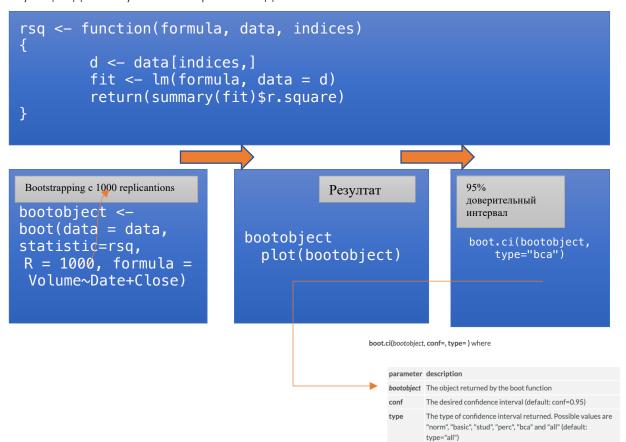
# Московский государственный университет имени М. В. Ломоносова Факультет Вычислительной математики и кибернетики

# Никонов Максим Викторович 316 группа

#### 2020

**Задание 1:** Ознакомиться с процедурой бутстреп (bootstrap) процедурой.

Функция для получения R-Squared из данных:



<u>Используемые packages.</u> dplyr, boot, sm

**Тестирование.** Не требует

**Неразрешенные вопросы.** Нет

Новые функции. boot.ci, boot

Статус компиляции. НЕ ОК. Зависает. Данные из протокола:

```
> bootobject <- boot(data = data, statistic=rsq, ""
+ R = 1000, formula = Volume~Date+Close) "
^C "
^D "HAHAM
AM
X "M
X = 5 "M
^D "HAHADAHA"CAM
Выполнение остановлено^М
^[[1m^[[7m%^[[27m^|[1m^[[0m
^M ^M^[]7;file://MBP-
Nikon.Dlink/Users/Nikon/Desktop/CMC%20MSU/MC/5%20sem/R/tz6/1~G^M^[[0m^[[27m^[[24m^[[]]Nikon@MBP-Nikon 1 % ^[[K^[[?2004he^Hexit^[[?2004l^MAM]</pre>
Script done on Tue Oct 6 17:47:19 2020
```

**Задание 2-3:** Сгенерировать данные из нормального распределения с различными параметрами и провести анализ с помощью графиков квантилей, метода огибающих, а также стандартных процедур проверки гипотез о нормальности, рассмотренных на семинаре (6 тестов). Рассмотреть выборки малого (не более 50-100 элементов) и умеренного (1000-5000 наблюдений) объемов.

Сгенерировать данные из комбинаций, реализованных в R распределений, а затем провести анализ с помощью графиков квантилей, метода огибающих, а также стандартных процедур проверки гипотез о нормальности. Рассмотреть выборки малого и умеренного объемов. Сравнить эффективность методов

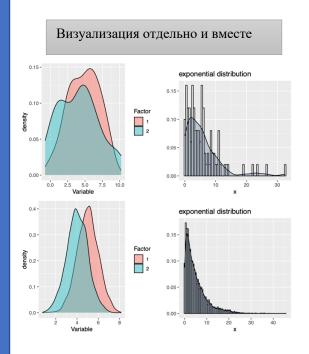
```
small_data = data.frame(
Factor = rep(c("1", "2"), each = 50),
Variable = c(rnorm(50, 5, 2),
rnorm(50, 4, 3)))
big_data = data.frame(
Factor = rep(c("1", "2"), each = 2500),
Variable = c(rnorm(2500, 5),
rnorm(2500, 4)))

Cоздаем 2 frame
нормального распределения
разных размерностей

Чередуются 1,2,1,2,...и
соот-ие значения
```

