

ОТЧЕТ

Домашнее задание 3

Чеблоков Александр

Сделал класс Kmer_spectre, описание можно увидеть в git репозитории.

Обработал test_kmer.fastq.

file = "/home/aleksandr/Documents/Phylomini/Influenza/test_kmer.fastq"

Создал объект my_spectre, класса Kmer_spectre:

my_spectre = Kmer_spectre()

Составил словарь k-меров:

my_spectre.analyse(file, 11, 35)

Записал словарь в txt файл:

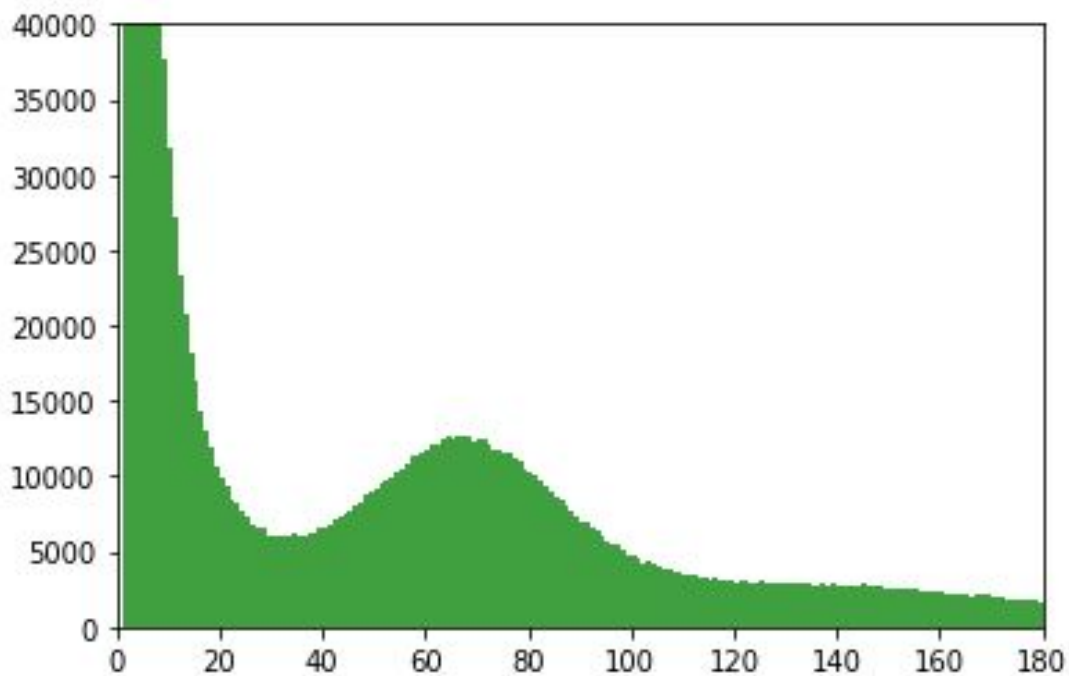
my_spectre.write_kmer_dictionary("/home/aleksandr/Documents/dictionary.txt")

Составил спектр, а затем визуализировал:

my_spectre.build_spectre()

my_spectre.vizualize(180, 40000)

Получил изображение:



Оценил длину генома, по спектру k-меров, с отсечкой 37:

my_spectre.approx(37)

Получил:

13995318