

# Reporte 2 MSE

*Marcos Arteaga , Claudio Gatica*

*14 septiembre 2017*

## Resumen

En el modelo de estimacion (em) se realizan modificaciones para ajustarlo a datos de entrada por especie, corrigiendo expresiones de variables poblacionales (i.e. biomasa desovante). Se describen las ecuaciones del me precisando las expresiones matemáticas y diferencias en parámetros de entrada (documento Modelo Estimacion).

El objetivo de los cambios, es tener un solo modelo de estimación que se aplique a sardina o anchoveta, siendo condicioando por el dato de entrada y archivo ctl, para trabajar por especie.

## Actividades

1. Se eliminan en tpl del me la declaración de parámetros a estimar de crecimiento, ya que estos ingresan como datos de entrada y no son estimados en el modelo.
2. Se corrigen las fracciones temporales de:
  - a. Desove *SpawnMoFrac*
  - b. Cruceros reclas *reclasMoFrac*
  - c. Crucero pelaces *pelacesMoFrac*

## Configuracion modelos

### sardina común

loo	k	Lt(a=1)	cv (edad)	M
18.5	0.71	8.5	0.182872	0.96

### anchoveta

loo	k	Lt(a=1)	cv (edad)	M
20.8	0.44	8.5	0.182872	0.69

Nota: En el me y ctl se eliminaron los parametros de crecimiento que se repetian, ya que se encuentran declarados en *crecimiento* i.e crecimiento(1), etc