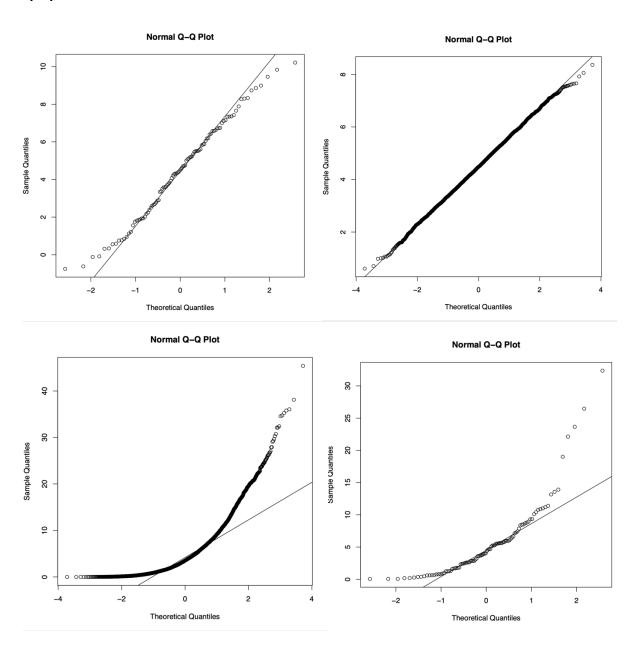
```
set.seed(123)
lambda <- 0.2
n <- 5000
data_expBig <- data.frame(x = rexp(n, lambda))
q <- 100
data_expSmall <- data.frame(x = rexp(q, lambda))
```

```
graf_small <- ggplot(small_data,</pre>
aes(Variable, group = Factor, fill =
Factor)) + geom_density(alpha = 1/2)
graf_big <- ggplot(big_data,</pre>
aes(Variable, group = Factor, fill =
Factor)) + geom_density(alpha = 1/2)
ExponentialBig <- (ggplot(data_expBig,</pre>
aes(x = x)) + ylab("") +
geom_histogram(aes(y=..density..),
binwidth=0.5, color="black",
fill="white") +
ggtitle("
exponential distribution") +
geom_density(alpha = 0.2, fill = 0.2)
"#102C60"))
ExponentialSmall <-</pre>
(ggplot(data_expSmall, aes(x = x)) +
ylab("") +
geom_histogram(aes(y=..density..),
binwidth=0.5, color="black",
fill="white") + ggtitle("
exponential distribution") +
geom_density(alpha = 0.2, fill =
"#102C60"))
graf_small + facet_grid()
graf_big + facet_grid()
plot(ExponentialBig)
plot(ExponentialSmall)
grid.arrange(graf_small,
ExponentialSmall, graf_big,
Exponential Big, ncol = 2)
```



```
qqnorm(small_data$Variable)
qqline(small_data$Variable)
qqnorm(big_data$Variable)
qqline(big_data$Variable)
qqnorm(data_expBig$x)
qqline(data_expBig$x)
qqnorm(data_expSmall$x)
qqline(data_expSmall$x)
```

# Графики квантилей:



#### Проверка на нормальность методом огибающих:

```
x <- sort(rweibull(100, 2, (1 + 1.21*rbinom(100, 1, 0.05)) ))
c(mean(x), sd(x))
SmallV <- sort(rweibull(100, 2, (1 + 1.21*rbinom(100, 1, 0.05)) ))
c(mean(small_data$Variable), sd(small_data$Variable))</pre>
```

#### Данные из протокола:

```
> x <- sort(rweibull(100, 2, (1 + 1.21*rbinom(100, 1, 0.05)) ))
> c(mean(x), sd(x))
[1] 0.9337549 0.4389801
> SmallV <- sort(rweibull(100, 2, (1 + 1.21*rbinom(100, 1, 0.05))
))
> c(mean(small_data$Variable), sd(small_data$Variable))
[1] 4.700931 2.290999
```

# Проверка на нормальность:

```
shapiro.test(small data$Variable)
ad.test(small_data$Variable)
cvm.test(small_data$Variable)
lillie.test(small_data$Variable)
sf.test(small_data$Variable)
shapiro.test(big_data$Variable)
ad.test(big_data$Variable)
cvm.test(big_data$Variable)
lillie.test(big_data$Variable)
sf.test(big_data$Variable)
shapiro.test(data expBig$x)
ad.test(data_expBig$x)
cvm.test(data expBig$x)
lillie.test(data expSmall$x)
sf.test(data_expSmall$x)
shapiro.test(data_expBig$x)
ad.test(data_expBig$x)
cvm.test(data_expBig$x)
lillie.test(data_expBig$x)
sf.test(data expBig$x)
```

