

**Table A5.2:** The assignment of our subset of protein-coding genes to three identified clusters in our topology-clustering analysis.

Gene	Cluster ID
<i>atpA</i>	1
<i>atpF</i>	1
<i>matK</i>	1
<i>ndhF</i>	1
<i>psaB</i>	1
<i>rpl22</i>	1
<i>rpoB</i>	1
<i>rpoC2</i>	1
<i>rps11</i>	1
<i>rps4</i>	1
<i>ycf2</i>	1
<i>atpB</i>	2
<i>atpI</i>	2
<i>cemA</i>	2
<i>ndhA</i>	2
<i>ndhB</i>	2
<i>ndhD</i>	2
<i>petB</i>	2
<i>psaA</i>	2
<i>psbA</i>	2
<i>psbB</i>	2
<i>psbC</i>	2
<i>psbD</i>	2
<i>rpl16</i>	2
<i>rpl20</i>	2
<i>rpl23</i>	2
<i>rpoA</i>	2
<i>rpoC1</i>	2
<i>rps3</i>	2
<i>atpE</i>	3
<i>atpH</i>	3
<i>ndhE</i>	3
<i>ndhG</i>	3
<i>ndhH</i>	3
<i>ndhI</i>	3
<i>petD</i>	3
<i>petN</i>	3
<i>psaC</i>	3
<i>psaJ</i>	3
<i>psbJ</i>	3
<i>psbL</i>	3

<i>psbM</i>	3
<i>psbT</i>	3
<i>psbZ</i>	3
<i>rbcL</i>	3
<i>rpl2</i>	3
<i>rps12</i>	3
<i>rps15</i>	3
<i>rps18</i>	3
<i>rps19</i>	3
<i>rps7</i>	3
<i>rps8</i>	3
<i>ycf3</i>	3