

Amplicon result supplementary instruction

(00)

2023 / 8 /28

00.RawData 【Rawdata and data after merging】

1. SampleSeq_info.xls 【sample's barcode and primer information】
2. Rawdata_MD5.txt 【md5 file】
3. Sample_Name 【store every sample's rawdata and effective data】
 - 3.1 *.extendedFragments.fastq.gz 【reads after merging】
 - 3.2 *_1.fastq.gz 【reads1 with barcode and primer removing】
 - 3.3 *_2.fastq.gz 【reads2 with barcode and primer removing】
 - 3.4 *_raw_1.fastq.gz 【reads1 with barcode and primer】
 - 3.5 *_raw_2.fastq.gz 【reads2 with barcode and primer】

文件说明

1. SampleSeq_info 【sample's barcode and primer information】

Column number	Column name	Instruction
1	#SampleID	sample name
2	BarcodeSequence	barcode sequence
3	LinkerPrimerSequence	primer sequence