Данные из протокола:

```
> shapiro.test(small data$Variable)
             Shapiro-Wilk normality test
data: small_data$Variable
W = 0.98139, p-value = 0.1704
> ad.test(small_data$Variable)
             Anderson-Darling normality test
data: small_data$Variable
A = 0.66736, p-value = 0.07908
> cvm.test(small_data$Variable)
             Cramer-von Mises normality test
data: small_data$Variable
W = 0.12176, p-value = 0.05575
            Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: small_data$Variable
D = 0.078397, p-value = 0.1367
> sf.test(small_data$Variable)
             Shapiro-Francia normality test
data: small_data$Variable W = 0.98436, p-value = 0.2426
> shapiro.test(big_data$Variable)
             Shapiro-Wilk normality test
data: big_data$Variable
W = 0.9969, p-value = 0.6849
> ad.test(big_data$Variable)
             Anderson-Darling normality test
data: big_data$Variable
A = 0.19817, p-value = 0.8868
> cvm.test(big data$Variable)
             Cramer-von Mises normality test
data: big_data$Variable W = 0.027485, p-value = 0.8791
> lillie.test(big data$Variable)
             Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: big_data$Variable
D = 0.0062156, p-value = 0.9112
> sf.test(big data$Variable)
             Shapiro-Francia normality test
data: big_data$Variable W = 0.99975, p-value = 0.7855
> shapiro.test(data_expBig$x)
             Shapiro-Wilk normality test
data: data_expBig$x
W = 0.81615, p-value < 2.2e-16</pre>
> ad.test(data_expBig$x)
             Anderson-Darling normality test
data: data_expBig$x
A = 239.87, p-value < 2.2e-16
> cvm.test(data_expBig$x)
             Cramer-von Mises normality test
data: data_expBig$x
W = 40.582, p-value = 7.37e-10
Предупреждение:
В cvm.test(data_expBig$x) :
p-value is smaller than 7.37e-10, cannot be computed more accurately
> lillie.test(data_expSmall$x)
             Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: data_expSmall$x
D = 0.16956, p-value = 1.712e-07
> sf.test(data_expSmall$x)
             Shapiro-Francia normality test
data: data_expSmall$x
W = 0.77763, p-value = 1.39e-09
> shapiro.test(data expBig$x)
             Shapiro-Wilk normality test
data: data_expBig$x
W = 0.81615, p-value < 2.2e-16
> ad.test(data expBig$x)
             Anderson-Darling normality test
data: data_expBig$x
A = 239.87, p-value < 2.2e-16
> cvm.test(data_expBig$x)
             Cramer-von Mises normality test
data: data_expBig$x
W = 40.582, p-value = 7.37e-10
Предупреждение:
В cvm.test(data_expBig$x) :
p-value is smaller than 7.37e-10, cannot be computed more accurately
> lillie.test(data_expBig$x)
             Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: data_expBig$x
D = 0.15853, p-value < 2.2e-16</pre>
> sf.test(data_expBig$x)
             Shapiro-Francia normality test
data: data_expBig$x
W = 0.81595, p-value < 2.2e-16</pre>
```

<u>Используемые packages.</u> ggplot2, gridExtra, nortest

Тестирование. Не требует

**Неразрешенные вопросы.** Нет

<u>**Новые функции.**</u> ggplot, facet\_grid(), qqnorm, qqline, rweibull, shapiro.test, ad.test, cvm.test, lillie.test, sf.test

Статус компиляции. ОК. Данные из протокола:

```
> ^M
^[[1m^[[7m%^][27m^[[1m^][0m
^M ^M^]]7;file://MBP-Nikon.Dlink/Users/Nikon/Desktop/CMC%20MSU/MC/5%20sem/R/tz6/2-
3^G^M^[[0m^][27m^][24m^][JNikon@MBP-Nikon 2-3 % ^[[K^][?2004he^Hexit^][?2004l^M^M
Script done on Tue Oct 6 18:57:59 2020
```