          5.5
                      2.3
                                  4.0
                                             1.3 versicolor
                                  4.6
55
          6.5
                      2.8
                                             1.5 versicolor
56
          5.7
                      2.8
                                  4.5
                                             1.3 versicolor
>
```

# 8576901 (Identidad confirmada).

## summary(data\_sub)

```
> summary(data_sub)
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
Min. :4.900 Min. :2.000 Min. :3.000 Min. :1.000 setosa : 0
1st Qu.:5.800 1st Qu.:2.700 1st Qu.:4.375 1st Qu.:1.300 versicolor:50
Median :6.300 Median :2.900 Median :4.900 Median :1.600 virginica :50
Mean :6.262 Mean :2.872 Mean :4.906 Mean :1.676
3rd Qu.:6.700 3rd Qu.:3.025 3rd Qu.:5.525 3rd Qu.:2.000
Max. :7.900 Max. :3.800 Max. :6.900 Max. :2.500
```

- Identificar las variables Petal.Length y determina las estadísticas descriptivas de las dos especies.

```
petal_length <- subset(
  iris,
  Species %in% c("versicolor","virginica"),
  select = c(Species, Petal.Length)
)</pre>
```

Se instala el paquete "**dlypr"** para el cálculo de las estadísticas descriptivas (media, mediana, máximo, mínimo, desviación estándar, cuartiles, rango intercuartil:

```
install.packages("dplyr")
data_sub <- subset(iris, Species %in% c("versicolor","virginica"))
petal length <- subset(data sub, select = c(Species, Petal.Length))
library(dplyr)
petal_length %>%
 group_by(Species) %>%
 summarise(
  n = n()
  mean = mean(Petal.Length),
  median = median(Petal.Length),
  sd = sd(Petal.Length),
  min = min(Petal.Length),
  q1 = quantile(Petal.Length, .25),
  q3 = quantile(Petal.Length, .75),
  max = max(Petal.Length),
  IQR = IQR(Petal.Length),
  .groups = "drop"
```

```
# A tibble: 2 x 10
 Species n mean median sd
                                    min
                                        q1
                                               q3 max
           <int> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl>
1 versicolor
              50 4.26 4.35 0.470
                                    3
                                         4
                                              4.6
                                                    5.1 0.600
2 virginica
              50 5.55 5.55 0.552
                                    4.5 5.1 5.88 6.9 0.775
> )
```

576901 (Identidad confirmada).

## Planteamiento de problema

¿La media de la longitud de pétalo (Petal.Length) difiere entre ambas especies?

Ho (nula): No existe diferencia en la media de la longitud del pétalo entre versicolor y virginica.

• H1 (alternativa): Existe una diferencia en la media de la longitud del pétalo entre versicolor y virginica.

Se realizó la prueba **F-test** para comparar diferencias significativas entre las varianzas de la longitud de pétalo entre ambas especies y seleccionar **Welch** o **t de Student**.

La prueba **F** para homogeneidad de varianzas no fue significativa (F=0.725, p=0.264; IC95% del cociente de varianzas [0.411, 1.278]), por lo que se asumió igualdad de varianzas y se aplicó una prueba **t de Student** de dos muestras ( $\alpha$ =0.05).

Se observó una diferencia significativa de medias de Petal.Length entre *virginica* y *versicolor* (t(98)=-12.60, p<0.001), con una diferencia media de 1.29 (IC95% 1.09-1.50) a favor de *virginica*. El efecto de tamaño de Cohen (Cohen's d) es una medida estandarizada de la diferencia entre dos medias e indica cuántas desviaciones estándar separan las medias de dos grupos. En este caso se observó un tamaño de efecto muy grande (Cohen's d  $\approx$  2.5)

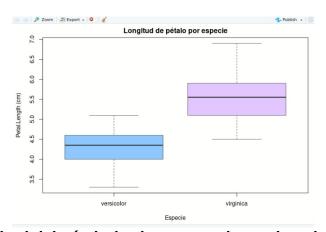


Figura 1. Longitud del pétalo (cm) por especie en el conjunto iris (boxplot).

La diferencia en la longitud del pétalo es **estadística y biológicamente significativa** y de **gran magnitud**. Morfológicamente, las muestras de *virginica* presenta pétalos notablemente más largos que las de *versicolor*, con implicaciones claras para **taxonomía** y **clasificación**.